

Presentación cartel

Gestión del riesgo ante la pandemia por SARS CoV 2

Metodología para elaboración de paneles reproducibles en respuesta a la emergencia ocasionada por el virus Sars Cov 2

Carlos Daza, Luz Natalia Espinosa, María Cristina Lesmes
Laboratorio de Salud Pública Departamental del Valle del Cauca, Secretaría de Salud Pública Departamental del Valle del Cauca, Cali, Colombia

Introducción. El volumen de muestras derivadas de la pandemia debida al SARSCoV-2 en 2020 requirió la autorización de colaboradores por parte del Laboratorio de Salud Pública del Valle que debían cumplir con los requisitos de la resolución 1619 del 2016 y los lineamientos emitidos por el INS. Surgió la necesidad de unos paneles de referencia para evaluar el desempeño de los laboratorios dado que en ese momento su disponibilidad era limitada.

Objetivo. Implementar un mecanismo de gestión de la calidad que permitiera elaborar paneles de referencia.

Materiales y métodos. Se buscó la normativa de materiales de referencia y buenas prácticas de laboratorio seleccionando los criterios principales. Se usaron alícuotas de muestras negativas tipificadas por el protocolo de Berlín Charité Vo 2, con Ct ≤ 20 para la enzima Rdrp para hacer una mezcla con medio de transporte viral. Estos paneles fueron inactivados por calor antes de su entrega, y tipificados. Se recomendó manipularlos y transportarlos como potencialmente infecciosos.

Resultados. Se estandarizó un mecanismo para la elaboración de paneles que permitió dar respuesta a la necesidad de ampliar la capacidad de procesamiento de muestras en el Valle del Cauca.

Conclusión. El cumplimiento de la resolución 1619/2016 sobre requisitos para operación en casos de eventos de interés en salud pública y la transversalidad que brinda las normas ISO permitieron cumplir con la mayoría de requisitos de las buenas prácticas de laboratorio y brindaron la oportunidad de detectar oportunidades de mejora. Se estableció un sistema que permitió sortear el riesgo de no tener la capacidad de procesamiento requerida en el territorio.

Palabras clave: gestión; calidad; buenas prácticas; laboratorio; material de referencia.

Referencias

1. Organización Internacional de Normalización. Sistemas de gestión de la calidad ISO 9001 de 2015.
2. Organización Internacional de Normalización. Requisitos generales para la competencia de los productores de materiales de referencia ISO 17034 de 2016.
3. Organización Internacional de Normalización. Requisitos generales para las competencias de los laboratorios de prueba y calibración ISO 17025 de 2017
4. U.S. Food and Drug Administration. Good laboratory practice for nonclinical laboratory studies. Silver Spring: FDA; 2020. Fecha de consulta: 25 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.accessdata.fda.gov/scripts/cdrh/cfdocs/cfcfr/CFRSearch.cfm?CFRPart=58>

Gestión del riesgo ante la pandemia por Sars-Cov2 en los procesos de donación y trasplantes en Colombia

María Angelica Salinas, Diana Carolina Plazas, Yazmin Rocío Aria, Nancy Carolina Mopan
Grupo de Red de Donación y Trasplantes, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Ante la circulación del SARS-CoV-2, el Instituto Nacional de Salud emitió una serie de recomendaciones de vigilancia del comportamiento del virus en los procesos de donación y trasplantes.

Objetivo. Reducir los riesgos en materia de donación y trasplante de componentes anatómicos para asegurar la continuidad de estos procesos en el marco de la pandemia por SARS CoV-2.

Materiales y métodos. Se hizo una revisión rápida de la literatura sobre la presentación clínica, identificación, diagnóstico, transmisión de la enfermedad y mitigación del riesgo en población donante, pacientes en lista y con trasplante. Se hizo un consenso con los involucrados en la Red de Donación y Trasplantes sobre un mecanismo de evaluación y categorización del riesgo por tipo de donación. Se desarrolló una estrategia de vigilancia especial a través de reportes, búsqueda de casos y operación entre el sistema de información RedDataINS® y Sismuestras para identificar donantes y receptores positivos para Sars-Cov2.

Resultados. La evaluación y la categorización del riesgo se aplicó a todos los donantes legalizados. En el 2020 se identificaron 39 donantes legalizados con prueba positiva para SARS-CoV-2, contraindicación para la extracción de componentes anatómicos. Se detectaron 158 personas con trasplante que tenían el Sars-Cov2. La tasa de letalidad en personas con trasplante y en lista de espera de órganos fue tres veces mayor que en la población general.

Conclusiones. Se estandarizó una metodología de evaluación del riesgo y de conductas asociadas, con lo que se aseguró la continuidad de los procesos de la Red de Donación y Trasplante y se disminuyeron los riesgos de transmisión del virus. Hasta la fecha no se han documentado casos de transmisión del Sars-Cov2 entre donantes y receptores.

Palabras clave: evaluación del riesgo; categorización del riesgo; donación; trasplante; Sars-Cov2; COVID-19.

Referencias

1. Instituto Nacional De Salud. Lineamiento técnico para la Red de Donación y Trasplantes relacionado con el coronavirus SARS-CoV-2, responsable de ocasionar la enfermedad infecciosa por coronavirus (COVID-19). Fecha de consulta: 15 de julio 2021. Disponible en: <https://www.ins.gov.co/BibliotecaDigital/lineamiento-trasplantes-covid-19.pdf>
2. 2IETS – ACIN. Consenso colombiano de atención, diagnóstico y manejo de la infección por SARS-CoV-2/COVID-19 en establecimientos de atención de la salud. Tercera Edición. Infectio. 2021;25:2-482.
3. Comisión de Infecciones en Trasplante de Órgano Sólido - SADI/SAT/INCUCAI. Pandemia de coronavirus 2019/2020. Fecha de consulta: 10 de marzo de 2021. Disponible en: <https://bancos.salud.gob.ar/sites/default/files/2021-03/COVID-19-actualizacion-recomendaciones-comision-infecciones-marzo2021.pdf>
4. European Centre for Disease Prevention and Control (ECDC). COVID 19 supply substances human origin second update. Fecha de consulta: 10 de diciembre de 2020. Disponible en: <https://www.ecdc.europa.eu/sites/default/files/documents/Supply-SoHO-COVID-19--second-update-erratum-Feb-2021.pdf>

Impacto de la COVID-19 en los pueblos indígenas de Colombia, 2020

Lady Jacqueline Rivera, Javier Alberto Madero, Diana Marcela Walteros, Ángela Patricia Alarcón, Franklyn Edwin Prieto

Dirección de Vigilancia y Análisis de Riesgo en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, Colombia

Introducción. En Colombia hay aproximadamente 1.905.617 indígenas distribuidos en 115 pueblos. Han vivido epidemias que han cobrado muchas vidas, y se cree que la actual pandemia los afecta de manera particular por las inequidades que sufren.

Objetivo. Describir el comportamiento de la COVID-19 en población indígena y los factores asociados a los resultados fatales.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte transversal analítico con datos de una fuente secundaria, el Sivigila 2020. Se hicieron análisis univariados, bivariados, regresión logística con *odds ratio* (IC de 95 %, $p < 0,05$) para los factores asociados a mortalidad.

Resultados. La incidencia fue de 1.651,7 por 100.000 indígenas, con una tasa de mortalidad de 54,7 casos por 100.000 habitantes y de letalidad de 3,3 %. De los 31.476 casos confirmados, 51 % correspondió a hombres. El 58,1 % presentó síntomas y 11 % tenía antecedentes médicos. La mayor participación fue la de los Zenu (4.369) y los Pijao (2.151). El pueblo Pasto presentó el promedio más alto entre el inicio de síntomas y la consulta (cuatro días) y los Embera entre la consulta y la muerte (23 días). Se encontró una asociación entre la mortalidad por COVID-19 y el sexo masculino (OR: 1,7; $p = 0,00$), el tener una discapacidad (OR: 2,2; $p = 0,04$); la tos (OR: 2,3; $p = 0,00$), la dificultad respiratoria (OR: 4,2; $p = 0,00$), la diabetes (OR: 3,12; $p = 0,00$), la enfermedad cardíaca (OR: 2,9; $p = 0,00$), el cáncer (OR: 6,7; $p = 0,00$), la desnutrición (OR: 1,95; $p = 0,00$), la obesidad (OR: 2,3; $p = 0,00$), la insuficiencia renal (OR: 3,1; $p = 0,00$) y la hipertensión (OR: 1,9; $p = 0,00$).

Conclusión. Es necesario fortalecer los programas de prevención, evaluar las políticas de salud pública y que las instituciones de salud implementen estrategias de comunicación con enfoque diferencial armonizadas con los saberes tradicionales de los indígenas.

Palabras clave: infecciones por coronavirus; pueblos indígenas; modelos logísticos; Colombia; epidemiología.

Referencias

1. Ministerio de Salud y Protección Social. Perfil de salud de la población indígena, y medición de desigualdades en Salud. Bogotá, D.C.: Minsalud; 2016.
2. Organización Nacional Indígena de Colombia. Pueblos. 2018. Fecha de consulta: 20 de julio de 2021. Disponible en: <https://www.onic.org.co/pueblos>
3. Sierra-Praeli Y. Pueblos indígenas: los más vulnerables frente al avance del coronavirus en América Latina. Fecha de consulta: 20 de julio de 2021. Disponible en: <https://es.mongabay.com/2020/03/pueblos-indigenas-coronavirus-america-latina/>
4. Ministerio de Salud Perú. Viceministerio de Salud Pública, Centro Nacional de Epidemiología, Prevención y control de enfermedades. Sala de población indígena con COVID-19. Fecha de consulta: 1 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.dge.gob.pe/portalanuevo/informacion-publica/sala-de-poblacion-indigena-con-covid-19/>
5. Naciones Unidas. The Impact of COVID-19 on Indigenous Peoples POLICY BRIEF NO70. Fecha de consulta: 1 de septiembre de 2021. Disponible en: https://www.un.org/development/desa/dpad/wpcontent/uploads/sites/45/publication/PB_70.pdf

Impacto de la vacunación en el riesgo de hospitalización por COVID-19 en mayores de 60 años de una aseguradora en el Putumayo, 2021

Simón Andrés Giraldo, Ana Lilibeth Zambrano

Fundación Universitaria San Martín, Cali, Colombia; Universidad ECCI, Cali, Colombia

Introducción. La elevada carga de morbimortalidad por COVID-19, aunada a la ausencia de tratamientos concluyentes y al desarrollo de vacunas seguras y efectivas, llevó a implementar desde febrero de 2021 el Plan Nacional de Vacunación en Colombia.

Objetivo. Establecer si la exposición a la vacuna disminuía la incidencia de COVID-19 grave con necesidad de manejo hospitalario.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional de cohorte retrospectivo en 509 personas con diagnóstico confirmado de COVID-19, 60 años o más de edad, residentes en Putumayo y afiliados a una aseguradora de referencia, con un seguimiento de 30 días desde la confirmación del virus. Se analizó el resultado de hospitalización calculando la incidencia acumulada y las razones de riesgo crudas y ajustadas por Mantel-Haenszel.

Resultados. Se reportó un mayor volumen de casos en el sexo masculino, en población de 60 a 79 años y diagnóstico confirmado por pruebas de antígeno; se encontró una vacunación cercana al 20 %, una prevalencia de hipertensión del 31,4 %, de diabetes mellitus del 11,4 %, reinfección del 6,5 % y un resultado de hospitalización del 7,5 %.

Conclusión. La exposición a por lo menos una dosis del biológico en adultos mayores de 60 años evidenció reducciones significativas cercanas al 70 % en la hospitalización por causas asociadas a la COVID-19 comparados con los no vacunados, diferencia que se mantuvo al estratificar por sexo, reinfección, hipertensión y diabetes.

Palabras clave: vacunación masiva; programas de inmunización; COVID-19; epidemia por el nuevo coronavirus (2019-nCoV); hospitalización; adulto mayor.

Referencias

1. Instituto Nacional de Salud. COVID-19 en Colombia Reporte 21-09-2021 5:30 p.m. Coronavirus en Colombia. Fecha de consulta: 22 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.ins.gov.co/Noticias/paginas/coronavirus.aspx>
2. Wang J, Pan L, Tang S, Ji JS, Shi X. Mask use during COVID-19: A risk adjusted strategy. *Environ Pollut.* 2020;266:115099.
3. Zhao G. Taking preventive measures immediately: evidence from China on COVID-19. *Gac Sanit.* 2020;34:217-9.
4. Huang C, Wang Y, Li X, Ren L, Zhao J, Hu Y, *et al.* Clinical features of patients infected with 2019 novel coronavirus in Wuhan, China. *Lancet.* 2020;395:497-506.
5. Yesudhas D, Srivastava A, Gromiha MM. COVID-19 outbreak: history, mechanism, transmission, structural studies and therapeutics. *Infection.* 2021;49:199-213.

Implementación de tecnologías de bajo costo para minimizar el riesgo de enfermedades transmitidas por el aire en entornos educativos

Oscar Arnulfo Fajardo^{1,2}, Javier Casas^{1,2}, Manuel Felipe Mejía^{1,2}, Hugo Franco^{1,2}

¹ Clúster de Investigación en Ciencias y Tecnologías Convergentes (NBIC), Universidad Central, Bogotá, D.C., Colombia

² Facultad de Ingeniería y Ciencias Básicas, Universidad Central, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Históricamente los entornos escolares han sido puntos críticos para la transmisión y propagación de enfermedades. Un sólido cuerpo de evidencia demuestra que la COVID19 se transmite por el aire, por lo que en los ambientes escolares se debe actuar en este sentido.

Objetivo. Establecer una red de monitoreo de CO₂ para cuantificar el riesgo y la reactivación académica distrital.

Materiales y métodos. Con el modelo de Wells-Riley e información proporcionada por sensores de CO₂ NDIR que cuantifican la renovación de volúmenes de aire en espacios cerrados, se evaluó la probabilidad de transmisión de enfermedades infecciosas bajo los parámetros de ocupación y ventilación sugeridos por la resolución 223 de 2021 del Ministerio de Salud en instituciones académicas de Bogotá.

Resultados. Hasta la fecha se han desarrollado programas y *hardware* para el monitoreo en tiempo real de las concentraciones de CO₂ en las aulas con acceso a la visualización de todas las partes interesadas. Se han hecho las cuantificaciones de renovación de aire reales en los espacios académicos distritales. Bajo los parámetros de ocupación máxima permitida y con diferentes configuraciones de ventilación se podrá evaluar la probabilidad de contagio de COVID19.

Conclusiones. Aunque hay incertidumbre en torno a parámetros como la tasa de emisión del virus o los tiempos de vida infecciosa en el medio, la metodología de Wells-Riley y el uso de sensores de bajo costo para mediciones *in situ* y tiempo real permitió evaluar el riesgo de infección y sugerir medidas puntuales para minimizarlo.

Palabras clave: ventilación; modelado de Wells Riley; monitoreo ambiental; sensores de bajo costo.

Referencias

1. Pinto Iza C. Informe vigilancia en salud pública, Bogotá, año epidemiológico 2016. Secretaría Distrital de Salud. Fecha de consulta: 15 de junio de 2020. Disponible en: <http://www.saludcapital.gov.co/DSP/Boletines%20sistemicos/Informe%20Anual/INFORME%20VIGILANCIA%20EN%20SALUD%20P%C3%9ABLICA%20BOGOT%C3%81%20A%C3%91O%202016.pdf>
2. Beggs CB. Is there an airborne component to the transmission of COVID-19?: a quantitative analysis study. medRxiv. 2020;2020.05.22.20109991.
3. Morawska L, Cao J. Airborne transmission of SARS-CoV-2: The world should face the reality. Environment International. 2020;139:105730.
4. Morawska L, Milton DK. It Is Time to Address Airborne Transmission of Coronavirus Disease 2019 (COVID-19). Clin Infect Dis. 2020;71:2311-3.
5. Morawska L, Tang JW, Bahnfleth W, Bluyssen PM, Boerstra A, Buonanno G, *et al.* How can airborne transmission of COVID-19 indoors be minimised? Environment International. 2020;142:105832.

Conglomerados de COVID-19 en poblaciones priorizadas en Colombia, marzo de 2020 a junio de 2021

Edwin Aldemar Hernández, Lyda María Montañó, Javier Alberto Madero, Marta Cecilia Santos, Cristian Llano, María Teresa Zabala

Dirección de Vigilancia y Análisis de Riesgo en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. El estudio del comportamiento epidemiológico de los conglomerados, considerados como señales de la magnitud de la transmisión del virus, y su determinación permiten incidir en el control efectivo del contagio en poblaciones priorizadas en el ámbito institucional y comunitario. Para el periodo en estudio, el 5,5 % de casos confirmados estaba asociado a conglomerados reportados a nivel nacional.

Objetivo. Analizar el comportamiento epidemiológico de los conglomerados con COVID-19 en poblaciones priorizadas y sus principales características sociodemográficas.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo retrospectivo exploratorio utilizando las fuentes de información el reporte nacional de conglomerados con COVID-19, el reporte nacional de COVID-19 y el Sivigila 2020. Se elaboró una curva epidémica y se calculó la distribución de frecuencias, medidas de tendencia central y dispersión.

Resultados. Se encontraron 7.377 conglomerados con COVID-19 con 123.433 casos y una positividad acumulada de 35 %. El 62,3 % correspondió al sexo masculino. El grupo de edad más afectado en ambos sexos fue el de 30 a 39 años, con una proporción de 28,7 % en mujeres y 28,6 % en hombres. La mayor frecuencia de casos se reportó en Bogotá (16,5 %) y Antioquia (13,5 %). Según el tipo de conglomerado, hubo un 23,2 % en población carcelaria y en empresas un 21,8 %. El menor número se dio en población indígena, con 1,4 %, en instituciones educativas, con 0,8 % y en población migrante, con 0,5 %. En la semana epidemiológica 30 de 2020 se evidenció el mayor incremento de casos (5.992) y el mayor descenso en la semana 37.

Conclusiones. Es necesario fortalecer estrategias de intervención innovadoras que involucren acciones de priorización de grupos vulnerables, estratificación del riesgo, gestión de la atención, diagnóstico, prevención y recuperación de los casos.

Palabras clave: brote por 2019-nCoV; poblaciones vulnerables; gestión del riesgo; Colombia.

Referencias

1. Instituto Nacional de Salud. Orientaciones para la vigilancia en salud pública de la Covid19. 2020. Fecha de consulta: 10 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.ins.gov.co/BibliotecaDigital/orientaciones-vigilancia-salud-publica-covid.pdf#search>.
2. Diaz-Pinzón J. Conglomerados que favorecen la trasmisión del virus en Colombia. Repertorio de Medicina y Cirugía. 2020;29:123-7.
3. Observatorio Nacional de Salud. COVID-19 en Colombia; décimo segundo informe técnico. Bogotá, D.C.: INS; 2020. p. 291. Fecha de consulta: 10 de septiembre de 2021. Disponible en: [https://www.ins.gov.co/Direcciones/ONS/Informes/12COVID-19 en Colombia_pandemia en desarrollo.pdf](https://www.ins.gov.co/Direcciones/ONS/Informes/12COVID-19%20en%20Colombia_pandemia_en_desarrollo.pdf).
4. Rachael P. Investigación de tres grupos de COVID-19 en Singapur: implicaciones para las medidas de vigilancia y respuesta. Lancet. 2020;395:1039-46.

Análisis de la equidad en el acceso a unidades de cuidados intensivos de la población con necesidades básicas insatisfechas (NIB) en el Valle del Cauca

Daniel Escobar, Esteban Fernando Ochoa, Ciro Jaramillo

Grupo de Investigación en Tránsito, Transporte y Vías, Universidad del Valle, Cali, Colombia

Introducción. La COVID-19 afectó la capacidad de los organismos de salud, sobre todo el acceso a las unidades de cuidados intensivos (UCI), el servicio más solicitado en la pandemia.

Objetivo. Establecer la distribución de la desigualdad en el acceso territorial de la población con necesidades básicas insatisfechas (NIB) a unidades de cuidados intensivos en la segunda ola del COVID-19 en el Valle del Cauca.

Materiales y métodos. Se utilizó la información suministrada por las instituciones nacionales en el cálculo de indicadores de concentración como el ICEA y el ICEG, y de distribución como el Gini, los cuales consideran el acceso de la población contagiada y los datos de ocupación de las UCI. Estos se emplearon para el cálculo de la equidad espacial teniendo en cuenta el NIB del departamento.

Resultados. Los municipios del centro del departamento registraron una concentración en la distribución del acceso frente a las zonas norte y sur. La desigualdad fue marcada según el coeficiente de Gini, pues en casi todas las semanas fue mayor a 0,7, en tanto que con el ICEA, el promedio durante el estudio fue de 1,54 y con el ICEG de 45,23.

Conclusiones. En general, la distribución del acceso a las camas en las UCI de la población con NIB presentó una desigualdad marcada, puesto que solo en los municipios principales hubo dicho acceso.

Palabras clave: accesibilidad a los servicios de salud; unidades de cuidados intensivos; equidad en salud; equidad en el acceso a los servicios de salud; infecciones por coronavirus; pandemias.

Referencias

1. Buzai GD, Villerías Alarcón I. Concentración espacial de los determinantes sociales de la salud en la cuenca del río Luján, Provincia de Buenos Aires, Argentina. *Huellas*. 2018;22:67-86.
2. Tur-Sinai A, Gur-Arie R, Davidovitch N, Kopel E, Glazer Y, Anis E, *et al.* Vaccination uptake and income inequalities within a mass vaccination campaign. *Israel Journal of Health Policy Research*. 2019;8:63.
3. Ministerio de Salud y Protección Social. Nuevo Coronavirus COVID-19. Bogotá, D.C.: Minsalud; 2020. Fecha de consulta: 2 de noviembre de 2020. Disponible en: <https://covid19.minsalud.gov.co>

Frecuencia de eventos supuestamente atribuibles a la vacunación contra la COVID-19 en estudiantes de medicina en Cali, Colombia, 2021

José Fernando Fuertes-Bucheli, Jeanpool Urias Madrid-Bonilla, Adriana Marcela Rivas Mina, Mario Fernando Ruano-Bolaños, Estephania Ordóñez-Londoño, Juan José Chalparpue-Torres, Sebastián Arias-Silva, David Alejandro Ríos-Pineda, Ana María Bermúdez-Nessim, Beatriz E. Ferro, Robinson Pacheco

Semillero de Microbiología y Salud Pública, Facultad de Ciencias de la Salud, Universidad Icesi, Cali, Colombia

Introducción. El temor a los eventos adversos es la principal causa por la que algunos colombianos aún no se vacunan contra la COVID-19, temor que se ve aumentado por la “infodemia.” La información local fiable puede aumentar la confianza en la vacunación.

Objetivos. Determinar la frecuencia, duración y gravedad de los eventos supuestamente atribuibles a la vacunación contra COVID-19 en estudiantes de medicina en Cali, Colombia, en el 2021.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional descriptivo de corte transversal en adultos voluntarios que habían recibido por lo menos una dosis de la vacuna BNT162b2 de Pfizer-BioNTech y que diligenciaron una encuesta electrónica.

Resultados. Participaron 292 voluntarios con mediana de edad de 21 años (RIC: 20-22); el 95 % rhabía recibido dos dosis, el 64,4 % correspondía a mujeres, el 76,37 % reportó por lo menos un evento, siempre leve. El dolor en el sitio de inyección fue la reacción más reportada (73,6 %) seguida de sensación subjetiva de cansancio, sueño y dolor de cabeza (56,8 %, 46,9 % y 38,6 %, respectivamente). Las reacciones sistémicas se reportaron en mayor proporción después de la segunda dosis. No se encontraron diferencias relacionadas con eventos o medicación previos, ni con comorbilidades o alergias. Las mujeres reportaron más eventos. No se reportaron anafilaxias, hospitalizaciones u otras situaciones moderadas o graves.

Conclusiones. En esta población los eventos posteriores a la vacunación fueron frecuentes. No obstante, todos fueron leves y de corta duración. Las condiciones clínicas y demográficas, con excepción del sexo, no predispusieron a desarrollar eventos.

Palabras clave: vacunación; vacunas; COVID-19; efectos adversos; Colombia; estadísticas y datos numéricos.

Referencias

1. Frencq RW Jr, Klein NP, Kitchin N, Gurtman A, Absalon J, Lockhart S, *et al.* Safety, immunogenicity, and efficacy of the BNT162b2 Covid-19 vaccine in adolescents. *N Engl J Med.* 2021;385:239-250.
2. Whittembury A, Tinoca M. Evestos supuestamente atribuibles a vacunación o inmunización. *Revista Peruana de Epidemiología.* 2009;13:1-12
3. The Lancet Infectious Diseases. The COVID-19 infodemic. *Lancet Infect Dis.* 2020;20:875.
4. Ministerio de Salud y Protección Social. Programa Ampliado de Inmunizaciones (PAI). Lineamientos técnicos y operativos para la vacunación contra el COVID-19. Bogotá, D.C.: Ministerio de Salud y Protección Social; 2021.
5. Pfizer Manufacturing Belgium NV. Vacuna contra el COVID-19 de Pfizer-BioNTech: hoja informativa para los proveedores de atención médica que administran la vacuna (proveedores de vacunación); 2021. Fecha de consulta: 3 de agosto de 2021. Disponible en: <http://labeling.pfizer.com/ShowLabeling.aspx?id=15155>

Los sistemas de información de discapacidad y la COVID-19: un análisis en Latinoamérica y el Caribe

Mónica Pinilla-Roncancio, Nicolás Rodríguez Caicedo
Universidad de los Andes, Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Objetivo. El objetivo principal de este documento es analizar cómo los países en América Latina y el Caribe han recolectado información del posible impacto de la pandemia de la COVID-19 en las condiciones de vida de la población con discapacidad y determinar cuáles han sido las principales medidas implementadas para reducir el impacto económico y social de la pandemia en esta población.

Materiales y métodos. Se revisaron los institutos nacionales de estadística de 27 países de la región, la plataforma *Socioeconomic Impact Assessment* y páginas de instituciones internacionales como el Banco Mundial, el PNUD y la CEPAL en busca de las encuestas nacionales o regionales implementadas durante el 2020. Además, se revisaron las páginas de los ministerios de salud, del trabajo, protección social y desarrollo social de los diferentes países para establecer las principales respuestas que se han dado en torno a la discapacidad.

Resultados. Son pocos los países que han implementado encuestas que incluyan información de la población con discapacidad. En la mayoría de los países no se han adoptado políticas específicas para esta población y en 16 de ellos se hizo una expansión vertical u horizontal de los beneficios existentes para la población con discapacidad.

Conclusiones. La población con discapacidad está invisibilizada en la información recolectada, lo cual limita el conocimiento que los responsables de las políticas tienen sobre el posible impacto de la pandemia en este grupo. Las políticas implementadas en torno a la discapacidad han sido limitadas y no han mitigado el efecto del choque en la población afectada.

Palabras clave: discapacidad; COVID-19; América Latina; sistemas de información.

Referencias

1. World Health Organization. The World Bank. World Report on Disability. Geneva: World Health Organization; 2011.
2. Mitra S, Posarac A, Vick B. Disability and Poverty in Developing Countries: A Snapshot from the World Health Survey. World Bank, 2011.
3. Economic Commission for Latin America and the Caribbean (ECLAC). Social Panorama of Latin America 2013. Santiago de Chile: ECLAC; 2014.
4. Pinilla-Roncancio M. The reality of disability: Multidimensional poverty of people with disability and their families in Latin America. *Disability and Health Journal*. 2018;11:398-404.
5. United Nations (UN). Convention on the Rights of Persons with Disabilities. New York: UN; 2007

Revisión de alcance de la evaluación y planeación de la reapertura gradual progresiva y segura de instituciones educativas del Distrito Especial de Bogotá

Fernando Pío de la Hoz; Dorely Yadira Bejarano; Bertha Carolina Castañeda; Liliana Andrea Munévar; Jeimy Senaida Puentes

Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La escuela es un lugar de formación integral, protección, garantía de derechos, y de promoción de la salud física y mental de toda la comunidad educativa. Las revisiones de la literatura permiten actualizar la información sobre la dinámica de la COVID-19 en países en donde se han implementado medidas de prevención, mitigación y control del contagio en comunidades escolares.

Objetivo. Apoyar procesos de orientación, acompañamiento y fortalecimiento de capacidades de las instituciones educativas a través de una revisión de la literatura que aporte a la reapertura de los colegios de Bogotá.

Materiales y métodos. Se hizo una revisión de alcance de múltiples fuentes científicas y no científicas entre mayo y diciembre del 2021 sobre la sensibilidad y transmisibilidad del SARS-CoV-2 en niños y adolescentes, las condiciones para la reapertura de escuelas, la efectividad de medidas no farmacológicas, los brotes tras la reapertura y los avances en la vacunación.

Resultados. Hasta agosto del 2021 se incluyeron 166 documentos en los que se documentaba que los niños y adolescentes tienen bajo riesgo de contagio y transmisibilidad del virus. Las principales condiciones para la reapertura se relacionan con indicadores epidemiológicos comunitarios, el acondicionamiento de la infraestructura y las dinámicas pedagógicas para adoptar medidas de bioseguridad y autocuidado, la efectividad de las medidas no farmacológicas en la reducción de casos, los protocolos de rastreo y manejo de casos, y la efectividad de la vacunación en menores de 18 años iniciada en otros países.

Conclusión. La información que se suministró a la Secretaría de Educación de Bogotá permitió fortalecer la toma de decisiones para el retorno a la presencialidad a medida que se actualizaran las evidencias y las experiencias en diferentes latitudes.

Palabras clave: SARS-CoV-2; COVID-19; transmisión de enfermedades; prevención y control; brotes; colegios; vacunación infantil.

Referencias

1. American Academy of Pediatrics. Seguridad en la escuela durante la pandemia del COVID-19. Fecha de consulta: 1 de abril de 2021. Disponible en: <https://www.healthychildren.org/spanish/health-issues/conditions/covid-19/paginas/return-to-school-during-covid-19.aspx>
2. American Federation of Teachers. A plan to safely reopen America's Schools and communities. https://www.aft.org/sites/default/files/covid19_reopen-america-schools.pdf
3. Bernstein J, Hutler B, Rieder T, Faden R, Han H, Barnhill A. Instituto Johns Hopkins Berman de Bioética e Instituto Agora SNF. An Ethics Framework for the COVID-19 Reopening Process. <https://bioethics.jhu.edu/wp-content/uploads/2019/10/FINAL-SNF-Agora-Covid-19.pdf>
4. Busa F, Bardanzellu F, Pintus MC, Fanos V, Marcialis MA. COVID-19 and school: To open or not to open, that is the question: To first review on current knowledge. Pediatric Reports. 2021;13:257-78. <https://doi.org/10.3390/PEDIATRIC13020035>
5. Carvalho S, Rossiter J, Angrist N, Hares S, Silverman R. An evidence kit for policymakers planning for school reopening and recovery after covid19. In Center for Global Development. <https://www.cgdev.org/sites/default/files/planning-school-reopening-and-recovery-after-covid-19.pdf>

Mortalidad por COVID-19 en Colombia, 2020

Carmenza Osorio, Claudia Pérez, Deccy González

Dirección de Vigilancia y Análisis de Riesgo en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. En el mundo se han reportado 1.800.000 muertes por COVID-19. Según la Organización Mundial de la Salud, la letalidad fue de 1,2 %, durante el 2020.

Objetivo. Describir la mortalidad por COVID-19 en Colombia en el 2020.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo de revisión de los datos de vigilancia en salud pública, certificados de defunción y reportes de laboratorio para COVID-19 desde la semana epidemiológica 10 a la 53 del 2020. Se calculó la distribución de frecuencias, las tasas de mortalidad, la letalidad por grupo de edad y se comparó por subregiones.

Resultados. En Colombia el sistema de vigilancia registró 50.933 muertes por COVID-19, con una tasa de mortalidad del 101,1 por 100.000 habitantes y una letalidad de 2,8 % durante el 2020. La letalidad de los hombres fue del 3,7 % frente a la de las mujeres, del 2,1 %. La letalidad en mayores de 80 años fue la mayor (29,3 %), el departamento de Magdalena registró la letalidad más alta, con 7,0 %, seguido por el distrito de Buenaventura, con 6,09 %. En cuanto a los picos de mortalidad, se presentaron dos, uno en la semana 31 (n=2.533) y otro en la semana 52 (n=2.475), que superaron la media. Por grupos étnicos, los afrocolombianos reportaron el 3,4 % de las muertes y la población indígena el 2,1 %.

Conclusión. La mortalidad por COVID-19 fue más frecuente en hombres en todos los grupos de edad, en la población mayor de 80 años, y afectó a los grupos étnicos; la letalidad más alta se registró en Magdalena.

Palabras clave: infección por coronavirus; mortalidad; grupos étnicos; incidencia; epidemiología.

Referencias

1. Fantin R, Brenes-Camacho G B-SC. Defunciones por COVID-19: distribución por edad y universalidad de la cobertura médica en 22 países. Rev Panam Salud Pública. 2021;45:1-8. <https://doi.org/10.26633/RPSP.2021.42>
2. Diaz-Pinzón J. Estimación de las tasas de mortalidad y letalidad por COVID-19 en Colombia. Repertorio de Medicina y Cirugía. 2020;29:89–93.
3. Organización Mundial de la Salud. Estadísticas sanitarias mundiales 2020: monitoreando la salud para los ODS, objetivo de desarrollo sostenible. Organización Mundial de la Salud. Fecha de consulta: 15 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://apps.who.int/iris/handle/10665/338072>
4. Organización Mundial de la Salud. Actualización epidemiológica semanal de COVID-19 (5 de enero de 2021). Fecha de consulta: 20 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/emergencias/diseases/novel-coronavirus-2019/situation-reports/>

Modelos geospaciales para la vigilancia local en salud pública: una mirada al control de brotes de SARS-CoV-2 en Cartagena y Barranquilla, 2020

Silvana Zapata Bedoya^{1,2}, Diana Walteros³, Marcela Mercado²

¹. Programa de Epidemiología de Campo FETP, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

². Dirección de Vigilancia en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

³. Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Los modelos geospaciales son una herramienta epidemiológica de apoyo en el rastreo de contactos.

Objetivo. Determinar la estructura temporal y espacial del SARS-CoV-2 causante de la enfermedad por coronavirus (COVID-19) en Cartagena y Barranquilla.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio ecológico que incluyó un análisis espacial basado en densidades de Kernel de las variables de casos, alertas desde una aplicación móvil, vulnerabilidad poblacional, índice de pobreza multidimensional (IPM), aplicación de interpolación espacial (IDW) de los casos activos para la aplicación de la técnica de superposición espacial como resultado final. Se utilizó la base de datos del Instituto Nacional de Salud de las ciudades de Cartagena y Barranquilla y la del Departamento Nacional de Estadística.

Resultados: Se caracterizó epidemiológicamente el comportamiento ascendente de los casos en las dos ciudades y se determinó la dirección espacial de propagación de la enfermedad mediante la interpolación espacial con la identificación de las áreas a intervenir en 15 barrios de Cartagena y 13 de Barranquilla en los 50 metros alrededor de la ubicación de los casos activos de menos 21 días y según las capas de riesgo geográfico determinadas en la interpolación espacial como mecanismo para frenar la propagación de la COVID-19.

Conclusiones. El análisis espacial constituyó una metodología complementaria útil para el rastreo de contactos y aportó evidencia científica necesaria para la implementación de medidas de intervención directa en los barrios encaminadas a reducir el contagio del SARS-CoV-2.

Palabras clave: sistema de información geográfica (SIG); COVID-19; vigilancia en salud pública; mapa de riesgo; brotes; gestión del riesgo; epidemiología.

Referencias

1. Ruiz-Bravo A, Jiménez-Varela M. SARS-CoV-2 y pandemia de síndrome respiratorio agudo (COVID-19). *Ars Pharmaceutica*. 2020;61:63-79.
2. Koo JR, Cook AR, Park M, Sun Y, Sun H, Lim JT, *et al*. Interventions to mitigate early spread of SARS-CoV-2 in Singapore: a modelling study. *Lancet Infect Dis*. 2020;20:678-88.
3. Tang Y, Wang S. Mathematic modeling of COVID-19 in the United States. *Emerg Microbes Infect*. 2020;9:827-9.
4. WHO. Coronavirus disease (COVID-2019) situation reports, 2020. Fecha de consulta: 3 de agosto de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/emergencies/diseases/novel-coronavirus-2019/situation-reports>

Diversidad genética y filodinámica del SARS-CoV-2 en Colombia durante el primer año de pandemia

Diego Garzón-Ospina^{1,2}, Sindy P. Buitrago^{1,2}, Jhoan S. Beltran-Guiza^{1,2}

¹ Population Genetics And Molecular Evolution – Pgame, Fundación Scient, Tunja, Colombia

² Escuela de Ciencias Biológicas, Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia, Tunja, Colombia

Introducción. La aparición de un nuevo miembro de los coronavirus, el SARS-CoV-2, ha provocado un problema de salud pública en todo el mundo. Los análisis de diversidad genética pueden proporcionar información sobre la dinámica poblacional del virus y constituyen una fuente de información alternativa sobre la epidemia.

Objetivo. Determinar la diversidad genética y dinámica del SARS-CoV-2 en Colombia durante el primer año de la pandemia.

Materiales y métodos. A partir de 280 genomas de SARS-CoV-2 reportados en Colombia, se calcularon los estimadores de diversidad genética, se hicieron pruebas de neutralidad y de parámetros epidémicos.

Resultados. Se observó una baja diversidad genética en comparación con otras regiones del mundo. Las pruebas de neutralidad sugieren una expansión poblacional durante los primeros meses de la pandemia. Sin embargo, después de junio de 2020 se observó un patrón que sugiere la llegada de variantes del virus de diversas poblaciones genéticamente diferentes, observándose variantes de preocupación en circulación en el país. Los análisis filodinámicos y de cambios en el tamaño efectivo de la población sugieren que el origen de la pandemia pudo darse entre los meses de junio y septiembre de 2019, o que el virus pudo llegar a mediados de diciembre de 2019 o principios de enero de 2020. El número de reproducción (R_0) se estimó en 3,1 al inicio de la pandemia y un descenso para finales de abril 2020.

Conclusiones. Los análisis bayesianos de coalescencia permitieron determinar la dinámica poblacional del SARS-CoV-2 en Colombia.

Palabras clave: SARS-CoV-2; filodinámica; diversidad genética; Colombia.

Referencias

1. Coronaviridae Study Group of the International Committee on Taxonomy of V. The species Severe acute respiratory syndrome-related coronavirus: classifying 2019-nCoV and naming it SARS-CoV-2. *Nat Microbiol* 2020;5:536-544.
2. Bogoch, Il, Watts A, Thomas-Bachli A, Huber C, Kraemer MU, Khan K. Pneumonia of unknown aetiology in Wuhan, China: potential for international spread via commercial air travel. *J Travel Med* 2020;27: taaa008.
3. Wu F, Zhao S, Yu B, Chen YM, Wang W, Song ZG, *et al.* A new coronavirus associated with human respiratory disease in China. *Nature*. 2020;579:265-9.
4. Volz EM, Siveroni I. Bayesian phylodynamic inference with complex models. *PLoS Comput Biol*. 2018;14:e1006546.

Investigación epidemiológica y genómica del primer caso colombiano detectado con la variante delta del SARS-CoV-2 en Cartagena

Steev Loyola^{1,2}, Jaison Torres-Pacheco¹, Dacia Malambo-García^{1,2}, Doris Gómez-Camargo^{1,2}

¹ Grupo de Investigación UNIMOL, Facultad de Medicina, Universidad de Cartagena, Cartagena de Indias, Colombia

² Doctorado en Medicina Tropical, Facultad de Medicina, Universidad de Cartagena, Cartagena de Indias, Colombia

Introducción. La variante B.1.617.2, conocida como delta, se detectó en India durante octubre de 2020. Desde entonces se ha extendido rápidamente y ha desplazado otras variantes. El 24 de julio de 2021 se detectó el primer caso de esta variante en Colombia.

Objetivo. Describir la investigación epidemiológica y genómica del primer caso de delta detectado y sus contactos durante agosto del 2021 en Cartagena, Colombia.

Materiales y métodos. El grupo UNIMOL realiza un estudio de vigilancia de virus en sujetos con síntomas respiratorios agudos desde el 2014. La información epidemiológica se recolecta en una ficha estándar. Los ácidos nucleicos se extraen a partir de un hisopado nasofaríngeo y se utiliza la RT-PCR para detectar el ARN del SARS-CoV-2. De los casos confirmados, se seleccionan las muestras por muestreo aleatorio y estratificado para secuenciar el gen de la espiga por Sanger.

Resultados. Un varón de 46 años de edad con síntomas respiratorios, sin antecedentes de viaje al extranjero y con esquema completo de vacunación resultó positivo para el SARS-CoV-2 y posteriormente la variante se confirmó como delta. Dado el hallazgo, los tres contactos domiciliarios reportados y un contacto extra-domiciliario fueron enrolados en el estudio; todos ellos resultaron positivos para la variante delta. Se describió la probable cadena de transmisión y los resultados de la caracterización genómica de las variantes.

Conclusión. Nuestro estudio aporta información genómica que será útil para estudios futuros y contribuye a la comprensión de la epidemiología molecular de la variante delta en Cartagena.

Palabras clave: SARS-CoV-2; variante B.1.617.2, SARS-CoV-2; variante delta, SARS-CoV-2; Colombia; Cartagena de Indias.

Referencias

1. Kupferschmidt K, Wadman M. Delta variant triggers new phase in the pandemic. *Science*. 2021;372:1375-6.
2. World Health Organization. Weekly epidemiological update on COVID-19 – 21 September 2021. Fecha de consulta: 7 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/publications/m/item/weekly-epidemiological-update-on-covid-19---21-september-2021>
3. Ministerio de Salud. Boletín de prensa No. 790 del 2021. Colombia confirma presencia de la variante Delta en el país. Fecha de consulta: 7 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.minsalud.gov.co/Paginas/Colombia-confirma-presencia-de-la-variante-Delta-en-el-pais-.aspx>

Atypical N-glycosylation of SARS-CoV-2 impairs the efficient binding of Spike-RBM to the human host receptor hACE2.

Gustavo Adolfo Gámez^{1,2}, Juan Antonio Hermoso³, César Andrés Carrasco-López⁴, Alejandro Gómez-Mejía⁵, Carlos Enrique Muskus⁶, Sven Hammerschmidt⁷

- ¹ Genetics, Regeneration and Cancer (GRC) Research Group, University Research Center (SIU), University of Antioquia, Medellín, Colombia
- ² Basic and Applied Microbiology (MICROBA) Research Group, School of Microbiology, University of Antioquia, Medellín, Colombia
- ³ Department of Crystallography and Structural Biology, Institute of Physical Chemistry "Rocasolano", Madrid, Spain
- ⁴ Department of Chemical and Biological Engineering, Princeton University, Princeton NJ, USA
- ⁵ Department of Infectious Diseases and Hospital Epidemiology, University Hospital Zurich, University of Zurich, Zurich, Switzerland.
- ⁶ Program for the Study and Control of Tropical Diseases-PECET, Faculty of Medicine, University of Antioquia, Medellín, Colombia
- ⁷ Department of Molecular Genetics and Infection Biology, Interfaculty Institute for Genetics and Functional Genomics, Center for Functional Genomics of Microbes, University of Greifswald, Greifswald, Germany

Introduction: SARS-CoV-2 internalization by human host cells relies on the molecular binding of its spike glycoprotein (SGP) to the angiotensin-converting-enzyme-2 (hACE2) receptor.

Objective: To get insights into the potential role of atypical N-glycosylation sequons of SGP in modulating SARS-CoV-2 tropism for infections.

Materials and methods: We made an extensive bioinformatics analysis of publicly available structural and genomic data.

Results: We identified two atypical sequons (sequences of N-glycosylation: NGV 481-483 and NGV 501-503) strategically located on the receptor-binding motif (RBM) of SGP and facing the hACE2 receptor. Interestingly, the cryo-electron microscopy structure of trimeric-SGP in complex with potent-neutralizing antibodies from convalescent patients revealed covalently-linked N-glycans in NGV 481-483 atypical sequons. Furthermore, NGV 501-503 atypical sequon involves the asparagine-501 residue whose highly-transmissible mutation N501Y is present in circulating variants of major concern and affects the SGP-hACE2 binding interface through the well-known hotspot-353.

Conclusion: These findings suggest that atypical SGP post-translational modifications modulate the SGP-hACE2 binding-affinity affecting consequently SARS-CoV-2 transmission and pathogenesis.

Keywords: COVID-19; SARS-CoV-2; spike glycoprotein; receptor-binding domain; atypical N-glycosylation; human-ACE2.

References

1. Wan Y, Shang J, Graham R, Baric RS, Li F. Receptor Recognition by the Novel Coronavirus from Wuhan: an Analysis Based on Decade-Long Structural Studies of SARS Coronavirus. *J. Virol.* 2020;94:e00127-20.
2. Andersen KG, Rambaut A, Lipkin WI, Holmes EC, Garry RF. The proximal origin of SARS-CoV-2. *Nat Med.* 2020;26:450-2.
3. Shajahan A, Supekar NT, Gleinich AS, Azadi P. Deducing the N- and O-glycosylation profile of the spike protein of novel coronavirus SARS-CoV-2. *Glycobiology.* 2020;30:981-8.
4. Sun S, Zhang H. Identification and Validation of Atypical N-Glycosylation Sites. *Anal Chem.* 2015;87:11948-51.
5. Liu L, Wang P, Nair MS, Yu J, Rapp M, Wang Q, Luo Y, *et al.* Potent neutralizing antibodies directed to multiple epitopes on SARS-CoV-2 spike. *bioRxiv.* 2020;2020.06.17.153486.

Seroprevalencia de anticuerpos contra Sars-Cov2 en trabajadores de cadenas de producción alimentaria en Colombia

Martha Fabiola Rodríguez¹, Julián Felipe Porras-Villamil¹, Laura Victoria Martín¹, Jhon Erick Rivera², Yohana Mantilla², Sandra Carolina Durán¹, Mario Javier Olivera³

¹. Universidad de la Salle, Bogotá, D. C., Colombia

². Laboratorio LIAC, Universidad de la Salle, Bogotá, D. C., Colombia

³. Grupo de Parasitología, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La pandemia de COVID-19 ha afectado de manera importante a la población latinoamericana. En Colombia falta evidencia sobre la diseminación del virus.

Objetivo. Determinar la prevalencia de anticuerpos contra el SARS CoV2 en trabajadores de comunidades urbanas y rurales vinculadas a cadenas de producción de alimentos.

Materiales y métodos. Se analizaron 1.242 personas vinculadas a la cadena avícola (Santander), lechera (Cundinamarca y Boyacá) y de doble propósito (Caquetá). Los participantes firmaron el consentimiento informado, respondieron una encuesta y se les tomó una muestra de sangre para determinar los anticuerpos contra el SARS-CoV2. Se hicieron análisis univariados, bivariados y multivariados para comparar la seropositividad con las características sociodemográficas según el tipo de cadena productiva.

Resultados. La edad promedio fue 40,9 años (DE: 13,0); el 78,7 % era del sexo masculino; el 50,9 % vivía en áreas rurales; el 75,4 % no reportó síntomas relacionados con la enfermedad. El 39,2 % presentaba anticuerpos contra la proteína S del SARS-CoV2: en la cadena láctea especializada, un 33,3 %; en la cadena avícola, un 40,7 %, y en la cadena lechera con doble propósito, un 55,4 %. Los factores de riesgo asociados con la seropositividad para COVID-19 fueron un menor nivel educativo (OR: 1,46; IC_{95%}: 1,05-2,03; p=0,027), un mayor número de convivientes (OR: 1,36; IC_{95%}: 1,01-1,85; p=0,047), y haber tenido contacto con personas con COVID-19 (OR: 2,03; IC_{95%}: 1,32-3,11; p=0,001).

Conclusiones. Las seroprevalencias encontradas sugieren una importante interconectividad entre el área rural y la urbana, lo que permite que los sujetos asintomáticos y los factores sociodemográficos faciliten la diseminación del virus en la población.

Palabras clave: SARS-CoV2; COVID-19; seroprevalencia; trabajadores producción de alimentos; Colombia.

Referencias

1. Guo Y-R, Cao Q-D, Hong Z-S, Tan Y-Y, Chen S-D, Jin H-J, *et al.* The origin, transmission and clinical therapies on coronavirus disease 2019 (COVID-19) outbreak – an update on the status. *Mil Med Res.* 2020;71:1–10.
2. Rockstroh A, Wolf J, Fertey J, Kalbitz S, Schroth S, Lübbert C, *et al.* Correlation of humoral immune responses to different SARS-CoV-2 antigens with virus neutralizing antibodies and symptomatic severity in a German COVID-19 cohort. *Emerg Microbes Infect.* 2021;10:774-81.
3. Buss LF, Prete CA, Abraham CMM, Mendrone A, Salomon T, Almeida-Neto C de, *et al.* Three-quarters attack rate of SARS-CoV-2 in the Brazilian Amazon during a largely unmitigated epidemic. *Science.* 2021;371:288-92.
4. Instituto Nacional de Salud. Estudio seroprevalencia de SARS-CoV-2 durante la epidemia en Colombia: estudio país. Bogotá, D.C.: INS; 2020. p. 1–14.
5. Mattar S, Alvis-Guzmán N, Garay E, Rivero R, García A, Botero Y, *et al.* Severe Acute Respiratory Syndrome Coronavirus 2 Seroprevalence among Adults in a Tropical City of the Caribbean Area, Colombia: Are We Much Closer to Herd Immunity Than Developed Countries? *Open Forum Infect Dis.* 2020;7:1-4.
6. Figar S, Pagotto V, Luna L, Salto J, Manslau MW, Mistchenko AS, *et al.* Community-level SARS-CoV-2 seroprevalence survey in urban slum dwellers of Buenos Aires City, Argentina: A participatory research. medRxiv. 2020. <https://doi.org/10.1101/2020.07.14.20153858>

Desarrollo de una prueba serológica para la detección de IgG e IgM contra la proteína N de SARS-CoV-2

Martha Fabiola Rodríguez¹, Jhon Erick Rivera², Yohana Mantilla², Julián Porras-Villamil¹, Laura Victoria Martín¹, Nubia Inés Varela³

¹. Universidad de la Salle, Bogotá, D.C., Colombia

². Laboratorio LIAC, Universidad de la Salle, Bogotá, D.C., Colombia

³. Sub Red Integrada de Servicios de Salud Centro Oriente, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Los pacientes con COVID-19 presentan altos niveles de anticuerpos contra las proteínas S y N en diferentes fases de la enfermedad detectables con buena especificidad y sensibilidad, por lo que son los antígenos más utilizados para el diagnóstico serológico de la COVID-19.

Objetivo. Desarrollar y poner a punto una prueba serológica de fácil producción para la detección de anticuerpos contra SARS-CoV-2 que contribuya al estudio de la seroprevalencia de COVID-19 en Colombia.

Materiales y métodos. Se desarrolló un ensayo serológico *in house* (*LaSalleCoV2N*) para la detección de anticuerpos IgG e IgM contra la proteína N recombinante (Nr) del SARS-CoV-2 producida en células BL21 donadas por la Universidad Nacional de Colombia y transformadas con el vector pET-28a (+) donado por BEI Resources-USA. La antigenicidad de la proteína se evaluó por *Western blot*. Los inmunoplatos se sensibilizaron con 0,2 µg/ml de la proteína Nr (se utilizó *Anti IgG e IgM F(ab)²* humana) y se marcaron con HRP, y la reacción se reveló con luminol. La estandarización y validación incluyó 206 sueros de pacientes sintomáticos positivos por RT-PCR; 71 sueros de pacientes asintomáticos por RT-PCR; 111 sueros negativos por RT-PCR; 115 sueros prepandemia y el estándar internacional S321834 NIBSC donado por *Solidarity II-OMS*.

Resultados. El ensayo tuvo una sensibilidad del 91,3 % (IC_{95%}: 86,1-94,8 %) y una especificidad del 93,0 % (IC_{95%}: 86,8-97,0 %) en sueros de pacientes sintomáticos positivos por RT-PCR comparados con los sueros prepandemia. En los de pacientes asintomáticos positivos por RT-PCR la sensibilidad fue del 70,4 % (IC_{95%}: 58,4-80,7 %) y una especificidad del 93,0 % (IC_{95%}: 86,8-97,0 %).

Conclusiones. *LaSalleCoV2N* es un ensayo serológico con buena sensibilidad y de producción fácil, rápida y económica.

Palabras clave: nucleoproteína; SARS-CoV-2; prueba serológica; anticuerpos; IgG; IgM.

Referencias

1. Amanat F, Stadlbauer D, Strohmeier S, Nguyen THO, Chromikova V, McMahon M, *et al.* A serological assay to detect SARS-CoV-2 seroconversion in humans. *Nat Med.* 2020;26:1033–6.
2. Ou X, Liu Y, Lei X, Li P, Mi D, Ren L, *et al.* Characterization of spike glycoprotein of SARS-CoV-2 on virus entry and its immune cross-reactivity with SARS-CoV. *Nat Commun.* 2020;11:1620. <https://doi.org/10.1038/s41467-020-15562-9>
3. Fenwick C, Croxatto A, Coste AT, Pojer F, André C, Pellaton C, *et al.* Changes in SARS-CoV-2 Spike versus Nucleoprotein Antibody Responses Impact the Estimates of Infections in Population-Based Seroprevalence Studies. Subbarao K, editor. *J Virol.* 2021;95
4. Rockstroh A, Wolf J, Fertey J, Kalbitz S, Schroth S, Lübbert C, *et al.* Correlation of humoral immune responses to different SARS-CoV-2 antigens with virus neutralizing antibodies and symptomatic severity in a German COVID-19 cohort. *Emerg Microbes Infect.* 2021;10:774-81.

Intensidad de la respuesta inmunitaria a la vacuna contra la COVID-19 en trabajadores de la salud evaluada mediante una prueba de anticuerpos IgG cuantitativos

Sigifredo Ospina¹, Danys Pérez¹, Edward Pérez¹, Juan Sebastián Moncada¹, Gabriela Becerra², Lisseth Pizano³

¹ Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

² Hospital San Vicente Fundación Medellín, Medellín, Colombia

³ Hospital San Vicente Fundación Rionegro, Rionegro, Colombia

Introducción. Ante las limitaciones para la medición de anticuerpos neutralizantes para evaluar la respuesta a las vacunas, se vienen desarrollando pruebas de detección de anticuerpos cuantitativos como potenciales correlatos de inmunidad.

Objetivo. Determinar la intensidad de la respuesta de anticuerpos IgG frente a la vacuna contra la COVID-19 en trabajadores de la salud.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo prospectivo de evaluación de la respuesta inmunitaria generada por la vacuna contra la COVID-19 en trabajadores de la salud de dos hospitales de alta complejidad utilizando la prueba Siemens Atellica IM SARS-CoV-2 IgG (sCOVG).

Resultados. Se incluyeron en el estudio 216 trabajadores de la salud con una edad promedio de 37,8 años. El 87,2 % (191) correspondió al sexo femenino; el 39,7 % (87) era auxiliar de enfermería, el 26 % (57) enfermeras, el 21 % (46) médicos, y el resto, de otras profesiones.

La mediana de tiempo entre la aplicación de la segunda dosis de la vacuna y la toma de la muestra para la medición de anticuerpos fue de 118 días (RIQ:109-131). El 21,9 % (48) de los trabajadores tuvo niveles de anticuerpos superiores a 3.270 BAU. La mediana de los títulos de anticuerpos IgG en los trabajadores con menos de 3.270 BAU fue de 891 BAU. En el grupo con más de 3.270 BAU, el 41,6 % tenía antecedente de COVID-19, en tanto que en los grupos restantes, solo el 25,1 %.

Conclusiones. La prueba utilizada se comportó como un buen correlato de inmunidad después de la vacunación en la población estudiada. Se debe continuar el seguimiento, con el fin de evaluar la duración de la respuesta.

Palabras clave: anticuerpos cuantitativos; COVID-19; vacuna; trabajadores de la salud.

Referencias

1. Loeffelholz MJ, Tang YW. Laboratory Diagnosis of Emerging Human Coronavirus Infections — The State of the Art. *Emerg Microbes Infect.* 2020;9:747-56.
2. Dreser A. Retos y avances en la vacunación contra COVID-19 en Latinoamérica y el Caribe. *Salud UIS.* 2021;53:e21002. <https://doi.org/10.18273/saluduis.53.e:21002>
3. Okba NMA, Müller MA, Li W, Wang C, GeurtsvanKessel CH, Corman VM, *et al.* Severe acute respiratory syndrome coronavirus 2-specific antibody responses in coronavirus disease 2019 patients. *Emerg Infect Dis.* 2020. <https://doi.org/10.3201/eid2607.200841>
4. Bal A, Pozzetto B, Trabaud MA, Escuret V, Rabilloud M, Langlois-Jacques C, *et al.* Evaluation of high-throughput SARS-CoV-2 serological assays in a longitudinal cohort of patients with mild COVID-19: clinical sensitivity, specificity and association with virus neutralization test. *Clin Chem.* 2021;67:742-52. <https://doi.org/10.1093/clinchem/hvaa336>
5. Resman K, Korva M, Knap N, Zupanc TA, Poljak M. Performance of the rapid high-throughput automated electrochemiluminescence immunoassay targeting total antibodies to the SARS-CoV-2 spike protein receptor binding domain in comparison to the neutralization assay. *J Clin Virol.* 2021;139:104820

Seroprevalencia y actividad neutralizante de anticuerpos anti-SARS-CoV-2 entre donantes de sangre voluntarios en Bogotá

Fernando Pinzón¹, Mónica Marulanda¹, Ayda Rodríguez¹, Adriana Urbina²

¹ Banco Nacional de Sangre, Cruz Roja Colombiana, Bogotá, D.C., Colombia

² Ciencias Biomédicas-Fisiología, Escuela de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad del Rosario, Bogotá, D.C., Colombia

Objetivo. Evaluar la prevalencia y actividad neutralizante de anticuerpos anti-SARS-CoV-2 entre donantes de sangre voluntarios en Bogotá.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional transversal con 400 muestras de donantes voluntarios atendidos en un banco de sangre en Bogotá en noviembre de 2020. Se emplearon IgG S-RBD, IgG S/N e IgM S/N (MAGLUMI® S-RBD IgG, 2019-nCoV IgG, 2019-nCoV IgM-CLIA) como pruebas iniciales. En las muestras positivas se determinaron los anticuerpos neutralizantes (NABs; MAGLUMI® Neutralizing Antibody-CLIA). Se evaluó el desempeño de cada ensayo empleando 30 muestras preandémicas y 14 confirmadas para SARS-CoV-2 mediante RT-PCR (≥ 14 días). Se calculó la seroprevalencia ajustada y su intervalo de confianza de 95 % según la sensibilidad y especificidad (IBM® SPSS v26.0).

Resultados. La sensibilidad y especificidad de la prueba IgG S-RBD fue de 100 % y 90 %, respectivamente; las de IgG S/N, de 100 % y 83,3 %; las de IgM S/N, 35,7 % y 93,3 %, y las de NABs, 80 % y 100 %. La seroprevalencia ajustada para IgG S-RBD fue de 23,3 % (19,3-27,4 %); para IgG S/N, de 15,7 % (12,0-19,5%), y para IgM S/N, de 5,5 % (4,2-6,8 %). La positividad para NABs fue de 71/163 (43,6 %) en las muestras positivas según las pruebas de primera línea y de 71/400 (17,8 %) en todas las muestras.

Conclusión. La IgG S-RBD mostró el mejor desempeño y una seroprevalencia superior a la informada en donantes de sangre en otros países, pero similar a la informada en la población general en Bogotá. Solo se detectó actividad neutralizante en el 43,6 % de las muestras positivas o el 17,8 % de todas las muestras.

Palabras clave: SARS-CoV-2; pruebas serológicas; donantes de sangre.

Referencias

1. Filho LA, Szwarcwald CL, Mateos S de OG, de Leon AC, Medronho R de A, Veloso VG, *et al.* Seroprevalence of anti-SARS-CoV-2 among blood donors in Rio de Janeiro, Brazil. *Rev Saúde Pública.* 2020;54:69.
2. Saeed S, Drews SJ, Pambrun C, Yi Q-L, Osmond L, O'Brien SF. SARS-CoV-2 seroprevalence among blood donors after the first COVID-19 wave in Canada. *Transfusion.* 2021;61:862.
3. Instituto Nacional de Salud. Grupo Colaborativo Estudio País. Seroprevalencia de SARS-CoV-2 durante la epidemia en Colombia: estudio País-Reporte Preliminar No.2. Internet. 2020. <https://www.ins.gov.co/BibliotecaDigital/Seroprevalencia-Colombia-reportes-preliminar-n-2.pdf>
4. Gallian P, Pastorino B, Morel P, Chiaroni J, Ninove L, de Lamballerie X. Lower prevalence of antibodies neutralizing SARS-CoV-2 in group O French blood donors. *Antiviral Res.* 2020;181:104880.

Producción y caracterización de pseudoviriones que expresan la proteína spike del SARS-CoV-2

María Camila Lopez-Osorio¹, Melissa Montoya-Guzmán¹, Santiago Alvarez-Cárdenas¹, Javier A. Jaimes², María-Cristina Navas¹

¹ Grupo de Gastrohepatología, Facultad de Medicina, Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

² Department of Microbiology & immunology, College of Veterinary Medicine, Cornell University, Ithaca, United States of America

Introducción. Teniendo en cuenta la virulencia de SARS-CoV-2 y la posibilidad de transmisión por aerosoles, los pseudoviriones son una estrategia para el estudio de este virus emergente en laboratorios BSL-2 para reducir el riesgo biológico.

Objetivo. Obtener y caracterizar pseudoviriones con expresión de la proteína spike.

Materiales y métodos. Los pseudoviriones fueron obtenidos mediante co-transfección de células HEK-293T con tres plásmidos para la expresión de MLV gag-pol, luciferasa (gen reportero) y la proteína S del SARS-CoV-2. El sobrenadante de las células transfectadas se recuperó 72 horas después. La evaluación, caracterización y cuantificación de los pseudoviriones se realizó mediante expresión de luciferasa, inmunofluorescencia indirecta y citometría de flujo y RT-qPCR.

Resultados. El ensamblaje de los pseudoviriones se demostró mediante la expresión de la luciferasa en las células VERO-E6 72 después de la transducción; el título se calculó en $7,76 \times 10^8$ URL/ml; también se estimó en 144.315,84 copias/ml mediante amplificación de una región del gen reportero utilizando RT-qPCR. La proteína spike se detectó en los pseudoviriones utilizando un anticuerpo policlonal anti-spike y un anticuerpo secundario marcado con APC y evaluado por citometría de flujo. Se demostró, además, la expresión de la proteína spike en las células HEK-293T 72 horas después de la transfección mediante *Western blot* utilizando el anticuerpo policlonal anti-spike y un anticuerpo secundario marcado con peroxidasa.

Conclusiones. Se obtuvieron pseudoviriones que expresan la proteína spike de SARS-CoV-2 en la envoltura y se logró la caracterización con diferentes técnicas. Los pseudoviriones permiten el estudio de esta proteína viral y su interacción con proteínas celulares como ACE-2.

Palabras clave: SARS-CoV-2, Spike, pseudoviriones, luciferase, transfección, transducción.

Referencias

1. Millet JK, Tang T, Nathan L, Jaimes JA, Hsu HL, Daniel S, *et al.* Production of pseudotyped particles to study highly pathogenic coronaviruses in a biosafety level 2 setting. *J Vis Exp.* 2019;145. <https://doi.org/10.3791/59010>
2. Jaimes JA, Millet JK, Goldstein ME, Whittaker GR, Straus MR. A fluorogenic peptide cleavage assay to screen for proteolytic activity: applications for coronavirus spike protein activation. *J Vis Exp.* 2019;143. <https://doi.org/10.3791/58892>
3. Jaimes JA, Millet JK, Whittaker GR. Proteolytic cleavage of the SARS-CoV-2 spike protein and the role of the novel S1/S2 site. *iScience.* 2020;23:101212. <https://doi.org/10.1016/j.isci.2020.101212>

Impacto de las infecciones del torrente sanguíneo en la mortalidad de pacientes con COVID-19 que requieren atención en la unidad de cuidados intensivos: un estudio de cohorte retrospectivo

Jorge Alberto Cortés^{1,2}, Martha Carolina Valderrama-Ríos¹, Laura Cristina Nocua-Báez^{1,2}, Lina María Quitián¹, Fabio Alexander Lozada¹, Giancarlo Buitrago³

¹ Departamento de Medicina Interna, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

² Servicio de Enfermedades Infecciosas, Hospital Universitario Nacional, Bogotá, D.C., Colombia

³ Instituto de Investigaciones, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Las infecciones del torrente sanguíneo (ITS) en pacientes con infección por COVID-19 que son admitidos en la unidad de cuidado intensivo (UCI) son frecuentes.

Objetivo. Determinar el impacto de las ITS en la mortalidad hospitalaria de pacientes con infección por SAR-CoV-2 admitidos en UCI.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de cohorte retrospectivo en pacientes adultos con infección por COVID-19 confirmada o sospechada que requirieron ingreso hospitalario y manejo en UCI entre el 29 de marzo de 2020 y el 19 de diciembre de 2020. Con base en la identificación de la ITS se definieron dos grupos de exposición mutuamente excluyentes. La ITS se definió como el aislamiento microbiológico bacteriano o fúngico mediante hemocultivo. Las variables de confusión se ajustaron mediante un análisis de probabilidad inversa ponderada del tratamiento (IPTW) para establecer el resultado principal de mortalidad hospitalaria.

Resultados. Se incluyeron 423 pacientes con una mediana de edad de 63 años (RIQ: 53-73), 142 (40 %) de ellos con sobrepeso y una mediana del índice de comorbilidades de Charlson de 3 (RIQ: 1-4); en los 308 (73 %) pacientes que recibieron respiración mecánica invasiva, la muerte hospitalaria se produjo en 180 (43 %) y las ITS en 63 (15 %) pacientes, principalmente bacterianas (92 %). Después de realizar el ajuste por IPTW se encontró una mortalidad de 47,7 % en el grupo con ITS Vs. 42,7 % en el grupo sin ITS (OR: 1.26; IC_{95%}: 0,59-2,72).

Conclusiones. La diferencia en la mortalidad hospitalaria de pacientes con infección por SARS-CoV-2 admitidos en UCI con ITS comparada con aquellos sin ITS no fue estadísticamente significativa.

Palabras clave: COVID-19; SARS-CoV-2; sepsis; neumonía viral; mortalidad hospitalaria; puntaje de propensión.

Referencias

1. Grasselli G, Greco M, Zanella A, Albano G, Antonelli M, Bellani G, *et al.* Risk factors associated with mortality among patients with covid-19 in intensive care units in Lombardy, Italy. *JAMA Intern Med.* 2020;180:1345-55.
2. Yang X, Yu Y, Xu J, Shu H, Xia J, Liu H, *et al.* Clinical course and outcomes of critically ill patients with SARS-CoV-2 pneumonia in Wuhan, China: a single-centered, retrospective, observational study. *Lancet Respir Med.* 2020;8:475-81.
3. Ferrando C, Mellado-Artigas R, Gea A, Arruti E, Aldecoa C, Bordell A, *et al.* Patient characteristics, clinical course and factors associated to ICU mortality in critically ill patients infected with SARS-CoV-2 in Spain: A prospective, cohort, multicentre study. *Rev Esp Anestesiol Reanim (Engl Ed).* 2020;67:425-37.
4. Cataldo MA, Tetaj N, Selleri M, Marchioni L, Capone A, Caraffa E, *et al.* Incidence of bacterial and fungal bloodstream infections in COVID-19 patients in intensive care: An alarming "collateral effect". *J Glob Antimicrob Resist.* 2020;23:290-1.
5. Cuntro M, Manisco A, Guarneri D, Zuglian G, Vailati F, Passera N, *et al.* Blood stream infections during the first wave of COVID-19. A short microbiological retrospective picture at Papa Giovanni XXIII Hospital, Bergamo, Italy. *New Microbiol.* 2021;44:51-8.

Autopsy findings in people vaccinated against SARS-CoV-2 infection: Preliminary analysis in a Colombian series

Juan José Chaves¹, Juan Carlos Bonilla¹, Fernando Polo¹, Oscar Mendoza¹, Iván Romero¹, María Victoria Caro¹, Andrea González¹, Lisseth K. Sánchez¹, Félix Murcia¹, Gloria Márquez¹, María Alejandra Benavides¹, María del Pilar Quiroga¹, Jorge López¹, Alfonso J. Rodríguez-Morales³, Rafael Parra-Medina^{1,2}

¹ Departamento de Patología, Fundación Universitaria de Ciencias de la Salud, Bogotá, D.C., Colombia

² Instituto de Investigación, Fundación Universitaria de Ciencias de la Salud, Bogotá, D.C., Colombia

³ Fundación Universitaria Autónoma de las Américas, Pereira, Colombia

Introduction: During the COVID-19 pandemic, vaccination has been a key strategy for disease control and the significant reduction of fatal outcomes. However, deaths may occur in vaccinated people, although rarely.

Objective: To describe autopsy findings from people vaccinated against COVID-19.

Materials and methods: We conducted a descriptive cross-sectional study based on autopsies in patients who died from non-violent causes and had some immunization against SARS-CoV-2 between March 1 2021 and April 31, 2021.

Results: We analyzed 121 autopsies (81 were performed at the San José Hospital and 40 at the San José Children's Hospital in Bogotá, Colombia). The mean age was 84 years (minimum 66-maximum 103) and 52,1 % were female. A total of 118 patients (97.5%) had received Sinovac (92.4% one dose, 7.6% two) and the remaining 1.65% had received one dose of the ChAdOx1 and 0,82 % one dose of the BNT162b2. Most cases had comorbidities including hypertension (76.03%), hypothyroidism (39%), COPD (29.75%), diabetes (19%), heart failure (16.52%), myocardial infarction (14.87%), cancer (12.39%), and arrhythmias (10.74%), among others. Sudden cardiac death was the leading death cause (57.02%) followed by myocardial infarction (43.78%) and other cardiovascular conditions (aortic dissection, aortic aneurysms, arrhythmias) (19%).

Conclusions: As expected, most fatal cases occurred in patients with risk factors and one vaccine dose (known to be insufficient for an ideal immune protection level against SARS-CoV-2 infection). Therefore, the full scheme of most vaccines is critical in patients with risk factors and comorbidities, particularly those causing immunosuppression, as recommended in national and international guidelines.

Keywords: COVID-19; SARS-CoV-2; autopsy; risk factors; pandemic; Colombia.

References

1. Urrunaga-Pastor D, Bendezu-Quispe G, Herrera-Añazco P, Uyen-Cateriano, Toro-Huamanchumo CJ, Rodríguez-Morales AJ, *et al.* Cross-sectional analysis of COVID-19 vaccine intention, perceptions and hesitancy across Latin America and the Caribbean. *Travel Med Infect Dis.* 2021;41:102059. <https://doi.org/10.1016/j.tmaid.2021.102059>
2. Dagan N, Barda N, Kepten E, Miron O, Perchik S, Katz MA, *et al.* BNT162b2 mRNA Covid-19 Vaccine in a Nationwide Mass Vaccination Setting. *N Engl J Med.* 2021;384:1412-23. <https://doi.org/10.1056/NEJMoa2101765>
3. Bergwerk M, Gonen T, Lustig Y, Amit S, Lipsitch M, Cohen C, *et al.* Covid-19 Breakthrough Infections in Vaccinated Health Care Workers. *N Engl J Med.* 2021;385:1474-84. <https://doi.org/10.1056/NEJMoa2109072>
4. Lange B, Gerigk M, Tenenbaum T. Breakthrough Infections in BNT162b2-Vaccinated Health Care Workers. *N Engl J Med.* 2021;385:1145-6. <https://doi.org/10.1056/NEJMc2108076>

Comportamiento de la diabetes mellitus y la COVID-19 en Colombia, 2020-2021

Carlos Andrés Pinto-Díaz

Doctorado en Epidemiología y Bioestadística, Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. Los pacientes diabéticos con COVID-19 tienen dos a cuatro veces mayor probabilidad de enfermar gravemente, ingresar a una UCI, requerir respiración mecánica invasiva y morir que las personas sin diabetes.

Objetivo: Estimar la incidencia y la tasa de mortalidad por COVID-19 en casos con antecedente de diabetes mellitus en Colombia durante el 2020 y 2021.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal de los casos de COVID-19 con diagnóstico previo de diabetes mellitus registrados en SEGCOVID en Colombia durante el 2020 y el 2021 (resultados preliminares: 25/09/2021). Se utilizaron proyecciones de población del DANE para calcular las incidencias. El análisis estadístico se realizó con el software R versión 4.1.1.

Resultados. Se notificaron 169.591 casos de COVID-19 en personas con diabetes mellitus, con una incidencia de 334,43 casos por cada 100.000 habitantes. El 86,75 % de los casos ocurrió en personas de 50 años y más, con una incidencia de contagio y tasa de mortalidad que superaba hasta cuatro veces las reportadas a nivel nacional. El 17,57 % de los fallecidos en Colombia por COVID-19 tenía diabetes, y de ellos, ocho de cada diez no tenían el esquema de vacunación contra el SARS-CoV-2.

Conclusión: La diabetes mellitus puede ser un factor de riesgo que contribuye a la gravedad y mortalidad del COVID-19 en Colombia. Debe garantizarse la cobertura de vacunación completa contra el SARS-CoV-2 en esta población, además de promocionar su acceso oportuno a los servicios de salud para garantizar el diagnóstico precoz de la enfermedad y el control de la glucemia.

Palabras clave: COVID-19; SARS-CoV-2; mortalidad; diabetes mellitus; síndrome agudo pos- COVID-19; vacunas contra COVID-19.

Referencias

1. Abdi A, Jalilian M, Sarbarzeh PA, Vlaisavljevic Z. Diabetes and COVID-19: A systematic review on the current evidences. *Diabetes Res Clin Pract.* 2020;166:108347. <https://doi.org/10.1016/j.diabres.2020.108347>
2. Builes-Montaño CE, Ramírez-Rincón A. Diabetes mellitus en COVID-19: ¿factor de riesgo o factor pronóstico? *Revista Colombiana de Endocrinología, Diabetes & Metabolismo.* 2020;7:62-6. <https://doi.org/10.53853/encr.72S.585>
3. Ministerio de Salud y Protección Social. El 23% de los fallecidos por covid-19 en el país tenían diabetes. Fecha de consulta: 25 de agosto 2021. Disponible en: <https://bit.ly/3obpE7x>
4. Departamento Administrativo Nacional de Estadística. Proyección de población. Fecha de consulta: 25 de agosto 2021. Disponible en: <https://bit.ly/3iaYqKu>
5. Mantovani A, Byrne CD, Zheng MH, Targher G. Diabetes as a risk factor for greater COVID-19 severity and in-hospital death: A meta-analysis of observational studies. *Nutr Metab Cardiovasc Dis.* 2020;30:1236-48. <https://doi.org/10.1016/j.numecd.2020.05.014>

Efectividad terapéutica de medicamentos convencionales en la infección por SARS-CoV-2: una revisión de la literatura actual

Constanza Neri, José David Cardona, Jorge Luis Cortés, Felipe Alejandro Illetaty, María Fernanda Maza, Emma Isabel Balcázar, Luis Gustavo Celis

Facultad de Medicina, Universidad de la Sabana, Chía, Colombia

Introducción. Con el fin de controlar la COVID-19, los científicos del mundo trabajan para encontrar fármacos eficaces contra el SARS-CoV2, incluidos aquellos dirigidos a alterar el genoma y el funcionamiento del virus, así como reducir la carga viral y controlar la respuesta inflamatoria secundaria a la respuesta inmunitaria desregulada.

Objetivo. Evaluar la evidencia y efectividad de los diferentes medicamentos usados para el tratamiento de la COVID 19.

Materiales y métodos. Se realizó una búsqueda bibliográfica en diferentes bases de datos electrónicas: Pubmed, Clinical Key, Web of Science y Scopus, con palabras clave para detectar la literatura pertinente.

Resultados. Los principales grupos de agentes terapéuticos que se han evaluado para el tratamiento de la COVID-19 incluyen medicamentos antivirales, antibióticos, antipalúdicos, inmunomoduladores como los esteroides, interferones, inhibidores de interleucina y plasma convaleciente. Se encontró evidencia que respalda el uso de la dexametasona, el tocilizumab, el sarilumab, los inhibidores de la cinasa Jano como el baricitinib, los anticuerpos monoclonales, y la enoxaparina. Además, la FDA recomienda que se desarrollen anticuerpos monoclonales individuales que se combinarán para minimizar el riesgo de perder efectividad contra variantes emergentes.

Conclusión. Hay evidencia reciente que respalda suficientemente el uso de medicamentos para el tratamiento de la COVID-19. Sin embargo, se requieren más estudios para evaluar su efectividad, especialmente la de aquellos sobre los que no hay evidencia clínica clara con resultados positivos.

Palabras clave: COVID-19; SARS-CoV-2; medicamentos; variantes; tratamiento; infección.

Referencias

1. Cantini F, Goletti D, Petrone L, Najafi Fard S, Niccoli L, Foti R. Immune Therapy, or Antiviral Therapy, or Both for COVID-19: A Systematic Review. *Drugs*. 2020;80:1929-46. <https://doi.org/10.1007/s40265-020-01421-w>
2. Office of the Commissioner. Actualización sobre el coronavirus (COVID-19): La FDA publica políticas para guiar a los desarrolladores de productos médicos que están abordando variantes del virus, 2021. Fecha de consulta: 26 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.fda.gov/news-events/press-announcements/actualizacion-sobre-el-coronavirus-covid-19-la-fda-publica-politicas-para-guiar-los-desarrolladores>
3. Alshaeri HK, Natto ZS. A contemporary look at COVID-19 medications: Available and potentially effective drugs. *Eur Rev Med Pharmacol Sci*. 2020;24:9188-95.
4. Magro G. COVID-19: Review on latest available drugs and therapies against SARS-CoV-2. Coagulation and inflammation cross-talking. *Virus Res*. 2020;286:198070. <https://doi.org/10.1016/j.virusres.2020.198070>
5. Sinha P, Matthay MA, Calfee CS. Is a "cytokine Storm" Relevant to COVID-19? *JAMA Intern Med*. 2020;180:1152-4.
6. Drożdżal S, Rosik J, Lechowicz K, Machaj F, Koffis K, Ghavami S, *et al*. FDA approved drugs with pharmacotherapeutic potential for SARS-CoV-2 (COVID-19) therapy. *Drug Resist Updat*. 2020;53:100719. <https://doi.org/10.1016/j.drug.2020.100719>

Secuencias relacionadas con el retrovirus endógeno porcino y otros retrovirus endógenos humanos detectados en el viroma de muestras respiratorias de pacientes graves o fallecidos por COVID-19

Jaime E. Castellanos¹, Eliana Calvo¹, Johana Madroño¹, Jhann Andrés Arturo², Adriana Franco³, Sigrid Camacho-Ortega¹, Carolina Coronel-Ruiz¹, María Angelica Calderón-Peláez¹, Félix Giovanni Delgado-Tiría¹, Lady López-Ibarra¹, Lilia Jadith Bernal-Cepeda⁴, Sonia P. Bohórquez⁴, María Fernanda Montañéz¹, Myriam Lucía Velandia-Romero¹

¹ Instituto de Virología, Universidad El Bosque, Bogotá, D.C., Colombia

² Inmugen Corporation, Bogotá, D.C., Colombia.

³ Unidad de Cuidado Intensivo, Clínica Meta, Villavicencio, Colombia

⁴ Facultad de Odontología, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Las manifestaciones clínicas graves de la COVID-19 son causadas por la desregulación de la respuesta inmunitaria innata y adquirida asociada con hiperinflamación, lo que explica la falla multiorgánica. La activación infecciosa de los retrovirus endógenos (ERV) presentes en el genoma humano se ha asociado con enfermedades inflamatorias y neurológicas.

Objetivo. Describir por secuenciación el viroma de muestras respiratorias de pacientes con COVID-19 grave y fatal.

Materiales y métodos. Se tomó muestra de secreción respiratoria a cinco pacientes con diagnóstico de COVID-19 grave ingresados en la UCI por falla respiratoria. Las muestras se procesaron para extracción del ARN y la síntesis de cDNA usando el protocolo de enriquecimiento SISPA y secuenciados en la plataforma NovaSeq. Se descartaron las secuencias humanas (Bowtie2) y las restantes se evaluaron para establecer la similaridad en el programa Diamond-V2.0. Los resultados de filogenia se graficaron en MEGAN.

Resultados. Los cinco pacientes requirieron respiración mecánica invasiva y presentaron falla multiorgánica; cuatro fallecieron durante la hospitalización. En los cinco pacientes se encontraron secuencias del retrovirus endógeno porcino (PERV), con un altísimo número de copias, del retrovirus endógeno humano (HERV) como retrovirus asociado con esclerosis múltiple (HERV-W/MSAR), también con un alto número de copias, y del HERV-K. En cuatro de los cinco pacientes se encontró el HERV-H/Env60, y en todas las muestras, bacteriófagos como el SaPL (*Pseudomonas*), el AP1 (*Aeromonas* spp) y el vB_EcoM (*Escherichia coli*).

Conclusiones. En esta serie de casos se evidenció por primera vez la presencia de secuencias de PERV y HERV en pacientes con diagnóstico de COVID-19, lo cual se relacionaría con la activación transcripcional, una mayor respuesta hiperperinflamatoria y mayor gravedad.

Palabras clave: SARS-CoV-2; COVID-19; retrovirus endógeno porcino; retrovirus endógeno humano; MSR; HERV-K.

Referencias

1. Charvet B, Reynaud JM, Gourru-Lesimple G, Perron H, Marche PN, Horvat B. Induction of proinflammatory multiple sclerosis-associated retrovirus envelope protein by human herpesvirus-6A and CD46 receptor engagement. *Front Immunol.* 2018;6:9:2803. <https://doi.org/10.3389/fimmu.2018.02803>
2. Culley AJ, Lang AS, Suttle CA. Metagenomic analysis of coastal RNA virus communities. *Science.* 2006;312:1795-8.
3. Balestrieri E, Minutolo A, Petrone V, Fanelli M, Iannetta M, Malagnino V, *et al.* Evidence of the pathogenic HERV-W envelope expression in T lymphocytes in association with the respiratory outcome of COVID-19 patients. *EBioMedicine.* 2021;66:103341. <https://doi.org/10.1016/j.ebiom.2021.103341>

Infección por SARS-CoV-2 en menores de 0 a 5 años en Colombia

Greace Alejandra Ávila, Diana Alexa Forero, Diana Marcela Walteros, Franklyn Edwin Prieto
Dirección de Vigilancia y Análisis del Riesgo en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá,
D.C., Colombia

Introducción. La infección por SARS-CoV-2 en niños se manifiesta con cuadros leves o asintomáticos; los síntomas más comunes son fiebre, tos y síntomas gastrointestinales. En el mundo los casos en niños representan aproximadamente el 2 % de los casos totales.

Objetivo. Describir el comportamiento epidemiológico y clínico de la COVID-19 en menores de 0 a 5 años en Colombia entre marzo del 2020 y agosto del 2021.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional descriptivo que incluyó los casos de COVID-19 en menores entre 0 y 5 años reportados al Sistema de Vigilancia en Salud Pública en Colombia. Los casos se confirmaron mediante detección por PCR y antígenos. Se hizo el análisis descriptivo de persona, tiempo y lugar.

Resultados. Se confirmaron 93.218 casos, con una tasa de 197,7 por cada 10.000 menores entre los 0 y 5 años, y tasas más altas en Bogotá (504,1), Antioquia (243,6) y Quindío (202,6). El 51,9 % era de sexo masculino, el 97,2 % pertenecía a otros grupos poblacionales y el 49,2 % de estrato socioeconómico bajo (0,1 y 2). El 2,3 % presentaba antecedente de asma y el 55,8 % síntomas como la tos (61,7 %), la fiebre (59,9 %) y la rinorrea (31,1 %). Se reportaron 273 muertes por COVID-19, con una letalidad de 0,3 % en menores de 1 año (1,0 %) y de 0,2 % en los de 1 a 5 años.

Conclusiones. La proporción de casos en este grupo de edad es baja en comparación con la población general (1,9 %), con un alto porcentaje de asintomáticos y síntomas respiratorios leves. La letalidad fue baja comparada con lo reportado en adultos, aunque fue más alta en menores de 1 año.

Palabras clave: coronavirus; pediatría; salud del niño; vigilancia en salud pública.

Referencias

1. García-Vera C, Castejón-Ramírez S, Laín-Miranda E, Hernández-Abadía R, García-Ventura M, Borque-Navarro E, *et al.* COVID-19 in children: clinical and epidemiological spectrum in the community. *Eur J Pediatr.* 2021;1-8. <https://doi.org/10.1007/s00431-021-04235-4>
2. Martins MM, Prata-Barbosa A, de Magalhães-Barbosa MC, da Cunha AJ. Clinical and laboratory characteristics of SARS-Cov-2 infection in children and adolescents. *Revista Paulista de Pediatria.* 2020;39. <https://doi.org/10.1590/1984-0462/2021/39/2020231>
3. Rabha AC, Oliveira FI de, Oliveira TA de, Cesar RG, Fongaro G, Mariano RF, *et al.* Clinical manifestations of children and adolescents with COVID-19: report of the first 115 cases from Sabará Hospital Infantil. *Revista Paulista de Pediatria.* 2021;39. <https://doi.org/10.1590/1984-0462/2021/39/2020305>
4. Singh P, Attri K, Mahto D, Kumar V, Kapoor D, Seth A, *et al.* Clinical Profile of COVID-19 Illness in Children—Experience from a Tertiary Care Hospital. *Indian J Pediatr.* 2021;1-7. <https://doi.org/10.1007/s12098-021-03822-5>
5. Ng DC, Tan KK, Chin L, Ali MM, Lee ML, Mahmood FM, *et al.* Clinical and epidemiological characteristics of children with COVID-19 in Negeri Sembilan, Malaysia. *Int J Infect Dis.* 2021;108:347-352. <https://doi.org/10.1016/j.ijid.2021.05.073>

Evidencia de zoonosis inversa de SARS-CoV-2 en animales de compañía en el área metropolitana del Valle de Aburrá, Antioquia

Azucena Cabrera^{1,3}, Dubán González², Silvia Posada¹, Diego Forero³, Juan David Rodas⁴, Luz Adriana Gutiérrez²

¹. Grupo de Investigación de Medicina Veterinaria GIVET, Facultad de Ciencias Administrativas y Agropecuarias, Unilasallista Corporación Universitaria, Colombia

². Grupo de Investigación en Producción, Desarrollo y Transformación Agropecuaria GIPDTA, Facultad de Ciencias Administrativas y Agropecuarias, Unilasallista Corporación Universitaria, Colombia

³. Programa de Maestría en Epidemiología, Facultad de Ciencias de la Salud y el Deporte, Fundación Universitaria del Área Andina, Bogotá D.C., Colombia

⁴. Grupo de Investigación en Ciencias Veterinarias –CENTAURO, Facultad de Ciencias Agropecuarias, Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

Introducción. La génesis de la pandemia causada por el coronavirus SARS-CoV-2 apunta al ámbito zoonótico, y los recientes casos de infección natural en animales en contacto con personas diagnosticadas con COVID-19 ponen de relieve el impacto en la sanidad veterinaria por la adaptabilidad del virus a nuevos huéspedes.

Objetivo. Confirmar la infección natural con SARS-CoV-2 en gatos y perros de propietarios diagnosticados con COVID-19 en el Valle de Aburrá, Antioquia, Colombia.

Materiales y métodos. Se evaluó por RT-qPCR la circulación del SARS-CoV-2 en muestras de frotis nasofaríngeos y orofaríngeos de gatos y perros cuyos propietarios estaban dentro de los 14 días de latencia de la infección. Los casos positivos se verificaron amplificando fragmentos de los genes RdRp, N y E que fueron secuenciados y analizados filogenéticamente. Se incluyeron análisis de asociación epidemiológica.

Resultados. De las 80 muestras tomadas en nueve municipios del área metropolitana del Valle de Aburrá, la infección natural con SARS-CoV-2 se confirmó en seis gatos y dos perros. Los animales no presentaban signos clínicos en el momento de la toma de la muestra y sus propietarios solo reportaron signos leves de la enfermedad. El contacto directo con la mascota aumentaría la probabilidad de infección (OR: 1,17; IC_{95%}: 1,07–9,77). Los casos se presentaron en los municipios de Caldas, Medellín y Envigado.

Conclusión. Se infiere que la infección natural en los gatos y perros se asocia con el contacto directo con un paciente con COVID-19; no obstante, no se puede asegurar la virulencia del virus en estos huéspedes, como tampoco su capacidad de transmisión zoonótica o entre especies.

Palabras claves: coronavirus; diagnóstico; infección; gatos; perros; zoonosis.

Referencias

1. Bonilla-Aldana DK, García-Barco A, Jiménez-Díaz SD, Bonilla-Aldana JL, Cardona-Trujillo MC, Muñoz-Lara F, *et al.* SARS-CoV-2 natural infection in animals: A systematic review of studies and case reports and series. *Vet Q.* 2021;41:1-16. <https://doi.org/10.1080/01652176.2021.1970280>
2. Damas J, Hughes G, Keough K, Painter C, Persky N, Corbo M, *et al.* Broad host range of SARS-CoV-2 predicted by comparative and structural analysis of ACE2 in vertebrates. *Proc Natl Acad Sci USA.* 2020;117:1-12. <https://doi.org/10.1073/pnas.2010146117>
3. Leroy EM, Ar Gouilh M, Brugère-Picoux J. The risk of SARS-CoV-2 transmission to pets and other wild and domestic animals strongly mandates a one-health strategy to control the COVID-19 pandemic. *One Health.* 2020;10:100133 <https://doi.org/10.1016/j.onehlt.2020.100133>
4. Munir K, Ashraf S, Munir I, Khalid H, Muneer MA, Mukhtar N, *et al.* Zoonotic and reverse zoonotic events of SARS-CoV-2 and their impact on global health. *Emerg Microbes Infect.* 2020;9:2222-35. <https://doi.org/10.1080/22221751.2020.1827984>
5. Rendón-Marín S, Martínez-Gutiérrez M, Whittaker GR, Jaimes JA, Ruiz-Saenz J. SARS CoV-2 Spike Protein in silico Interaction with ACE2 Receptors From Wild and Domestic Species. *Front Genet.* 2021;12:571707. <https://doi.org/10.3389/fgene.2021.571707>

Caracterización de la sobreinfección bacteriana en pacientes con SARS-CoV-2 hospitalizados en la unidad de cuidado intensivo de adultos en un hospital de tercer nivel

Adriana Isabel Márquez, Camila Andrea Acosta, Katherin Yisset Bonilla, Jair Sebastián Poveda, Diana Patricia Mora, Daniel Gerardo Fernández, Ledmar Jovanny Vargas
Hospital Universitario San Rafael, Tunja, Colombia

Introducción. Los factores asociados con la sobreinfección bacteriana en pacientes con SARS-CoV-2 son múltiples, sin embargo, se ha evidenciado que es mayor en pacientes hospitalizados en las unidades de cuidado crítico que requieren respiración mecánica invasiva. La tasa de coinfección bacteriana es alta, por lo que es un factor que impacta en las decisiones del clínico.

Objetivo. Caracterizar la sobreinfección bacteriana en pacientes hospitalizados en la unidad de cuidado intensivo con SARS-CoV-2.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, descriptivo en pacientes mayores de 18 años con diagnóstico confirmado entre el 1 de marzo de 2020 y el 1 de marzo de 2021.

Resultados. Se incluyeron 233 individuos. El 53,6 % (n=125) presentó algún evento infeccioso bacteriano, y de estos, el 65,6 % era de sexo masculino, el 95,2 % presentaba compromiso crítico y el 4,8 %, compromiso moderado. En 107 (85,6 %) muestras de tubo orotraqueal se aislaron microorganismos, siendo los más frecuentes *Klebsiella pneumoniae* (13,1 %) y *Streptococcus aureus* (7,47 %); 44 (35,2 %) hemocultivos fueron positivos, principalmente para *K. pneumoniae* (13,6 %), y negativos para *Staphylococcus coagulasa* (13,6 %). En el 26,4 % de los urocultivos positivos se encontró *Escherichia coli* (51,5 %) y *K. pneumoniae* (21,2 %). La mortalidad fue del 56,8 %.

Conclusión. Las coinfecciones bacterianas fueron comunes en hombres y pacientes con respiración mecánica invasiva, lo que contribuye a la alta morbimortalidad en la unidad de cuidado intensivo. Las infecciones de las vías urinarias se debieron predominantemente a bacilos Gram negativos, y las pulmonares y en hemocultivos a *K. pneumoniae*.

Palabras clave: COVID 19; SARS-CoV-2; coinfección; sobreinfección.

Referencias

1. Nebreda-Mayoral T, Miguel-Gómez MA, March-Rosselló GA, Puente-Fuertes L, Cantón-Benito E, Martínez-García AM, *et al.* Bacterial/fungal infection in hospitalized patients with COVID-19 in a tertiary hospital in the Community of Castilla y León, Spain. *Enferm Infecc Microbiol Clin (Engl Ed)*. 2021; <https://doi.org/10.1016/j.eimc.2020.11.003>
2. Docherty AB, Harrison EM, Green CA, Hardwick HE, Pius R, Norman L, *et al.* Features of 20133 UK patients in hospital with covid-19 using the ISARIC WHO Clinical Characterization protocol: prospective observational cohort study. *BMJ*. 2020;369:1985. <https://doi.org/10.1136/bmj.m1985>
3. Lansbury L, Lim B, Baskaran V, Lim WS. Co-infections in people with COVID-19: a systematic review and meta-analysis. *J Infect*. 2020;81:266-75. <https://doi.org/10.1016/j.jinf.2020.05.046>
4. Yang X, Yu Y, Xu J, Shu H, Xia J, Liu H, *et al.* Clinical course and outcomes of critically ill patients with SARS-CoV-2 pneumonia in Wuhan China: a single-centered, retrospective, observational study. *Lancet Respir Med*. 2020;8:475-81. [http://doi.org/10.1016/S2213-2600\(20\)30079-5](http://doi.org/10.1016/S2213-2600(20)30079-5)

Nivel de estrés laboral en enfermeros al cuidado de personas con COVID-19 en Cali

Bincen Alexander Grisales, Diana Catalina, Diana Fernanda Loaiza, Francisco Javier Lobo
Universidad Santiago de Cali, Santiago de Cali, Colombia

Introducción. La cantidad de pacientes ingresados en las unidades de cuidado intensivo por la COVID-19 ha ocasionado un incremento en el ritmo y la carga de trabajo, aumentando la sobrecarga laboral y los niveles de estrés. En ese contexto el personal de enfermería se enfrenta a diferentes factores que pueden influir en su desempeño laboral.

Objetivo. Determinar el nivel de estrés laboral en enfermeros al cuidado de personas con COVID-19.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio cuantitativo, descriptivo, con diseño de tipo de serie de casos en 21 enfermeros profesionales seleccionados por convocatoria abierta en la modalidad de bola de nieve.

Resultados. Se aplicó la escala de estrés de enfermería (NSS) constituida por 34 ítems, los cuales detectan situaciones potencialmente causantes de estrés en el personal de enfermería. El 95,2 % de los enfermeros encuestados presentó un nivel de estrés laboral moderado. La mayoría de los participantes era de sexo femenino, con edades de 25 a 36 años y el número de pacientes a cargo de la mayoría de los encuestados era de cuatro pacientes.

Conclusión. Las causas de estrés laboral en los profesionales de enfermería fueron principalmente la interrupción frecuente en la realización de sus tareas, el sentirse impotente en los casos de pacientes que no mejoran, la muerte de un paciente, la toma de decisiones sobre un paciente cuando el médico no está disponible.

Palabras clave: estrés laboral; estresores ocupacionales; salud mental; COVID-19; enfermería de cuidados críticos.

Referencias

1. Koppmann A, Cantillano V, Alessandri C. Distrés moral y burnout en el personal de salud durante la crisis por COVID-19. *Revista Médica Clínica Las Condes*. 2021;32:75-80. <https://doi.org/10.1016/j.rmclc.2020.12.009>
2. Lozano-Vargas A. Impacto de la epidemia del Coronavirus (COVID-19) en la salud mental del personal de salud y en la población general de China. *Rev Neuropsiquiatr*. 2020;83:51-6. <https://doi.org/10.20453/rnp.v83i1.3687>
3. Lai J, Ma S, Wang Y, Cai Z, Hu J, Wei N, et al. Factors associated with mental health outcomes among health care workers exposed to coronavirus disease 2019. *JAMA Netw Open*. 2020;3:e203976. <https://doi.org/10.1001/jamanetworkopen.2020.3976>
4. Martínez-Martínez L. Riesgos psicosociales y estrés laboral en tiempos de COVID-19: instrumentos para su evaluación. *Revista de Comunicación y Salud*. 2020;10:301-2.

Caracterización clínica y epidemiológica de la COVID-19 en la población pediátrica del Hospital Regional de la Orinoquia, 2020-2021

Mónica Liseth Holguín, Lorena García, Ledmar Vargas, Karyn Alejandra Munévar, Lyanne Paola Mesa

Hospital Regional de la Orinoquia, Yopal, Colombia

Introducción: La infección por SARS-CoV-2 en la población pediátrica es menos frecuente, las manifestaciones clínicas son leves y la mayoría de los casos evoluciona satisfactoriamente.

Objetivo. Caracterizar a los pacientes pediátricos infectados por SARS-CoV-2 atendidos en el Hospital Regional de la Orinoquia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo, transversal y retrospectivo en 96 pacientes menores de 18 años confirmados para COVID-19 en el Hospital Regional de la Orinoquia entre el 5 de mayo de 2020 y el 21 de agosto de 2021. Se revisaron las historias clínicas y se recolectaron los datos de las variables de edad, sexo, manifestaciones clínicas y complicaciones.

Resultados. Se incluyeron 96 niños diagnosticados con COVID-19. El promedio de edad fue de $5 \pm 5,8$ y predominó el sexo masculino (58.3%). La fiebre (67 %), la tos (45 %), el dolor abdominal y la disnea (40 %) fueron las principales características clínicas. La historia respiratoria previa fue la comorbilidad más común (5,5 %). Las complicaciones que se originaron fueron el shock séptico y el derrame pleural (60-25 %). Solo ingresó a la unidad de de cuidado intensivo pedriático el 11,5 % de los pacientes; el 5,2 % de estos requirió manejo con oxígeno de alto flujo y el 2,1 & con CPAP sin necesidad de respiración mecánica invasiva. La detección simultánea de rinovirus fue del 34,4 %.

Conclusiones. Los signos y síntomas clínicos de la COVID-19 en la población pediátrica variaron según las condiciones médicas y las comorbilidades. Los niños infectados generalmente parecían asintomáticos o solo presentaban síntomas leves, y su evolución fue satisfactoria. No hubo fallecidos.

Palabras clave: SARS-CoV-2; coronavirus, niños; manifestaciones clínicas; epidemiología.

Referencias

1. Baquero-Rodríguez R, Yomayusa N, González C, Yama E, Vargas JG, Rico J, *et al.* Consenso colombiano de expertos sobre recomendaciones informadas en la evidencia para la prevención, diagnóstico y manejo de la infección por SARS-CoV-2/COVID-19 en paciente pediátrico con enfermedad renal crónica o lesión renal aguda asociada a COVID-19. *Rev Colomb Nefrol.* 2020;7(Supl. 2): 50-69. <https://doi.org/10.22265/acnef.7.supl.2.488>
2. Cabrera-Solís L, Zamora-Torres A, Guerreiro-Núñez MC, Alvaríño-Calderón D, Suárez-Gómez M, Bello-Arcia J, *et al.* Caracterización clínico-epidemiológica de 77 niños y adolescentes infectados por el coronavirus SARS-CoV-2. *Rev Cubana Pediatr.* 2021;93:e1282.
3. Ferrer-Castro JE, Sánchez-Hernández E, Poulout-Mendoza A, del Río-Caballero G, Figueredo-Sánchez D. Caracterización clínica y epidemiológica de pacientes confirmados con la COVID-19 en la provincia de Santiago de Cuba. *MEDISAN.* 2020; 24:473-85.
4. Sagardía J, Orlandi C, Romero V, San Emeterio J, Lozano J, Bongioanni H, *et al.* Recomendaciones para el tratamiento del paro cardiorrespiratorio en pacientes adultos con COVID-19. *Revista Argentina de Terapia Intensiva.* 2020:21-6.

Factores de riesgo asociados con la mortalidad por SARS-CoV-2 en personas que viven con HIV

Claudia Marcela Castro¹, María Luz Gunturiz¹, Patricia Escandón², Mónica Mantilla³

¹ Equipo Banco de Proyectos, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

² Grupo de Microbiología, Subdirección de Investigación Científica y Tecnológica, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

³ IPS Virrey Solís, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Desde la declaración de la enfermedad por coronavirus SARS-Cov-2, la Organización Mundial de la Salud y los Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades han advertido que, en comparación con la población general, las personas que viven con el virus de la inmunodeficiencia humana (PVVIH) pueden tener un mayor riesgo de complicaciones y muerte asociadas con este virus.

Objetivo. Determinar los factores de riesgo asociados a la muerte por SARS-CoV-2 en PVVIH.

Materiales y métodos. Se hizo una búsqueda de artículos en las bases de datos SciELO, PubMed, Google y EBSCO desde el 2000 hasta la actualidad. Los artículos elegidos se leyeron y filtraron seleccionando los que aportaban información relevante al objetivo propuesto. También se buscaron datos de estadísticas nacionales. Además, se estructuró un proyecto de investigación focalizado en Bogotá.

Resultados. Entre las palabras clave empleadas se encontraban “COVID-19, HIV and SARS-CoV-2, risk factors”, entre otras. Algunos estudios han evidenciado que entre los pacientes con COVID-19 tienen mayor riesgo de muerte aquellos con comorbilidad inmunosupresora, incluido el HIV, en quienes el riesgo de muerte por COVID-19 es dos veces mayor, independientemente de la supresión viral. Como factores de riesgo se han descrito la edad superior a 50 años, el sexo masculino, las comorbilidades existentes y la coinfección con tuberculosis.

Conclusión. La rápida y progresiva expansión de la pandemia de COVID-19 a nivel mundial ha ocurrido en el contexto de una pandemia del HIV que sigue en crecimiento; sin embargo, los efectos de la interacción de estas dos infecciones no son todavía claros debido a la escasez de datos y reportes. Los factores de riesgo descritos hasta hoy son similares a los de la población sin coinfección con HIV.

Palabras clave: COVID-19; mortalidad; VIH; SARS-CoV-2; factores de riesgo.

Referencias

1. Alzate-Ángel JC, Martínez-Buitrago E, Posada-Vergara MP. COVID-19 and HIV. *Colombia Médica*. 2020;51:e-4327. <https://doi.org/10.25100/cm.v51i2.4327>
2. Centro para el Control y la Prevención de Enfermedades. Covid-19. What to Know About HIV and COVID-19. <https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-ncov/need-extra-precautions/hiv.html>
3. Davies MA. HIV and risk of COVID-19 death: a population cohort study from the Western Cape Province, South Africa. *MedRxiv*. 2020. <https://doi.org/10.1101/2020.07.02.20145185>

Terapia de oxigenación con cánula de alto flujo en pacientes con insuficiencia respiratoria aguda por COVID-19, un estudio de cohorte

Jorge Alberto Cortes^{1,2}, Alba del Pilar Rodríguez¹, July Vianneth Torres², Jairo Morantes^{1,2}

¹ Departamento de Medicina Interna, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

² Hospital Universitario Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. En la infección por el SARS CoV-2 la mayor mortalidad de pacientes con neumonía grave está asociada con la progresión a falla respiratoria y existe controversia sobre el beneficio de diferentes formas del manejo respiratorio en este tipo de pacientes.

Objetivo. Determinar el efecto del uso de la cánula nasal de alto flujo en pacientes adultos con infección por SARS-CoV 2 que desarrollaron falla respiratoria hipoxémica y murieron durante la hospitalización.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de cohorte retrospectiva entre marzo del 2020 y febrero del 2021. Se detectaron los pacientes con neumonía grave por SARS CoV-2 confirmada, falla respiratoria definida por una PaO₂<60 mmHg. Se evaluó el efecto de la CNAF y se comparó con pacientes asistidos con respiración mecánica convencional apareados en relación de 1:3 y por fecha de ingreso al hospital. Se utilizó el puntaje de propensión basado en covariables y posibles confundidores basados en la estancia y la mortalidad. Se evaluó el efecto de la CNAF en estancia hospitalaria y la mortalidad a 30 días.

Resultados. Se seleccionaron 40 pacientes con CNAF que se aparearon con 120 que tenían intubación orotraqueal (IOT); 107 (66,9 %) eran hombres y la edad promedio fue de 63 años; 81 (50,6 %) pacientes fallecieron en el curso de los 30 días. Después de ajustar por los confundidores se encontró una asociación entre la CNAF y un menor tiempo hasta el egreso (razón de tasa de incidencia ajustada, IRRa: 0,71; IC_{95%}: 0,55-0,91), aunque no se encontró asociación con la mortalidad (IRRa: 1,13; IC_{95%}: 0,93-1,37). Se observó una disminución en la frecuencia de IOT (45,1 % de los pacientes después del ajuste), así como menores frecuencias de neumonía asociada con la respiración asistida (OR: 0,32; IC_{95%}: 0,06-1,55), de infección del torrente sanguíneo (OR: 0,36; IC_{95%}: 0,10-1,26), y de falla renal aguda (OR: 0,36; IC_{95%}: 0,14-0,91).

Conclusión. El uso de CNAF en pacientes con falla respiratoria por SARS CoV-2 podría asociarse con una menor estancia hospitalaria, menor frecuencia de respiración mecánica invasiva y de falla renal aguda. No se encontró asociación entre el uso de CNAF y la mortalidad.

Palabras clave: cánula; hipoxia; intubación; mascarilla nasal; insuficiencia respiratoria; COVID-19.

Referencias

1. Riviello ED, Kiviri W, Twagirumugabe T, Mueller A, Banner-Goodspeed VM, Officer L, *et al.* Hospital incidence and outcomes of the acute respiratory distress syndrome using the Kigali modification of the Berlin Definition. *Am J Respir Crit Care Med.* 2016;193:52-59. <https://doi.org/10.1164/rccm.201503-0584OC>.
2. Chatila W, Nugent T, Vance G, Gaughan J, Criner GJ. The effects of high flow vs low-flow oxygen in advanced obstructive airways disease. *Chest.* 2004;126:1108-15. <https://doi.org/10.1378/cofre.126.4.1108>
3. Rochweg B, Brochard L, Elliott MW, Hess D, Hill NS, Nava S, *et al.* Official ERS/ATS clinical practice guidelines: non-invasive ventilation for acute respiratory failure. *Eur Respir J.* 2017;50:1602426. <https://doi.org/10.1183/13993003.02426-2016>
4. Xiao Lu, Xu S. Therapeutic effect of high-flow nasal cannula on severe COVID-19 patients in a makeshift intensive-care unit: A case report. *Medicine (Baltimore).* 2020;99:e20393. <https://doi.org/10.1097/MD.00000000000020393>

Factores asociados con la mortalidad en pacientes con COVID-19 en la unidad de cuidados intensivos de una institución de alto nivel de complejidad: aprendizajes del primer año de pandemia, cohorte CESCOVID

Andrés Ramírez-Vélez¹, David Yepes-Gómez², Marcela Pérez-Muñoz¹, Juan Pablo Zuluaga-García¹, Sara Zambrano-Rico¹, Sara Moreno-Bedoya², Freddy Andrés Barrios-Arroyave³

¹ Universidad CES, Medellín, Colombia

² Clínica CES, Medellín, Colombia

³ Grupo de Investigación en Epidemiología y Bioestadística, Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. En el 80 % de los casos la COVID-19 produce síntomas leves, sin embargo, 5 % de ellos progresan hacia una enfermedad grave que requiere el ingreso a unidades de cuidado intensivo (UCI).

Objetivos. Determinar los factores demográficos, clínicos y de tratamiento asociados con la mortalidad en pacientes con COVID-19 en la UCI de la Clínica CES durante el 2020.

Materiales y métodos. Se analizó una cohorte retrospectiva de pacientes admitidos en la UCI por COVID-19 durante el 2020. Se excluyeron aquellos con más de 24 horas de respiración mecánica invasiva antes del ingreso y a los remitidos. Se evaluaron las características demográficas, las comorbilidades, los resultados de laboratorio, las intervenciones, el soporte de respiración y el hemodinámico.

Resultados. Se seleccionaron 194 pacientes. La mediana de edad fue de 62,5 años y la mayoría eran hombres (70,3 %). Las principales complicaciones fueron la sobreinfección (72,5 %) y la lesión renal aguda (68,7 %). La mortalidad fue de 47,8 %. En cuanto a factores de riesgo asociados con la mortalidad, la edad menor de 60 años tuvo un OR ajustado de 0,15 (IC_{95%}: 0,06-0,40; p<0,001), el uso de vasopresores un OR de 0,08 (IC_{95%}: 0,021-0,32; p<0,001) y la terapia de remplazo renal un OR ajustado de 0,21 (IC_{95%}: 0,059-0,716; p=0,13). La no realización de traqueostomía presentó un OR de 14,96 (IC_{95%}: 4,87-46,00; p<0,001).

Conclusiones. La mortalidad fue similar a la reportada por la literatura. Hasta el momento no existe un predictor de puntuación de mortalidad en pacientes críticamente enfermos por COVID19, ya que el APACHE II subvalora la mortalidad. El único factor independiente asociado con la mortalidad fue la edad >60 años, en tanto que la traqueostomía, los vasopresores y la terapia de remplazo renal se comportaron como protectores.

Palabras clave: infección por coronavirus; unidad de cuidados intensivos; síndrome de dificultad respiratoria aguda; respiración mecánica; mortalidad.

Referencias

1. Zhu N, Zhang D, Wang W, Li X, Yang B, Song J, *et al.* A Novel Coronavirus from Patients with Pneumonia in China, 2019. *N Engl J Med.* 2020;382:727-33.
2. WHO. Coronavirus Disease (COVID-19) Dashboard. Fecha de consulta: 12 de enero de 2021. Disponible en: <https://covid19.who.int>
3. Wiersinga WJ, Rhodes A, Cheng AC, Peacock SJ, Prescott HC. Pathophysiology, Transmission, Diagnosis, and Treatment of Coronavirus Disease 2019 (COVID-19): A Review. *JAMA.* 2020;324:782-93.
4. Wu Z, McGoogan JM. Characteristics of and Important Lessons From the Coronavirus Disease 2019 (COVID-19) Outbreak in China: Summary of a Report of 72 314 Cases From the Chinese Center for Disease Control and Prevention. *JAMA.* 2020;323:1239-42.
5. Grasselli G, Greco M, Zanella A, Albano G, Antonelli M, Bellani G, *et al.* Risk Factors Associated With Mortality Among Patients With COVID-19 in Intensive Care Units in Lombardy, Italy. *JAMA Intern Med.* 2020;180:1345-55.

Efectividad y tolerabilidad de *Hibiscus sabdariffa* en pacientes con COVID-19 en la IPS Salud Social, 2021

Carlos Parga-Lozano^{1,2}, Nohemí Santodomingo^{1,2}

¹. Centro de Investigación e Innovación en Salud-CIIS, Salud Social I.P.S, Barranquilla, Colombia

². Grupo de Investigación de Biomembranas-GIBIOM, Universidad Libre Seccional Barranquilla, Barranquilla, Colombia

Introducción. Las plantas medicinales tienen características químicas y fotoquímicas que las convierten en herramientas terapéuticas prometedoras. La especie *Hibiscus sabdariffa* ha mostrado resultados en la prevención de la unión del virus SARS-CoV-2 al receptor de la enzima convertidora de angiotensina 2 (ECA2), atenuando los casos de complicaciones de la enfermedad.

Objetivo. Evaluar una alternativa terapéutica para fortalecer la respuesta inmunitaria contra la COVID-19.

Materiales y métodos. Se hizo un ensayo clínico controlado aleatorizado en pacientes diagnosticados con COVID-19 en la IPS Salud Social en Atlántico. Se escogió una muestra de 68 pacientes diagnosticados con COVID-19 de los cuales 34 fueron sometidos al tratamiento alternativo y los restantes siguieron el tratamiento estándar como grupo de control. Se utilizó el SPSS15 para el análisis estadístico y se estimaron tablas de contingencia, el ji al cuadrado y el *odds ratio*.

Resultados. Al finalizar el estudio, el 91 % de los casos se recuperó y el 8,3 % mantuvo el estado de infectado. El 41 % de los controles se recuperaron y el 58 % permaneció infectado.

Conclusión. El uso de la planta medicinal *H. sabdariffa* en el control de la respuesta inflamatoria contra la COVID-19 podría estar causando el bloqueo del ECA2 y evitando temporalmente su unión al virus, lo que le da tiempo al sistema inmunitario para generar una respuesta humoral y celular adecuada para eliminarlo y adquirir memoria inmunitaria.

Palabras clave: COVID-19; enzima convertidora de angiotensina; fitoterapia; *Hibiscus sabdariffa*; inmunitaria.

Referencias

1. Ksiazek TG, Erdman D, Goldsmith CS, Sherif C, Peret T, Emery S, *et al.* A novel coronavirus associated with severe acute respiratory syndrome. *N Engl J Med.* 2003;348:1953-66. <https://doi.org/10.1056/NEJMoa030781>
2. Zou X, Chen K, Zou J, Han P, Hao J, Han Z. Single-cell RNA-seq data analysis on the receptor ACE2 expression reveals the potential risk of different human organs vulnerable to 2019-nCoV infection. *Front Med.* 2020. <https://doi.org/10.1007/s11684-020-0754-0>
3. Herrera-Arellano A, Miranda-Sánchez J, Ávila-Castro P, Herrera-Álvarez S, Jiménez-Ferrer J, Zamilpa A, *et al.* Clinical effects produced by a standardized herbal medicinal product of *Hibiscus sabdariffa* on patients with hypertension. A randomized, double-blind, lisinopril-controlled clinical trial. *Planta Med.* 2007;73:6-12. <https://doi.org/10.1055/s-2006-957065>
4. Meunier MT, Villié F, Jonadet M, Bastide J, Bastide P. Inhibition of angiotensin I converting enzyme by flavanolic compounds: in vitro and in vivo studies. *Planta Med.* 1987;53:12-5. <https://doi.org/10.1055/s-2006-962606>

Enfermedad por el nuevo coronavirus (COVID) SARS-CoV-2 en pacientes oncológicos

Julián Andrés Hoyos¹, Juan Pablo García¹, Yonathan Andrés Naranjo¹, Lina Clemencia Correa², Katherine Fajardo², Germán Moreno², Omar Fernando Gutiérrez²

¹. Universidad Tecnológica de Pereira, Pereira, Colombia

². Oncólogos de Occidente, Colombia

Introducción. Múltiples condiciones y comorbilidades se han asociado con un mayor riesgo de mortalidad por COVID-19, entre estas, el tener historia o enfermedad activa de cáncer. Entre los pacientes con COVID-19 y cáncer se ha descrito una mayor mortalidad asociada con una edad mayor a los 65 años, ser fumador, recibir quimioterapia y presencia de cualquier comorbilidad.

Objetivo. Determinar los factores sociodemográficos o clínicos asociados con la mortalidad en pacientes con cáncer y COVID-19.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional retrospectivo en pacientes mayores de edad con diagnóstico de enfermedad oncológica, sólida o hematológica, diagnosticados durante la atención hospitalaria o ambulatoria con COVID-19 e ingresados en cualquiera de las unidades con diagnóstico confirmado por prueba de PCR o antígeno entre marzo de 2020 y junio de 2021.

Resultados. Entre junio de 2020 y abril del 2021 se seleccionaron 274 pacientes para análisis. La mortalidad general de los pacientes con cáncer e infección por SARS-COV-2 fue del 18,6 % (51/274 pacientes). La neoplasia hematológica ($p=0,026$) y la sólida ($p=0,021$) se relacionaron con la mortalidad. Las comorbilidades que tuvieron relación estadísticamente significativa con la mortalidad fueron la enfermedad renal moderada a grave ($p=0,021$), la infección por HIV ($p=0,032$) y la diabetes mellitus tipo 2 ($p=0,046$). Por último, hubo una relación estadísticamente significativa entre el tabaquismo activo y la mortalidad ($p=0,021$).

Conclusión. La mortalidad en pacientes oncológicos con COVID-19 fue mayor que la de la población general y se vio aumentada por ciertos factores clínicos.

Palabras clave: infecciones por coronavirus; neoplasias; mortalidad; morbilidad; Colombia; comorbilidad.

Referencias

1. Parohan M, Yaghoobi S, Seraji A, Javanbakht MH, Sarraf P, Djalali M. Risk factors for mortality in patients with Coronavirus disease 2019 (COVID-19) infection: a systematic review and meta-analysis of observational studies. *Aging Male*. 2020;23:1416-24. <https://doi.org/10.1080/13685538.2020.1774748>
2. Garassino MC, Whisenant JG, Huang L-C, Trama A, Torri V, Agustoni F, *et al*. COVID-19 in patients with thoracic malignancies (TERAVOLT): first results of an international, registry-based, cohort study. *Lancet Oncol*. 2020;21:914-22. [https://doi.org/10.1016/S1470-2045\(20\)30314-4](https://doi.org/10.1016/S1470-2045(20)30314-4)
3. Sawyers A, Chou M, Johannet P, Gulati N, Qian Y, Zhong J, *et al*. Clinical outcomes in cancer patients with COVID-19. *Cancer Rep*. 2021;1-7. <https://doi.org/10.1002/cnr2.1413>
4. Ozer M, Goksu SY, Mahdi M, Gandhi N. Characteristics and outcomes of cancer patients with covid-19 at a safety-net hospital. *Cancer Treat Res Commun*. 2021;28:100418. <https://doi.org/10.1016/j.ctarc.2021.100418>

Revisión de la información técnica, los precios, las compras y los registros sanitarios de respiradores mecánicos en nueve países latinoamericanos en el contexto de la pandemia de COVID-19

Roxana De las Salas¹, Juanita Vahos-Zambrano², Claudia Patricia Vaca-González², Hernando Gaitán-Duarte³

¹ Departamento de Enfermería, Universidad del Norte, Barranquilla, Colombia

² Facultad de Ciencias, Departamento de Farmacia, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

³ Departamento de Ginecología, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Con la mayor demanda de respiradores mecánicos en el contexto de la pandemia de COVID-19, se ha observado una amplia movilización de recursos e iniciativas en la región de Latinoamérica para su compra.

Objetivo. Establecer los precios de compra, las estrategias de autorización y la disponibilidad de registros sanitarios y especificaciones técnicas para la compra de respiradores mecánicos en Latinoamérica durante la pandemia de COVID-19.

Materiales y métodos. A partir de la información contenida en 129 licitaciones y contratos, se evaluaron las tecnologías sanitarias mediante una búsqueda de especificaciones técnicas, registros sanitarios y seguridad de los respiradores mecánicos en nueve países latinoamericanos. La información técnica se recopiló de páginas web de fabricantes y proveedores y se comparó con las especificaciones técnicas de la Organización Mundial de la Salud (OMS). La información sobre la disponibilidad de registros sanitarios y la seguridad de los respiradores se obtuvo en las páginas de las agencias sanitarias. Los datos se recopilaron en un formato diseñado por los investigadores.

Resultados. Se encontraron diferencias significativas en las adquisiciones de equipos entre países, con importantes variaciones de precios según la fecha de compra. Se determinaron los equipos que no cumplían con algunos de los criterios técnicos establecidos por la OMS.

Conclusiones. El acceso y la consulta pública de la información sobre los contratos para la adquisición de los respiradores mecánicos son limitados. Se debe exigir información técnica completa y evitar la existencia de vacíos de información, especialmente durante los procesos de contratación pública.

Palabras clave: respiración mecánica; COVID-19; pandemias; precio; Latinoamérica.

Referencias

1. Centro Latinoamericano de Investigación Periodística. Cómo 9 países invirtieron 320 millones de dólares para atender enfermos críticos de la pandemia. El Clip. 2020. <https://www.elclip.org/como-9-paises-invirtieron-320-millones-de-dolares-para-atender-enfermos-criticos-de-la-pandemia/10>
2. World Health Organization. Technical specifications for invasive and non-invasive ventilators for COVID-19: Interim guidance. Geneva: WHO; 2020. <https://apps.who.int/iris/handle/10665/331792>
3. Andellini M, De Santis S, Nocchi F, Bassanelli E, Pecchia L, Ritrovato M. Clinical needs and technical requirements for ventilators for COVID-19 treatment critical patients: an evidence-based comparison for adult and pediatric age. Health and Technology. 2020;10:1403-11. <https://doi.org/10.1007/s12553-020-00467-w>
4. Holanda MA, Pinheiro BV. COVID-19 pandemic and mechanical ventilation: facing the present, designing the future. J Bras Pneumol. 2020;46:e20200282. <https://doi.org/10.36416/1806-3756/e20200282>

Características clínicas y dinámicas de la infección por SARS-CoV-2 en niños de 0 a 17 años en Colombia desde la perspectiva de los servicios de urgencias, 2020-2021

Fredy Orlando Mendivelso, Ingrid Milena Rodríguez

Programa de Epidemiología de Campo, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. El primer caso de la enfermedad del nuevo coronavirus de 2019 (COVID-19) se confirmó el 6 de marzo del 2020 y hoy ya hay más de 2,2 millones de infectados en Colombia. El análisis de la COVID-19 en niños aún es limitado.

Objetivos. Determinar las características clínicas y epidemiológicas y los patrones de transmisión de los pacientes pediátricos con COVID-19 en Colombia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio prospectivo de cohorte con 4.469 pacientes de 0 a 17 años de edad que consultaron por signos y síntomas compatibles con la infección por SARS-CoV-2 en las urgencias de ocho instituciones en tres ciudades de Colombia. Los casos fueron confirmados mediante RT-PCR y prueba de antígeno positiva. Las curvas epidémicas se construyeron por fecha de diagnóstico. Los estadísticos descriptivos y las pruebas no paramétricas se utilizaron para analizar las características clínicas, antecedentes patológicos, riesgo epidemiológico y resultados relevantes. Los valores de $p < 0,05$ se consideraron estadísticamente significativos.

Resultados. Se detectaron 602 (13,5 %) casos confirmados por el laboratorio y 3.867 (86,5 %) sospechosos. Comparados con la población general, representaron el 5,1 % de los casos. La mediana de edad de todos los pacientes fue de 3 años (rango intercuartílico: 1-9 años) y el tiempo de evolución hasta el diagnóstico 2 días (rango: 1 a 3 días). La mayor incidencia de casos ocurrió en julio y diciembre. El 15,61 % de los niños confirmados tenía enfermedades preexistentes y la tasa de mortalidad en la cohorte fue de 0,3 %.

Conclusiones. Los niños de cualquier edad fueron propensos a la COVID-19, pero, en general, su evolución fue más leve que en los adultos y las muertes fueron raras.

Palabras clave: niños; infecciones por coronavirus; epidemiología; pediatría; pandemia.

Referencias

1. Leidman E, Duca LM, Omura JD, Proia K, Stephens JW, Sauber-Schatz EK. COVID-19 Trends Among Persons Aged 0-24 Years - United States, March 1-December 12, 2020. *MMWR Morb Mortal Wkly Rep.* 2021;70:88-94. <https://doi.org/10.15585/mmwr.mm7003e1>
2. Bernardino FB, Alencastro LC da S, Silva RA da, Ribeiro AD do N, Castilho GR de C, Gaíva MAM. Epidemiological profile of children and adolescents with COVID-19: a scoping review. *Rev Bras Enferm.* 2021;74 (Suppl 1):e20200624. <https://doi.org/10.1590/0034-7167-2020-0624>
3. Kim J, Choe YJ, Lee J, Park YJ, Park O, Han MS, et al. Role of children in household transmission of COVID-19. *Arch Dis Child.* 2020. <https://doi.org/10.1136/archdischild-2020-319910>
4. Dong Y, Mo X, Hu Y, Qi X, Jiang F, Jiang Z, et al. Epidemiology of COVID-19 Among Children in China. *Pediatrics.* 2020;145. <https://doi.org/10.1542/peds.2020-0702>

Impacto de las condiciones socioeconómicas en la morbilidad y mortalidad por la infección de COVID-19 en pacientes de en cuidado intensivo

Adriana Paola Franco^{1,2,3,4}, Lina Johana Terreros¹, Leonardo Alexander Quevedo^{1,3,4}, Oscar López^{1,5}, Johan Daniel Spitia¹, Laura Guevara¹, Arturo Jhann⁴, Myriam Leonor Velandia⁴, Jaime Enrique Castellanos⁴

¹ Clínica Meta, Villavicencio, Colombia

² Clínica Cardiovascular Angiografía de Colombia, Villavicencio, Colombia

³ Universidad Cooperativa de Colombia, Villavicencio, Colombia

⁴ Universidad El Bosque, Bogotá, D.C., Colombia

⁵ Hospital Departamental de Villavicencio, Villavicencio, Colombia

Introducción. Las condiciones socioeconómicas de las poblaciones afectadas por la COVID-19 son un factor que determina las comorbilidades presentes en una población y se postulan como un importante factor de riesgo de complicaciones de salud relacionadas con la educación, la salubridad y el acceso a los servicios médicos.

Objetivo. Determinar el impacto del nivel socioeconómico establecido por el Sistema de Identificación de Potenciales Beneficiarios de Programas Sociales (SISBEN) de Colombia en las comorbilidades, coinfecciones bacterianas y la mortalidad asociadas con la COVID-19.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo observacional retrospectivo de pacientes en la unidad de cuidados intensivos con neumonía grave por la COVID-19 confirmada por PCR/antígeno en un centro hospitalario de tercer nivel de atención en Villavicencio. Se obtuvieron datos demográficos del SISBEN y las historias clínicas. Se clasificó a los pacientes según su categoría de clasificación, comparando comorbilidades, infecciones bacterianas y mortalidad.

Resultados. Se incluyeron 235 pacientes con una edad media de 62,7 años (DE: 15,0); el 61,2 % correspondía a hombres. Los grupos en pobreza moderada y vulnerabilidad presentaron mayor prevalencia de enfermedades cardiovasculares e hipertensivas, así como una mayor frecuencia de superinfecciones bacterianas (54 %). El grupo poblacional sin clasificación de SISBEN presentó una mayor mortalidad (59 %) y porcentaje de coinfecciones bacterianas (22,5 %). El promedio en el APACHE al ingreso a la unidad de cuidados intensivos (UCI) fue mayor en el grupo clasificado como ni pobre ni vulnerable, el cual ocupó el segundo lugar en la mortalidad.

Conclusión. Las condiciones de vulnerabilidad, pobreza y bajo nivel socioeconómico se asociaron con una mayor prevalencia de enfermedades cardiovasculares y metabólicas y mayor incidencia de superinfecciones bacterianas en pacientes con COVID-19.

Palabras clave: infecciones bacterianas; enfermedades por coronavirus, COVID-19; cuidados intensivos; nivel socioeconómico; pobreza.

Referencias

1. Paules CI, Marston HD, Fauci AS. Coronavirus Infections-More Than Just the Common Cold. *JAMA*. 2020;323:707-8. <https://doi.org/10.1001/jama.2020.0757>
2. Guan WJ, Ni ZY, Hu Y, Liang WH, Ou CQ, He JX, *et al*. Characteristics of Coronavirus Disease 2019 in China. *New England Journal of Medicine*. 2020;382:1708-20. <https://doi.org/10.1056/NEJMoa2002032>
3. Kalyanaraman Marcello R, Dolle J, Grami S, Adule R, Li Z, Tatem K, *et al*. Characteristics and outcomes of COVID-19 patients in New York City's public hospital system. *PLoS One*. 2020;15:e0243027.
4. Steyn N, Binny RN, Hannah K, Hendy SC, James A, Kukutai T, *et al*. Estimated inequities in COVID-19 infection fatality rates by ethnicity for Aotearoa New Zealand. *medRxiv* 2020. <https://doi.org/10.1101/2020.04.20.20073437>

Asociación del polimorfismo (CAG)_n del gen *ATXN2* con el desarrollo de tromboflebitis en pacientes diabéticos tipo 2 con COVID-19

Sergio Alberto Ramírez¹, Diana García², José Alejandro Domínguez³, José Domínguez⁴, Claudia Belén Montaña², Sabina López¹, Eric Ruiz⁵, Melecio Honorio Juárez-Pérez⁵

¹ Instituto de Nutrición, Universidad de la Sierra Sur, Miahuatlán de Porfirio Díaz, Oaxaca, México

² Instituto de Genética Humana "Dr. Enrique Corona Rivera", Departamento de Biología Molecular y Genómica, Centro Universitario de Ciencias de la Salud, Universidad de Guadalajara, Jalisco, México

³ Facultad de Medicina, Universidad Autónoma de Guadalajara, Tabasco, México

⁴ Servicios Médicos Profesionales Particulares A.C., Miahuatlán de Porfirio Díaz, Oaxaca, México

⁵ CB-Xpert Laboratorio de Patología Clínica, Miahuatlán de Porfirio Díaz, Oaxaca, México

Introducción. En diabéticos tipo 2 (DM2) se ha reportado como marcador de riesgo la expansión (CAG)_n en el gen para la ataxina-2 (*ATXN2*); sin embargo, las variantes de este también están asociadas con parámetros como los niveles de hemoglobina, el incremento de hematocrito, el volumen corpuscular medio, así como el recuento plaquetario, lo cual sugiere que podría ser un factor que predispone a la hipercoagulabilidad en los pacientes con COVID-19, que es, *per se*, un estado de inmunotrombosis.

Objetivo. Establecer si hay una asociación con genotipos de la expansión (CAG)_n del *ATXN2* con el desarrollo de tromboflebitis superficial en pacientes DM2 con COVID-19.

Materiales y métodos. Se incluyeron 184 diabéticos controlados metabólicamente y que presentaron COVID-19. Se estratificaron dos grupos: uno de portadores de enfermedad vascular periférica con tromboflebitis superficial diagnosticada por ultrasonograma doppler, y otro que no la presentaba. Se extrajo ADN de sangre periférica usando el estuche gene Catcher para genotipificar la expansión (CAG)_n mediante PCR-larga.

Resultados. Se encontró una asociación positiva con una *r* de Pearson de 0,67, *ji* al cuadrado mayor de 3,84 y una razón de riesgo (ORR) de 2,6 para portadores de genotipos con alelos mayores a 23 repeticiones con una frecuencia de 20,65 %, en tanto que los genotipos con alelos menores se asociaron como protectores (ORR de 0,45).

Conclusión. El presente estudio sugiere que las expansiones largas dentro del rango normal VNTR del gen *ATXN2* en la DM2 son un factor de riesgo para la tromboflebitis superficial por COVID-19.

Palabras clave: ataxina-2; coagulopatía; COVID-19; diabetes mellitus tipo 2; trombofilia; tromboflebitis.

Referencias

- Ramírez SA, Sánchez J, Ortega D, Ramírez E, García-Cruz D. Ataxina-2, nuevo blanco en enfermedades genéticas complejas. *Gac Med Mex.* 2019;155:58-62. <https://doi.org/10.24875/gmm.18003473>
- Flores LJ, Dávalos NO, García D, Madrigal PM, Ruiz R, Aguilar ME, *et al.* El polimorfismo (CAG)_n del gen *ATXN2*, nuevo marcador de susceptibilidad para diabetes mellitus tipo 2. *Rev Panam Salud Pública.* 2016;40:318-24.
- Ramírez SA, García D, Dávalos NO, López S, Landeta S, Domínguez RJ, *et al.* Alteraciones de la coagulación y marcadores de trombofilia en un paciente con SARS-CoV-2, diabetes tipo 2, hipotiroidismo y flebitis de miembro pélvico izquierdo. *Cir Cir.* 2021.2021;89. <https://doi.org/10.24875/CIRU.21000017>
- Carrillo R, Melgar RE, Jacinto SA, Tapia M, Campa AN. Alteraciones de la coagulación en COVID-19. *Cir Cir.* 2020;88:787-93. <https://doi.org/10.24875/CIRU.20000416>

Frecuencia de reacciones alérgicas tempranas asociadas con la primera dosis de la vacuna mRNA BNT162B2 en personal de salud del Hospital COVID

José Eduardo López-Contreras¹, Martín Bedolla-Barajas², Patricia Paredes-Casillas¹, Francisco Eduardo Castillo-Vélez¹, Gustavo Murguía-Gutiérrez¹

¹. Servicio de Epidemiología, Nuevo Hospital Civil de Guadalajara "Dr. Juan I. Menchaca" Guadalajara, México

². Servicio de Alergia e Inmunología Clínica, División de Medicina Interna, Nuevo Hospital Civil de Guadalajara "Dr. Juan I. Menchaca," Guadalajara, México

Introducción. La vigilancia de los eventos alérgicos tempranos relacionados con el uso de la vacuna BNT162b2 de mRNA contra la infección por SARS-Cov-2 busca aportar evidencias en relación con la seguridad de las vacunas y responder a las inquietudes y demandas de información por parte de la comunidad científica.

Objetivo. Determinar la frecuencia de reacciones alérgicas tempranas asociadas con la inmunización con mRNA BNT162b2 COVID-19 en el personal de salud del Nuevo Hospital Civil de Guadalajara "Dr. Juan I. Menchaca" de enero a abril del 2021.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal. Se aplicó la encuesta de eventos supuestamente atribuibles a la vacunación e inmunización a 2.295 trabajadores de la salud que recibieron la primera dosis de la vacuna anti SARS-CoV-2 BNT162B2. Se estimaron frecuencias absolutas para las manifestaciones clínicas y se clasificaron de acuerdo con los criterios internacionales de anafilaxia.

Resultados. Se obtuvieron 418 reportes. El 57 % de los casos se presentó en el grupo de edad de 18 a 39 años. El sexo femenino representó el 75 %. El antecedente de primo-infección de COVID-19 estuvo presente en el 22 %. El dolor, la cefalea y la astenia fueron los síntomas más frecuentes (89, 70 y 52 %). La prevalencia de anafilaxia en este estudio fue de 0,3 % (IC: 0,01-0,06).

Conclusión. Las manifestaciones más frecuentes fueron similares a las reportadas en otros estudios. La anafilaxia es un evento adverso raro y su detección y manejo inmediato son esenciales.

Palabras clave: COVID-19; vacunación; prevención y control; alergia e inmunología; anafilaxia.

Referencias

1. Organización mundial de la Salud. Covid.19 vaccines: safety surveillance manual Geneva; OMS: 2020.
2. Risma KA, Edwards K, Hummell DS, Little F, Norton AE, Stallings A, *et al.* Potential mechanism of anaphylaxis to COVID-19 mRNA vaccines. *J Allergy Clin Immunol.* 2021;147:2075-82.
3. Cardona V, Ansotegui I, Ebisawa M, El-Gamal Y, Fernández-Rivas M, Fineman S, *et al.* World Allergy Organization Anaphylaxis Guidance 2020. *World Allergy Organ J.* 2020;13:100472.

Factores de riesgo asociados con COVID-19 en estudiantes de la facultad de salud de una institución de educación superior de Cali, 2020

César Augusto Ramírez, Freiser Cruz, María del Pilar Trián, María Paula Agudelo, María Alejandra Montoya, Ana María Zamorano

Universidad Santiago de Cali, Cali, Colombia

Introducción. La pandemia de COVID-19 fue declarada por la OMS como una emergencia de salud pública a nivel mundial. En estudios realizados se han determinado diferentes factores de riesgo que pueden contribuir al desarrollo de la enfermedad o la muerte. Sin embargo, se presenta poca evidencia científica en la población universitaria.

Objetivo. Determinar la frecuencia y factores de riesgos asociados con la COVID-19 en los estudiantes de ocho programas académicos de la Facultad de Salud de una universidad Colombiana.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte transversal con componente analítico en el que se incluyeron 340 estudiantes. El análisis de los datos se realizó con SPSS 25. Para identificar los factores de riesgo se hizo una regresión logística binaria.

Resultados. Predominó el sexo femenino (80 %), la edad promedio fue de $22 \pm 3,4$, la frecuencia de COVID-19 fue del 5, siendo los programas más afectados los de Instrumentación Quirúrgica (25 %) y Fisioterapia (24 %). Los factores asociados con el evento fueron la edad de $>$ de 27 años (IC de 95 %; OR=4,3), el sobrepeso y la obesidad (OR=2,6), el ser estudiante del programa de enfermería (OR=3,7) y trabajar además de estudiar (OR=4,25).

Conclusión. Los factores asociados con la enfermedad fueron ser estudiante de enfermería y estudiar y trabajar.

Palabras clave: factores de riesgo; infección por coronavirus; estudiantes; facultad, Universidad.

Referencias

1. López-Ponce de Leóna JD, Cárdenas-Marín PA, Giraldo-González GC, Herrera-Escandón A. Coronavirus – COVID 19: más allá de la enfermedad pulmonar, qué es y qué sabemos del vínculo con el sistema cardiovascular. Revista Colombiana de Cardiología. 2020. <https://doi.org/10.1016/j.rccar.2020.04.006>.
2. Collado E, Ruiz E, Salas P, Folch A, Muriach M, Baliño P. The COVID-19 outbreak—An empirical phenomenological study on perceptions and psychosocial considerations surrounding the immediate incorporation of final-year SPANISH nursing and medical students into the health system. Nurse Educ Today. 2020;92:104504. <https://doi.org/10.1016/j.nedt.2020.104504>.
3. Organización Panamericana de la Salud. Enfermedades no transmisibles. Fecha de consulta: 25 de junio de 2020. Disponible en: <https://www.paho.org/es/temas/enfermedades-no-transmisibles>
4. Musselwhite C, Avineri E, Susilo Y. Editorial JTH 16 –The Coronavirus Disease COVID-19 and implications for transport and health. J Transp Health. 2020;16:100853.

Construcción de epítopes T para COVID-19 que estimulan la respuesta Th2 vía HLA en asmáticos en la I.P.S. Salud Social

Carlos Parga-Lozano^{1,2}, Nohemí Santodomingo^{1,2}

¹ Centro de Investigación e Innovación en Salud-CIIS, Salud Social I.P.S, Barranquilla, Colombia

² Grupo de Investigación de Biomembranas-GIBIOM, Universidad Libre Seccional Barranquilla, Barranquilla, Colombia

Introducción. El SARS-CoV-2 es un virus de ARN, por lo que una buena estrategia para combatirlo es utilizar la técnica CRISPR-Cas13 cuando deposita su material genético en la célula, la cual ataca el ARN y no el ADN. Esta técnica se ha probado con éxito *in vitro* e *in vivo* y resulta prometedora, ya que permite construir epítopes T que seleccionan linfocitos Th2 para contrarrestar la respuesta Th1 de la COVID-19 como se ha constatado en estudios previos en asmáticos con respuesta favorable frente a la COVID-19 por la expresión de un receptor ECA2 más corto que permite la selección de moléculas presentadoras de antígeno al linfocito T vía HLA-DRB1*04:06.

Objetivo. Construir epítopes T que seleccionen HLA anti-COVID-19 específica para linfocitos Th2 basados en la respuesta de asmáticos graves atendidos en Salud Social I.P.S.

Materiales y métodos. Se hizo una búsqueda sistemática en las bases de datos de PubMed, Elsevier, Scopus y ScienceDirect; los resultados se tabularon y organizaron mediante Allele Frequencies para conocer la frecuencia alélica en amerindios colombianos y, en un estudio de cohorte retrospectivo entre mayo de 2020 y febrero de 2021, analizar una base de datos de 11.546 pacientes de Salud Social I.P.S.

Resultados. Se hicieron cambios mutacionales computacionalmente utilizando el sistema teórico CRISPR-Cas13 para estimular el HLA-DRB1*04:06 prevalente en el suroccidente colombiano e inducir en los pacientes con asma grave la respuesta Th2.

Conclusiones. El modelo CRISPR-Cas13 se presenta como una alternativa prometedora en la producción de epítopes T para seleccionar HLA específicas conducentes a estimular la respuesta Th2.

Palabras clave: asma; amerindios; CRISPR-Cas13; HLA; linfocitos; SARS-CoV-2.

Referencias

1. Parga-Lozano CH. Combination of two promising methodologies for possible treatment against COVID-19. Biomed J Sci Tech Res. 2021;35.
2. Wang L, Zhou J, Wang Q, Wang Y, Kang C. Rapid design, and development of CRISPR- Cas13a targeting SARS-CoV-2 spike protein. Theranostics. 2021;11:649-64.
3. Nguyen A, David JK, Maden SK, Wood MA, Weeder BR, Nellore A, *et al.* Human leukocyte antigen susceptibility map for severe acute respiratory syndrome Coronavirus 2. J Virol. 2020;94. <https://doi.org/10.1128/jvi.00510-20>

Predictores de fracaso con cánula nasal de alto flujo de oxígeno en pacientes con COVID-19 entre junio y diciembre del 2020

Jubel David Zúñiga¹, Daniela González¹, John James Castillo¹, Hoover León², Harold Arboleda¹

¹ Clínica de Alta Complejidad Santa Bárbara, Palmira, Colombia

² GESENCRO S.A.S, Palmira, Colombia

Introducción. La COVID-19 ha generado retos debido a la alta demanda de servicios que ha exigido buscar alternativas de soporte respiratorio para responder a las necesidades de la población. Es importante disponer de herramientas para detectar precozmente el fracaso de estrategias respiratorias no invasivas y la consecuente necesidad de intubación.

Objetivo. Determinar las variables asociadas con el fracaso en el tratamiento con cánula de alto flujo (CNAF) en pacientes con COVID-19.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional analítico de corte transversal con 68 pacientes de COVID-19 en la unidad de cuidados intensivos que recibieron tratamiento con CNAF. Las variables de estudio se evaluaron en tres momentos, a las 24, 48 y 72 horas. Se hicieron los análisis bivariado y multivariado del grupo en el que fracasó y en el que tuvo éxito.

Resultados. En el análisis bivariado, las variables que presentaron una relación estadísticamente significativa a las 24 h fueron el no presentar un aumento del trabajo respiratorio (Wresp) ($p=0,000$) y la SatO₂ normal ($p=0,006$); a las 48 h, el Wresp sin aumento ($p=0,014$), la SatO₂ normal ($p=0,005$), la PaO₂/FiO₂ leve o moderada ($p=0,039$), y a las 72 h se registró el fracaso con una PaO₂/FiO₂ grave ($p=0,000$), el aumento del Wresp ($p=0,001$) y un índice ROX $<4,88$ ($p=0,023$). Según el análisis multivariado, las variables predictoras de fracaso a las 24 h fueron FiO₂, SatO₂, Wresp y a las 48 h, FiO₂ y SatO₂.

Conclusiones. El aumento de FiO₂ >70 %, el incremento del Wresp y una SpO₂ de <88 % fueron las variables asociadas con el fracaso de la CNAF; saberlo facilita la toma de decisiones clínicas sobre si avanzar o no hacia un soporte respiratorio invasivo.

Palabras clave: COVID-19; ventilación no invasiva; ventilación mecánica; unidad de cuidados intensivos; hipoxemia; insuficiencia respiratoria.

Referencias

1. Umakanthan S, Sahu P, Ranade A V., Bukelo MM, Rao JS, Abrahao-Machado LF, *et al.* Origin, transmission, diagnosis and management of coronavirus disease 2019 (COVID-19). *Postgrad Med J.* 2020;96:753-8.
2. Messika J, Ahmed K Ben, Gaudry S, Miguel-Montanes R, Rafat C, Sztrymf B, *et al.* Use of high-flow nasal cannula oxygen therapy in subjects with ARDS: A 1-year observational study. *Respir Care.* 2015;60:162-9.
3. Cinesi-Gómez C, Peñuelas-Rodríguez O, Luján-Torné ML, Egea-Santaolalla C, Masa-Jiménez JF, García-Fernández J, *et al.* Clinical consensus recommendations regarding non-invasive respiratory support in the adult patient with acute respiratory failure secondary to SARS-CoV-2 infection. *Esp Anesthesiol Reanim.* 2020;67:261-70.
4. Frat J-P, Thille AW, Mercat A, Girault C, Ragot S, Perbet S, *et al.* High-Flow Oxygen through Nasal Cannula in Acute Hypoxemic Respiratory Failure. *N Engl J Med.* 2015;372:2185-96.
5. Wei-Jie Guan, Zheng-Yi Ni, Yu Hu, Wen-Hua Liang, Chun-Quan Ou, Jian-Xing He, *et al.* Clinical characteristics of 2019 novel coronavirus infection in China. *N Engl J Med.* 2020;382:1708-20.

Análisis de la expresión del receptor ACE2 en población colombiana y su papel en la propensión a la COVID-19

Daniel Mauricio González, Nancy Yaneth Gelvez, Paola Andrea Ayala, Fernando Obando, Alejandra Cañas, Beatriz Ariza, Julieth Arcila, Claudia Cardozo, Adriana Patricia Rojas
Pontificia Universidad Javeriana, Bogotá, D.C., Colombia.

Introducción. La proteína ACE2 actúa como puerta de ingreso del SARS-CoV-2 a la célula hospedera, por lo que tiene un papel importante en la propensión a la COVID-19. Se conoce que ciertas condiciones y variantes genéticas en el gen *ACE2* están asociadas con cambios en su expresión y, por lo tanto, con una mayor propensión a la infección. Aunque algunas variables como el sexo, la edad y la obesidad se han descrito como factores de riesgo de la COVID-19, aún se desconocen las causas moleculares de la propensión a la enfermedad.

Objetivo. Evaluar la expresión del gen *ACE2* en muestras de hisopado nasofaríngeo de población colombiana y establecer asociaciones con variables demográficas y clínicas.

Materiales y métodos. En 500 muestras de hisopado nasofaríngeo provenientes de población adulta de Bogotá, se cuantificó la expresión del ARNm del gen *ACE2* mediante RT-qPCR y se determinaron las diferencias estadísticamente significativas mediante pruebas no paramétricas.

Resultados. Se encontró que el sexo masculino, la edad, el hábito de fumar y la presencia de comorbilidades metabólicas se asociaban con una mayor probabilidad de presentar sobreexpresión del *ACE2*. Además, los niveles de expresión basales del gen *ACE2* fueron mayores en pacientes con COVID-19.

Conclusión. Los niveles de expresión del gen *ACE2* variaron en nuestra población y registraron modificaciones debido a hábitos de consumo y variables demográficas o clínicas, lo que constituye un indicio del impacto del ambiente en la propensión a la COVID-19.

Palabras clave: infecciones por coronavirus; expresión génica; susceptibilidad a enfermedades; factores de riesgo; epigenómica, ambiente.

Referencias

1. Ragia G, Manolopoulos V. Assessing COVID-19 susceptibility through analysis of the genetic and epigenetic diversity of ACE2-mediated SARS-CoV-2 entry. *Pharmacogenomics*. 2020;21:1311-29.
2. Ashraf U, Abokor A, Edwards J, Waigi E, Royfman R, Hasan S, *et al.* SARS-CoV-2, ACE2 expression, and systemic organ invasion. *Physiological Genomics*. 2021;53:51-60.
3. Pruijboom L. Methylation Pathways and SARS-CoV-2 Lung Infiltration and Cell Membrane-Virus Fusion Are Both Subject to Epigenetics. *Front Cell Infect Microbiol*. 2020;10:290.
4. Al Heialy S, Hachim M, Senok A, Gaudet M, Abou Tayoun A, *et al.* Regulation of Angiotensin-Converting Enzyme 2 in Obesity: Implications for COVID-19. *Frontiers in Physiology*. 2020;11.

Dinámica de transmisión del SARS-CoV-2 en la interfaz urbana-rural colombiana

Gina Polo¹, Diego Soler-Tovar¹, Luis Carlos Villamil-Jiménez¹, Efraín Benavides¹, Carlos Mera-Acosta^{1,2}

¹ Grupo de Investigación en Epidemiología y Salud Pública, Universidad de La Salle, Bogotá, D.C., Colombia

² Universidade Federal do ABC, Santo André, São Paulo, Brasil

Introducción. La respuesta epidemiológica para mitigar los impactos del SARS-CoV-2 en poblaciones humanas rurales continúa siendo un desafío para los responsables de la toma de decisiones. Hasta la fecha, las medidas homogéneas de supresión y mitigación se han implementado ignorando las diferencias entre las zonas urbana y rural.

Objetivo. Proponer un modelo epidemiológico que permita simular la dinámica del SARS-CoV-2 en zonas urbanas y rurales considerando la interacción entre ellas y plantear medidas preventivas para proteger a las poblaciones rurales del SARS-CoV-2.

Materiales y métodos. Se formuló un modelo epidemiológico compartimental considerando una clasificación de los individuos según su actividad económica y su estado (propenso-expuesto-infeccioso-recuperado-fallecido). La dinámica del SARS-CoV-2 se simuló en cinco estudios de caso (Boyacá, Caquetá, Cundinamarca, Santander y Sucre) considerando zonas urbanas y rurales y su interacción.

Resultados. Debido a la poca interacción entre individuos en zonas rurales, el mantenimiento de SARS-CoV-2 en estas depende exclusivamente de su interacción en la interfaz urbana-rural. Por lo tanto, resulta ineficaz que las medidas de supresión y mitigación se centren en zonas rurales. Sin embargo, dichas medidas en la interfaz urbana-rural reducen el número de fallecidos, además de disminuir y retrasar el pico epidémico en las zonas rurales.

Conclusión. Para evitar la transmisión del SARS-CoV-2 en poblaciones humanas rurales es fundamental que las medidas preventivas se enfoquen en la interfaz urbana-rural.

Palabras clave: Colombia; infecciones por coronavirus; pandemias; población rural.

Referencias

1. Anderson RM, Heesterbeek H, Klinkenberg D, Hollingsworth TD. How will country-based mitigation measures influence the course of the COVID-19 epidemic? *Lancet*. 2020;395:931-4.
2. Brett TS, Rohani P. Transmission dynamics reveal the impracticality of COVID-19 herd immunity strategies. *Proceedings of the National Academy of Sciences*. 2020;117: 25897-903.
3. Britton T, Ball F, Trapman P. A mathematical model reveals the influence of population heterogeneity on herd immunity to SARS-CoV-2. *Science*. 2020;369:846-9.
4. López-Goyburu P, García-Montero LG. The urban-rural interface as an area with characteristics of its own in urban planning: A review. *Sustainable Cities and Society*. 2018;43:157-65.

Modelación de series de tiempo para la predicción del uso de camas de unidades de cuidado intensivo asociado a la COVID-19

Alvaro David Orjuela-Cañón, Oscar Julián Perdomo

Escuela de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad del Rosario, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. La pandemia de COVID-19 afectó la salud pública de Colombia, incrementando el uso de camas en unidades de cuidado intensivo (UCI). En Bogotá, D.C., se tomaron decisiones importantes frente a la administración de recursos de la red hospitalaria. En este contexto, nuevas propuestas de valor facilitan la toma de decisiones con base en los análisis de datos.

Objetivo. Hacer la modelación de series de tiempo asociadas con el uso de las camas de UCI empleadas en la contingencia generada por la COVID-19 en Bogotá D.C.

Materiales y métodos. Con basado en la información sobre el uso de las UCI recolectada por la Secretaría Distrital de Salud, se elaboró una serie de tiempo constituida por el número diario de camas ocupadas para el tratamiento de la COVID-19. Para la predicción de dicha serie se usaron modelos estadísticos (ARIMA) y modelos basados en redes neuronales artificiales (NAR). La serie de tiempo se normalizó y se dividió así: un 70 % para desarrollo de los modelos y un 30 % para la validación. Se emplearon diferentes parámetros para encontrar el mínimo del valor de la raíz del error cuadrático medio (RMSE).

Resultados. El mejor modelo estadístico fue el ARIMA, con un RMSE de 0,019. El modelo NAR, con cinco neuronas en la capa oculta, obtuvo el mejor resultado, con un RMSE de 0,011.

Conclusión. Empleando los datos sobre el uso de camas UCI para COVID-19 y modelos de predicción de series de tiempo fue posible modelar la demanda de camas empleando como máximo los datos de los tres días anteriores como mínimo para la predicción.

Palabras clave: COVID-19; series de tiempo; predicción; UCI; redes neuronales artificiales.

Referencias

1. Orjuela-Cañón AD, Perdomo O. Clustering Proposal Support for the COVID-19 Making Decision Process in a Data Demanding Scenario. *IEEE Lat Am Trans.* 2021;100(1e).
2. Wang P, Zheng X, Ai G, Liu D, Zhu B. Time series prediction for the epidemic trends of COVID-19 using the improved LSTM deep learning method: Case studies in Russia, Perú and Iran. *Chaos, Solitons & Fractals.* 2020;140:110214.
3. Alcaldía Mayor de Bogotá. COVID-19 en Bogotá. 2020. Fecha de consulta: 8 de mayo de 2020. Disponible en: <http://https://bogota.gov.co/coronavirus-en-bogota/>
4. Nelson BK. Time series analysis using autoregressive integrated moving average (ARIMA) models. *Acad Emerg Med.* 1998;5:739-44.
5. Tealab A. Time series forecasting using artificial neural networks methodologies: A systematic review. *Futur Comput Informatics J.* 2018;3:334-40.

Heterogeneidad espacio-temporal de la letalidad por SARS-CoV-2 en Colombia y su asociación con el índice de pobreza multidimensional

Gina Polo¹, Diego Soler-Tovar¹, Luis Carlos Villamil-Jiménez¹, Efraín Benavides¹, Carlos Mera-Acosta^{1,2}

¹ Grupo de Investigación en Epidemiología y Salud Pública, Universidad de La Salle, Bogotá, D.C., Colombia

² Universidade Federal do ABC, Santo André, São Paulo, Brasil

Introducción. Aunque las medidas de mitigación y supresión contra el SARS-CoV-2 se han considerado globalmente, la heterogeneidad espacial de su efectividad es evidente, lo que subraya las desigualdades globales en salud.

Objetivo. Determinar la asociación espacial entre factores socioeconómicos y la letalidad por SARS-CoV-2 en Colombia.

Materiales y métodos. Para explicar la asociación se consideraron los casos y los fallecimientos por SARS-CoV-2 reportados por el Instituto Nacional de Salud, así como el índice nacional de pobreza multidimensional. Se utilizó un enfoque bayesiano empleando simulaciones de Monte Carlo basadas en cadenas de Markov.

Resultados. En Colombia tanto la letalidad por SARS-CoV-2 como el índice de pobreza multidimensional presentan una distribución espacial heterogénea. El riesgo de morir por SARS-CoV-2 aumenta en las regiones con una mayor proporción de personas pobres y privaciones asociadas con la vivienda (RR: 1,74; IC_{95%}: 1,67-2,05), educación (RR: 1,73; IC_{95%}: 1,16-1,38), salud (RR: 1,43; IC_{95%}: 1,29-1,60) y la niñez/juventud (RR: 1,21; IC_{95%}: 1,08-1,39).

Conclusiones. Se proporcionó evidencia cuantitativa de la asociación entre los factores socioeconómicos que contribuyen a la pobreza y el riesgo de morir por SARS-CoV-2 en Colombia. Además, los hallazgos demuestran la importancia de reducir progresivamente los factores asociados con la pobreza que generan desigualdades en salud para disminuir los efectos negativos de la pandemia del SARS-CoV-2, así como el impacto de otras en el futuro.

Palabras clave: análisis espacial; Colombia; infecciones por coronavirus; pandemias; pobreza.

Referencias

1. Alkire S, Santos ME. Measuring acute poverty 25 in the developing world: Robustness and scope of the 26 multidimensional poverty index. *World Development*. 2014;27:251-74.
2. Departamento Administrativo Nacional de Estadística. Medida de pobreza multidimensional municipal de fuente censal, 2018. Fecha de consulta: 26 de octubre de 2020. Disponible en: www.dane.gov.co/index.php/estadisticas-por-tema/pobreza-y-condiciones-de-vida/pobreza-y-desigualdad/medida-de-pobreza-multidimensional-de-fuente-censal
3. Lee D. A tutorial on spatio-temporal disease risk modelling in R using Markov chain Monte Carlo simulation and the CARBayesST package. *Spat Spatiotemporal Epidemiol*. 2020;100353.
4. Ver Hoef JM, Peterson EE, Hooten MB, Hanks EM, Fortin MJ. Spatial autoregressive models for statistical inference from ecological data. *Ecol Monogr*. 2018;88:36-59.

Nuevas funciones de probabilidad de contagio para modelar la propagación sobre una red dinámica

Alexandra Catano-López, Daniel Rojas, Diana Paola Lizarralde, María Eugenia Puerta
Departamento de Ciencias Matemáticas, Universidad EAFIT, Medellín, Colombia

Introducción. En el estudio de la transmisión de enfermedades se utilizan cada vez más los modelos matemáticos. Sin embargo, estos aún presentan algunos supuestos de homogeneidad sobre la población, lo que afecta el análisis de propagación de una enfermedad, y se debe principalmente a la forma clásica de desarrollar las probabilidades de contagio.

Objetivo. Desarrollar funciones de probabilidad de contagio compatibles con los principios de propagación en redes durante el proceso de modelación, con el fin conservar un sentido biológico y ajustarse a casos reales.

Materiales y métodos. Se utilizó la metodología propuesta por Martcheva para la creación de modelos discretos y probabilidades de contagio. Como caso de estudio se hicieron ajustes de múltiples brotes epidémicos de COVID-19 en Corea del Sur y Alemania utilizando datos de casos activos y rutinas de estimación de parámetros, y para su validación, análisis de sensibilidad e identificabilidad con las herramientas de GSUA_CSJ Toolbox de Matlab.

Resultados. Se obtuvieron funciones de probabilidad de contagio compatibles con la propagación de enfermedades en una red dotada de sentido biológico y social en sus parámetros, lo que permitió modelar múltiples brotes epidémicos consecutivos con datos reales.

Conclusiones. Es posible modelar la heterogeneidad poblacional para describir la propagación de una enfermedad a partir del concepto de redes de contagio. Estas estructuras permiten analizar la dinámica de la enfermedad y pueden adoptarse para el desarrollo y estudio de políticas públicas de control de enfermedades en las poblaciones afectadas.

Palabras clave: probabilidad; contagio; cuarentena; modelado; COVID-19; heterogeneidad poblacional.

Referencias

1. Cao H, Tan H. The discrete tuberculosis transmission model with treatment of latently infected individuals. *Adv Differ Equ.* 2015;165. <https://doi.org/10.1186/s13662-015-0505-8>
2. Martcheva M. *An Introduction to Mathematical Epidemiology.* Springer Publishing Company; 2015.
3. Dong E, Du H, Gardner L. An interactive web-based dashboard to track COVID-19 in real time. *2020. Lancet Infect Dis.* 2020;20:533-4.

Efecto de las migraciones en la evaluación de la transmisión de enfermedades infecciosas mediante modelos epidemiológicos

Federico Banoy, Nicolás Alberto Moreno, Alexandra Catano, Daniel Rojas, Nicolás Restrepo, María Eugenia Puerta

Universidad EAFIT, Medellín, Colombia

Introducción. Así como las pandemias tienen efectos en distintos ámbitos de la sociedad, las dinámicas sociales también los ejercen sobre la dinámica de transmisión de una enfermedad. Es el caso de los procesos de migración como dinámica social en un mundo globalizado.

Objetivo. Formular una estrategia para considerar los procesos de migración en modelos epidemiológicos.

Materiales y métodos. Se incorporaron las migraciones a la dinámica de transmisión de una enfermedad a través de un modelo de meta-poblaciones basado en el SIR y mediante un proceso estocástico que permitió capturar las perturbaciones generadas por las migraciones en el comportamiento de la transmisión de la enfermedad. Se consideraron las poblaciones que no se movilizan las que ingresan y salen del sistema, las diferentes formas de migración en el tiempo utilizando la modelación computacional en el MatLab.

Resultados. Se determinó un parámetro de control del riesgo frente a migraciones en el modelo epidemiológico. La parametrización del modelo hace que sea versátil y se adapte a distintas situaciones reales. Su implementación computacional permite realizar simulaciones de diferentes situaciones.

Conclusiones. Se pudo identificar el efecto de la tasa de migración sobre el comportamiento de la transmisión de la enfermedad. La dinámica de migraciones que se propone se puede utilizar en modelos que consideren otras poblaciones o complejidades. La simulación logró mostrar que la falta de regulación sobre la migración tiene efectos negativos en la propagación de una enfermedad en la población local.

Palabras clave: meta-poblaciones; migración; control; modelo epidemiológico; simulación; COVID-19.

Referencias

1. Centro de Análisis de Datos Mundiales sobre la Migración. Portal de datos mundiales sobre la migración. Fecha de consulta: 20 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.migrationdataportal.org/es/themes/datos-sobre-migracion-relevantes-para-la-pandemia-de-covid-19>
2. Brauer F, Feng Z, Castillo-Chávez C. Discrete epidemic models. *Math Biosci Eng.* 2010;7:1-15. <https://doi.org/10.3934/mbe.2010.7.1>
3. Citron DT, Guerra CA, Dolgert AJ, Wu SL, Henry JM, Sánchez HM, *et al.* Comparing meta-population dynamics of infectious diseases under different models of human movement. *Proc Natl Acad Sci U S A.* 2021;118:e200748811 <https://doi.org/10.1073/pnas.2007488118>
4. Kendall DG. Stochastic processes occurring in the theory of queues and their analysis by the method of the imbedded markov chain. *The Annals of Mathematical Statistics.* 1953;24:338-54.

Report del caso de una mujer embarazada de 36 años con grave infección por SARS-CoV-2 visto desde la perspectiva de la psiquiatría de enlace

Diana Patricia Restrepo¹, María Camila Tamayo²

¹ Clínica CardioVID, Universidad CES, Medellín, Colombia

² Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. Durante el primer año y medio de la pandemia numerosas mujeres embarazadas han ingresado a cuidados intensivos por complicaciones relacionadas con la COVID. Hasta ahora es poca la información relacionada con los aspectos psiquiátricos y emocionales asociados con esta experiencia.

Objetivo. Presentar el acompañamiento brindado mediante psiquiatría de enlace a una mujer embarazada con una grave infección por SARS-CoV-2 que requirió ingreso a la unidad de cuidados intensivos.

Materiales y métodos. Se reporta el caso y se hace una revisión rápida de la literatura. Se obtuvo consentimiento informado de la mujer y el aval del comité de ética institucional. El reporte sigue los lineamientos de la guía Care. Para la revisión rápida se revisaron artículos relevantes publicados en revistas indexadas en el último año y medio en PubMed, Scielo y Google Scholar.

Resultados. Una mujer de 36 años de edad con un embarazo en el segundo trimestre e infección por el virus SARS-CoV-2, progresó rápidamente a una falla respiratoria y sistémica que requirió membrana de oxigenación extracorpórea, respiración mecánica invasiva y altas dosis de sedantes y analgésicos. Debido a la mala evolución clínica, se decidió hacer cesárea. Durante la estancia en cuidados intensivos falleció el padre y la abuela de la paciente. Los profesionales de psiquiatría abordaron a la paciente, su esposo y su hija de 14 años para prestar ayuda con el delirio emergente, los problemas de sueño, la comunicación de malas noticias, y el proceso de desconexión de la respiración mecánica, entre otros aspectos.

Conclusiones. Se constataron las demandas extraordinarias, tanto físicas como mentales, que afrontan las mujeres embarazadas con infección por el SARS-CoV-2 y el arduo proceso de tratamiento y rehabilitación desde la perspectiva de la psiquiatría de enlace.

Palabras clave: SARS-CoV-2; COVID-19; embarazo; unidad de cuidados intensivos; medicina psicosomática; cesárea; parto prematuro.

Referencias

1. Di Toro F, Gjoka M, Di Lorenzo G, De Santo D, De Seta F, Maso G, *et al.* Impact of COVID-19 on maternal and neonatal outcomes: a systematic review and meta-analysis. *Clin Microbiol Infect.* 2021;27:36-46. <https://doi.org/10.1016/j.cmi.2020.10.007>
2. Kingston EV. High rates of stillbirth and preterm delivery in women with COVID-19 and the efficacy of ECMO in pregnancy. *BMJ.* 2020;27:370. <https://doi.org/10.1136/bmj.m2921>
3. Reis HLBD, Boldrini NAT, Caldas JVV, Paz APCD, Ferrugini CLP, Miranda AE. Severe coronavirus infection in pregnancy: challenging cases report. *Rev Inst Med Trop Sao Paulo.* 2020;62:e49. <https://doi.org/10.1590/s1678-9946202062049>
4. Juan J, Gil MM, Rong Z, Zhang Y, Yang H, Poon LC. Effect of coronavirus disease 2019 (COVID-19) on maternal, perinatal and neonatal outcome: systematic review. *Ultrasound Obstet Gynecol.* 2020;56:15-27. <https://doi.org/10.1002/uog.22088>

Factores asociados a los intentos de suicidio en época de pandemia entre adultos de Villavicencio, Meta

Liliana Berna-Vargas, Ruth Ángela Gómez, Paula Ariadna Corzo
Universidad Cooperativa de Colombia, Villavicencio, Colombia

Introducción. La incidencia del intento de suicidio y el suicidio ha aumentado en los últimos años. En algunos estudios de caracterización de sus factores asociados se evidencia su diversidad y las condiciones psicosociales y culturales que rodean el fenómeno.

Objetivo. Determinar los factores asociados al intento de suicidio en adultos de Villavicencio, Meta, en época de pandemia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de casos y controles emparejados. Los casos se definieron como pacientes mayores de 18 años atendidos por intento de suicidio en una clínica de salud mental, los cuales se emparejaron con controles por sexo, edad y nivel educativo y sin intentos de suicidio. La participación fue voluntaria y se firmó el consentimiento informado. Los datos se recolectaron con una encuesta de datos sociodemográficos, y pruebas de apoyo familiar, trastornos mentales y formas de afrontamiento. La información se analizó y se describió la asociación de los factores mediante regresión logística.

Resultados. En el 100 % de los casos se registró algún trastorno psiquiátrico comparado con un 0 % en los controles. El 27,8 % de los casos y el 81,8 % del grupo de control se consideró tolerante a la frustración. El 38,9 % de los casos y el 9,1 % del grupo de control refirió sentirse solo. El 55,6 % de los casos y el 27,3 % del grupo de control reportó una disfunción familiar moderada o grave. La culpa como forma de afrontamiento se presentó en el 72,2 % de los casos y en el 36,4 % de controles.

Conclusión. Los casos presentaron mayores prevalencias de trastornos psiquiátricos, soporte familiar disfuncional y culpa como forma de afrontamiento que los controles.

Palabras clave: intento de suicidio; suicidio; factores de riesgo; afrontamiento.

Referencias

1. Arenas A, Gómez-Restrepo C, Rondón M. Factores asociados a la conducta suicida en Colombia. Resultados de la Encuesta Nacional de Salud Mental 2015. *Revista Colombiana de Psiquiatría*. 2016;45(Supl.1):68-75.
2. Allan NP, Ashrafioun L, Kolnogorova K, Raines AM, Hoge CW, Stecker T. Interactive effects of PTSD and substance use on suicidal ideation and behavior in military personnel: Increased risk from marijuana use. *Depress Anxiety*. 2019;36:1072-1079. <https://doi.org/10.1002/da.22954>
3. Asociación Americana de Psiquiatría. Manual diagnóstico y estadístico de trastornos mentales 5ª ed. Washington, D.C.: Asociación Americana de Psiquiatría; 2014.
4. Cardona-Arango D, Medina-Pérez OA, Cardona-Duque DV. Caracterización del suicidio en Colombia 2000- 2010. *Revista Colombiana de Psiquiatría*. 2016;45:170-7.
5. Chaparro-Narváez P, Díaz-Jiménez D, Castañeda-Orjuela C. Tendencia de la mortalidad por suicidio en las áreas urbanas y rurales de Colombia, 1979-2014. *Biomédica*. 2019;39:339-53. <https://doi.org/10.7705/biomedica.v39i3.4427>

Factores relacionados con la despersonalización en los profesionales de la salud durante la pandemia de COVID-19

Edgardo Muñoz¹, María Inés Mantilla², Mery González³, Carlos Gómez⁴, Javier Rodríguez⁵

¹ Universidad Popular del Cesar, Valledupar, Colombia

² Red Internacional de Enfermería Informática, Bogotá, D.C., Colombia

³ Red Iberoamericana de Conocimiento en Seguridad del Paciente, Bogotá, D.C., Colombia

⁴ Omnívada, Medellín, Colombia

⁵ Fundación Growing Up, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La pandemia de SARS-Cov-2 es una situación de salud que afecta a todo el mundo; sin embargo, el grupo de los profesionales de la salud está más expuesto a contraer la enfermedad y a condiciones que podrían afectar su salud mental, generando despersonalización en detrimento de la calidad de la atención de los pacientes.

Objetivo. Determinar la presencia de despersonalización entre el personal de la salud en el contexto de la pandemia de COVID-2.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo, de prevalencia, no aleatorizado en una muestra de 164 profesionales de la salud de diferentes centros de atención en Bogotá utilizando el test MBI para determinar la presencia de despersonalización.

Resultados. Los factores que aumentaron la probabilidad de despersonalización fueron el ser enfermero (ORa: 3,03; IC_{95%}: 1,19-7,71; p=0,02), laborar en servicios clínicos (ORa: 2,44; IC_{95%}: 0,81-7,39); laborar en ambos turnos (ORa: 1,05; IC_{95%}: 0,49-2,25), no realizar pausas activas durante la labor (ORa: 1,88; IC_{95%}: 0,91-3,89), y no contar con elementos de protección personal (ORa: 1,85; IC_{95%}: 0,72-4,75), de las cuales solo la condición ser enfermero tuvo significación estadística.

Conclusiones. Las condiciones laborales de los trabajadores de la salud bajo la pandemia de COVID-19 podrían ser factores importantes en la aparición de la despersonalización, especialmente en los profesionales de enfermería.

Palabras clave: ansiedad; agotamiento psicológico; despersonalización; estrés laboral.

Referencias

1. Talaee N, Varahram M, Jamaati H, Salimi A, Attarchi M, Kazempour Dizaji M, *et al.* Stress and burnout in health care workers during COVID-19 pandemic: validation of a questionnaire. J Public Health. 2020;1:1-6. <https://doi.org/10.1007/s10389-020-01313-z.pdf>
2. Ruiz-Fernández MD, Ramos-Pichardo JD, Ibáñez-Masero O, Cabrera-Troya J, Carmona-Rega MI, Ortega-Galán ÁM. Compassion fatigue, burnout, compassion satisfaction and perceived stress in healthcare professionals during the COVID-19 health crisis in Spain. J Clin Nurs. 2020;29:4321-30. <https://doi.org/10.1111/jocn.15469>
3. Queen D, Harding K. Societal pandemic burnout: A COVID legacy. Int Wound J. 2020;17:873-4. Peinado M, Anderson KN. Reducing social worker burnout during COVID-19. Int Soc Work. 2020;63:757-60. <https://doi.org/10.1177/0020872820962196>

Impacto de las medidas de confinamiento en la dispensación de anticonceptivos orales en el canal institucional de Colombia

Oswaldo Sánchez, Alcibíades Calderón, Lina María Huerfano
Audifarma, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Entre las medidas de confinamiento por la COVID-19 en el 2020, en la resolución 521 se priorizó la entrega de medicamentos de uso crónico dejando de lado la dispensación de anticonceptivos. En este sentido, el Fondo de Población de las Naciones Unidas reportó que un confinamiento de seis meses y la interrupción en la entrega de anticonceptivos representarían 7 millones más de embarazos no planeados.

Objetivo. Analizar el comportamiento de la dispensación de anticonceptivos durante la pandemia por COVID-19.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal descriptivo en mujeres afiliadas a tres EPS a quienes se les dispensaban anticonceptivos. Se obtuvieron los datos netos de la cantidad de estas mujeres estandarizados para la comparación. Se obtuvo un porcentaje de variación antes del 24 de marzo del 2020 y durante el confinamiento hasta el 30 de junio de ese año. Con el dato de probabilidad de embarazo no planeado del Instituto Guttmacher, se calculó el número de mujeres en riesgo. Se compararon las tasas de dispensación de antihipertensivos con las de anticonceptivos.

Resultados. Se observó una disminución neta de 403.311 unidades (53,3 %) entre enero y junio de 2020. El cálculo de la población con riesgo de presentar un embarazo no planeado fue de 11.382. La dispensación de anticonceptivos comparada con la de antihipertensivos fue de -16,7 mujeres por cada 1.000 frente a solo -1,9 pacientes por cada 1.000, respectivamente ($p < 0,05$).

Conclusiones. La disminución en la dispensación de anticonceptivos generará costos sociales, económicos, y de salud pública relevantes para el país.

Palabras clave: COVID-19; anticonceptivos; embarazo no deseado; mujeres.

Referencias

1. Ministerio de Salud y Protección Social. Resolución 521 de 2020. Bogotá, D.C.: Ministerio de Salud y Protección Social; 2020.
2. Fondo de Población de las Naciones Unidas (UNFPA). Nota técnica: Repercusión de la pandemia de COVID-19 en la planificación familiar y la eliminación de la violencia de género, la mutilación genital femenina y el matrimonio infantil. Nueva York. 2020. Fecha de consulta: 6 de julio de 2020. Disponible en: https://www.unfpa.org/sites/default/files/resource-pdf/COVID-19_impact_brief_for_UNFPA_23_April_2020_ES.pdf
3. Prada E, Singh S, Remez L, Villarreal C. Embarazo no deseado y aborto inducido en Colombia: causas y consecuencias, Nueva York: Guttmacher Institute, 2011.
4. Comisión Económica para América Latina y el Caribe (CEPAL). Los riesgos de la pandemia de COVID-19 para el ejercicio de los derechos sexuales y reproductivos de las mujeres. Fecha de consulta: 1 de diciembre de 2020. Disponible en: https://oig.cepal.org/sites/default/files/folleto_ssy_r_esp_0.pdf

Bienestar, afrontamiento, hábitos de estudio y uso de las tecnologías de información y comunicación (TIC) en estudiantes universitarios en el contexto de la educación virtual durante la pandemia de COVID-19

Yaneth Urrego¹, John Alexander Castro¹, Carlos Enrique Garavito¹, Charles Romel Yáñez²

¹ Universidad Piloto de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

² Fundación Universitaria Sanitas, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Las medidas universitarias para minimizar los efectos del SARS-CoV-2 afectaron el sentido de bienestar y la permanencia en el sistema educativo.

Objetivo. Establecer la relación entre el bienestar psicológico y subjetivo y el afrontamiento, los hábitos de estudio y el uso de las TIC en la educación virtual remota durante la pandemia de COVID19.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio causal, cuantitativo, transversal con 212 estudiantes universitarios de dos universidades de Bogotá, Colombia utilizando la escala de bienestar eudaimónico de Ryff, la *Satisfaction With Life Scale* (SWLS), el inventario de estrategias de afrontamiento, el inventario de hábitos de estudio CASM 85, y la evaluación de la competencia digital en estudiantes universitarios.

Resultados. Se analizaron los datos mediante la modelación de ruta del enfoque de mínimos cuadrados parciales y ecuaciones estructurales basados en el cumplimiento (externo: validez convergente y discriminante; interno, contrastación de hipótesis). El modelo global de relaciones causales tuvo un valor SRMR de ajuste de 0,079. La validez convergente y discriminante evidenció la consistencia interna entre las variables manifiestas (factores) y latentes (constructos). Se registró una relación positiva entre el bienestar psicológico y el afrontamiento adecuado (0,545; p: 000), los hábitos de estudio y el uso de las TIC, y una relación negativa entre el afrontamiento inadecuado, el bienestar subjetivo (-0,354) y los hábitos de estudio (-0,518).

Conclusión. El grado de afectación de los estudiantes universitarios por las medidas asociadas con la COVID-19 se relacionó con el nivel de bienestar psicológico y el afrontamiento, los cuales son protectores de la salud mental e inciden en la adaptación de los comportamientos de estudio.

Palabras clave: COVID19; adaptación psicológica; estudiantes; acceso a las TIC; salud mental.

Referencias

1. Araújo L, Ribeiro O, Paúl C. Hedonic and eudaimonic well-being in old age through positive psychology studies: a scoping review. *Annals of Psychology*. 2017;33:568-77.
2. Areepattamannil S, Santos IM. Adolescent students' perceived information and communication technology (ICT) competence and autonomy: Examining links to dispositions toward science in 42 countries. *Computers in Human Behavior*. 2019;98:50-8.
3. Baeta MF. Cultura y modelo biomédico: reflexiones en el proceso de salud-enfermedad. *Comunidad y Salud*. 2015;13:81-3.
4. Bailey TH, Phillips LJ. The influence of motivation and adaptation on students' subjective well-being, meaning in life and academic performance. *Higher Education Research & Development*. 2016;35:201-16.
5. Becker JM, Ringle C, Sarstedt M. Estimating moderating effects in PLS-SEM and PLSc-SEM: Interaction term generation data treatment. *Journal of Applied Structural Equation Modeling*. 2018;2:1-21.

Trauma pediátrico durante el confinamiento: ¿han cambiado los patrones?

Adriana Cuenca^{1,2}, Aura Coy^{1,3}, Natalia Gutiérrez¹, María Paula Santos¹, Juan David Bustos², Ana María Morales², Alejandra Marín¹

¹ Clínica Infantil Colsubsidio, Bogotá, D.C., Colombia

² Universidad del Rosario, Bogotá, D.C., Colombia

³ Universidad de los Andes, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. En marzo de 2020 Colombia entró en confinamiento obligatorio debido a la pandemia de COVID-19, lo que forzó a los niños a permanecer en sus casas con la consecuente disminución global de la consulta en las urgencias pediátricas.

Objetivo. Determinar la existencia de cambios en los patrones de presentación del trauma pediátrico durante el confinamiento obligatorio comparados con el año anterior.

Materiales y métodos. Se realizó un estudio de cohortes descriptivo retrospectivo en los pacientes pediátricos que consultaron a urgencias por trauma entre marzo 15 y mayo 15 del 2019 (sin confinamiento) y el mismo periodo del 2020 (con confinamiento). Se hizo un análisis univariado en el programa SPSS y un análisis bivariado; se consideró estadísticamente significativo un valor de p de 0,05. Se incluyeron 1.122 pacientes en la primera cohorte y 363 en la segunda cohorte.

Resultados. Se evidenció un aumento del 24 % en la prevalencia de trauma durante la cuarentena. El grupo etáreo más afectado estuvo entre los niños de 2 a 5 años de edad (31 %) en confinamiento en contraste con los mayores de 10 años (45,5 %) antes de la cuarentena. Hubo un aumento de los traumas por aplastamiento y los penetrantes durante la cuarentena (p: 0,033). Las caídas de altura, las quemaduras y las mordeduras de perro también aumentaron (p:<0,005). Se detectó, asimismo, un aumento en la sospecha de maltrato infantil durante la cuarentena (p<0,0005).

Conclusión. El confinamiento de los menores produjo una variación en la presentación de los patrones de trauma. Es necesario reforzar la educación en prevención de accidentes en los hogares.

Palabras clave: confinamiento; COVID-19; niños; cuarentena; trauma.

Referencias

1. Molina-Gutiérrez MA, Ruiz-Domínguez JA, Bueno-Barriocanal M, de Miguel-Lavisier B, López-López R, *et al.* Impacto de la pandemia COVID-19 en urgencias: primeros hallazgos en un hospital de Madrid. *An Pediatr (Barc)*. 2020;93:313-22.
2. Sheridan G, Nagle M, Russell S, Varghese S, O'Loughlin PF, Boran S, *et al.* Pediatric trauma and the COVID-19 Pandemic: A 12-year comparison in a Level-1 Trauma Center. *HSSJ*. 2020; 16 (Suppl 1):S92-6. <https://doi.org/10.1007/s11420-020-09807-y>
3. Claudet I, Marchand-Tonel C, Ricco L, Houzé-Cerfon CH, Lang T, Bréhin C, *et al.* During the COVID-19 Quarantine, Home Has Been More Harmful Than the Virus for Children! Letter to the editors. *Pediatric Emergency Care*. 2020;36:538-40.
4. Keays G, Friedman D, Gagnon I. Pediatric injuries in the time of Covid-19. *Health Promot Chronic Dis Prev Can*. 2020;40:336-41. <https://doi.org/10.24095/hpcdp.40.11/12.02>

Calidad de vida de infantes en el periodo de confinamiento preventivo

Andrés Llanos, Juan Carlos Céspedes, Leidy Johana Carvajal, Heydy Valentina Muñoz
Universidad de Pamplona, Pamplona, Colombia

Introducción. La COVID 19 ha implicado un cambio en las dimensiones de la calidad de vida, y en materia de educación, el cierre de escuelas ha interrumpido la formación de más de 1.570 millones de estudiantes en todo el mundo.

Objetivo. Caracterizar la calidad de vida de infantes entre los 3 y los 8 años de edad escolarizados en el periodo de confinamiento obligatorio.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio cuantitativo de alcance descriptivo. Se aplicaron las escalas GENCAT y Bienestar en Salud KINDL a los padres de 32 infantes escolarizados con edades entre los 3 y los 8 años de edad.

Resultados. En cuanto al dominio del bienestar emocional, el 81 % manifestó sentirse satisfecho consigo mismo; en el de las relaciones interpersonales, el 9 % mencionó que algunas veces se ha sentido mal por la falta de amigos estables; en el del desarrollo personal, el 100 % manifestó que la escuela le permitía el aprendizaje de nuevas habilidades. En cuanto al bienestar físico, el 50 % se había sentido algunas veces agotado; en el dominio de la autodeterminación, el 88 % de los infantes eligía la hora de acostarse, y en el de la inclusión social, el 19 % declaró sentirse diferente a los demás niños.

Conclusión. La calidad de vida en el periodo de confinamiento registró indicadores promedio en cada una de las dimensiones abordadas, predominantemente positivos e indicativos de un desarrollo armónico de los procesos de desarrollo integral de los infantes.

Palabras clave: calidad de vida; infancia; confinamiento preventivo; modelo multidimensional.

Referencias

1. Melo JCF de, Salerno MS, Freitas JS, Bagno RB, Brasil VC. From open innovation projects to open innovation project management capabilities: A process-based approach. *Int J Proj Manag.* 2020;38:278-90.
2. Mielles-Barrera M, Acosta A. Calidad de vida y derechos de la infancia: un desafío presente. *Rev Latinoam Ciencias Soc Niñez y Juv.* 2012;10:3

Baja frecuencia de donación de sangre, un problema mundial en medio de la pandemia de COVID-19

Albaro J. Nieto-Calvache¹, Juliana Maya², Lina María Vergara³, Stiven Sinisterra³, Marcela Quintero-Santacruz⁴, Carmenza Macia⁴, Edgar Sanchez⁵, Adriana Osorio⁶, Gerardo González⁷, William Arriaga⁸, Luis Armando Zuñiga⁹, Aquilino Mario Perez¹⁰, Felipe Lemos¹¹, Jorge Delgado¹², Jorge Collantes-Cubas¹³, Vicente Yuen Chon¹⁴

¹ Clínica de Espectro de Acretismo Placentario, Fundación Valle de Lili, Cali, Colombia

² Programa de Medicina, Facultad de Ciencias de la Salud, Universidad Icesi, Cali, Colombia

³ Centro de Investigaciones Clínicas, Fundación Valle del Lili, Cali, Colombia.

⁴ Banco de Sangre, Fundación Valle de Lili, Cali, Colombia

⁵ Departamento de Ginecología y Obstetricia, Hospital Central de la Policía, Bogotá, D.C., Colombia

⁶ Departamento Banco de Sangre, Hospital Central de la Policía, Bogotá, D.C., Colombia

⁷ Departamento de Ginecología y Obstetricia, Centro Hospitalario La Concepción, Saltillo, México

⁸ Departamento de Ginecología y Obstetricia, Centro de Diagnóstico Prenatal, Quetzaltenango, Guatemala

⁹ Departamento de Ginecología y Obstetricia, Hospital Mario Catarino Rivas, San Pedro Sula, Honduras

¹⁰ Departamento de Ginecología y Obstetricia, Hospital Pereira Rosell, Montevideo, Uruguay

¹¹ Department of Transfusion Medicine, Central Hospital of the Armed Forces (HCFFAA), Montevideo, Uruguay

¹² Departamento de Ginecología y Obstetricia, Hospital de Especialidades Materno Infantil de León, Guanajuato, México

¹³ Departamento de Ginecología y Obstetricia, Hospital Regional Docente de Cajamarca, Cajamarca, Perú

¹⁴ Departamento de Ginecología y Obstetricia, Hospital de Especialidades Teodoro Maldonado Carbo, Guayaquil, Ecuador

Introducción. Desde el comienzo de la pandemia de COVID-19 ha habido una disminución en la donación de sangre. Se ha intentado implementar estrategias para estimular la donación, sin embargo, la baja frecuencia persiste e incluso provoca estados críticos de desabastecimiento que comprometen el manejo de enfermedades en las que las transfusiones son vitales.

Objetivos. Documentar el impacto de la pandemia de COVID-19 en la frecuencia de donaciones de sangre a los bancos de sangre (BS) en Latinoamérica.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio retrospectivo, descriptivo y multicéntrico que involucró a bancos de sangre de Latinoamérica afiliados a hospitales que manejan regularmente pacientes con espectro de acretismo placentario, condición asociada con la necesidad de transfusiones masivas. Se analizó la frecuencia de donación sanguínea en el 2019 y el 2020

Resultados. Se incluyeron nueve bancos de sangre en siete países. En la mayoría hubo una disminución general en la frecuencia de donaciones comparada con el año anterior, especialmente entre los meses de marzo y abril y julio y agosto, es decir, los dos primeros picos de infección por SARS-CoV-2 en Latinoamérica. Al final del 2020 se incrementó el número de donantes gracias a las actividades de los bancos de sangre para estimular las donaciones.

Conclusión. Hubo un déficit de donaciones de sangre en el 2020 en la mayoría de los hospitales de Latinoamérica, con un 3 a 43 % menos de donaciones que en el 2019. A medida que aumenten las cirugías electivas, este déficit de componentes sanguíneos se hará más crítico, por lo que es necesario que se incentive la donación.

Palabras clave: placenta accreta; COVID-19; transfusión de sangre.

Referencias

1. Grandone E, Mastroianno M, Caroli A, Ostuni A. Blood supply and transfusion support in southern Italy: findings during the first four weeks of the SARS-CoV-2 pandemic. *Blood Transfus.* 2020;18:230-2.
2. Nieto-Calvache AJ, Quintero-Santacruz M, Macia-Mejía C, López-Girón MC, Vergara-Galliadi LM, Ariza F. Dangerous shortage of blood banks as an indirect effect of SARS-CoV-2: An obstetrics perspective. *Int J Gynaecol Obstet.* 2020;151:424-30.
3. Glynn SA, Busch MP, Schreiber GB, Murphy EL, Wright DJ, Tu Y, *et al.* Effect of a national disaster on blood supply and safety: the September 11 experience. *JAMA.* 2003;289:2246-53.
4. Stotler B, Padmanabhan A, Devine P, Wright J, Spitalnik SL, Schwartz J. Transfusion requirements in obstetric patients with placenta accreta. *Transfusion.* 2011;51:2627-33.

Comportamiento de los biomarcadores en pacientes de COVID-19 en el Hospital Rosario Pumarejo de López (HRPL) entre octubre del 2020 y marzo del 2021

Libardo Andrés Pérez, Valentina Rondón
Universidad de Santander, Valledupar, Colombia

Introducción. En la fisiopatología del SARS-CoV-2, causante de la COVID-19, las lesiones pulmonares están entre las principales consecuencias de la infección, sin embargo, también se han detectado lesiones a nivel cardíaco, hepático, renal y en marcadores de coagulación. Además, los niveles del hemograma pueden afectar la línea leucocitaria, lo que aumenta la gravedad de la infección, el deterioro de los pacientes y el riesgo de mortalidad.

Objetivo. Determinar el comportamiento de los biomarcadores en pacientes de COVID-19 hospitalizados en el HRPL y analizar las alteraciones en sus biomarcadores.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio analítico, longitudinal y de cohorte retrospectivo en una población de 186 pacientes con COVID-19 ingresados en el HRPL entre octubre del 2020 y marzo del 2021. En una muestra de 111 pacientes se analizaron las variables de edad, sexo, nacionalidad y exámenes de laboratorio (cuadro hemático, PT, PTT, AST, ALT, calcio, proteína C reactiva-PCR, y ferritina).

Resultados. La leucocitosis se registró en el 62,1 % y en el diferencial se evidenció linfopenia en el 74,7 % y neutrofilia en el 27,9 % de los pacientes; las plaquetas se encontraron normales en la mayoría de los pacientes; el PT fue normal en el 70,2 %, el prolongado en el 29,7 % y el PTT en el 72,9 % de ellos. Las transaminasas se encontraron normales en la mayoría de los pacientes, sin embargo, la AST aumentó en el 34,2 % y la ALT en el 20,7 %. El calcio se encontró normal en el 68,4 %, pero en el 27,9 % se presentó una leve hipocalcemia. La ferritina predominó en los hombres y fue normal en el 43,2 %, aunque en el 17,1 % estuvo un poco elevada. La PCR aumentó en el 61,2 % de los pacientes, con mayor predominio en los mayores de 40 años. La presencia de leucocitosis y linfopenia por acción de la infección viral, que afecta principalmente a los linfocitos, especialmente los linfocitos T en el receptor ECA 2. La prolongación de PT y PTT se asocian principalmente con la aplicación de anticoagulantes en los pacientes de UCI, aunque también con una respuesta inflamatoria sostenida.

Conclusiones. El deterioro hepático se debe a la acción del virus en los hepatocitos donde se encuentra el receptor ECA 2. La hipocalcemia leve podría asociarse con varios factores. El aumento de la ferritina se asocia principalmente con la etapa grave de la infección debido a procesos inflamatorios mediados por la tormenta de citocinas.

Palabras clave: infecciones por coronavirus.

Procesos de afrontamiento para la prevención del consumo de tabaco durante la pandemia de COVID-19 en adultos con hipertensión

Mercy Soto¹, Elcy Astudillo¹, Lilia Buitrago¹, Martha Whetsell

¹ Universidad Libre, Pereira, Colombia

² Lehman College, NY, USA

Introducción. La epidemia de tabaquismo es una de las mayores amenazas para la salud pública, con una mortalidad de más de 8 millones de personas al año por complicaciones derivadas de las 21 enfermedades relacionadas con él. A nivel mundial el número de fumadores asciende a 1,1 billones de personas, el 80 % de ellas en países de ingresos bajos o medios. En Colombia se ha reportado el inicio de consumo de tabaco entre los 12 y 13 años. Con la aparición del SARS-Cov-2, el compromiso de la función pulmonar que implica y peores efectos en los adultos mayores con enfermedades crónicas como la hipertensión, es prioritario establecer estrategias de afrontamiento para la prevención del consumo de tabaco.

Objetivo. Establecer estrategias de afrontamiento para la prevención y cese del consumo de tabaco en la población hipertensa.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo de corte transversal sobre estrategias de afrontamiento y adaptación para dejar el tabaquismo en pacientes hipertensos.

Resultados. Se encontró una baja capacidad de afrontamiento (54,8 %) en los adultos hipertensos. Se requiere más estrategias de educación para comprender el efecto del tabaquismo, la hipertensión y la COVID-19. Se elaboró un material educativo ilustrativo sobre estrategias de afrontamiento para la reafirmación positiva del abandono del tabaco.

Conclusión. Se presenta un texto de guía para adultos mayores sobre la hipertensión y la prevención de la COVID-19 que favorece las capacidades de afrontamiento de apoyo en la cesación del consumo de tabaco.

Palabras clave: hipertensión; tabaco; afrontamiento; prevención.

Referencias

1. Carter B, Abnet C, Feskanich D, Freedman N, Hartge P, Lewis CE, *et al.* Smoking and mortality beyond established causes. *N Engl J Med.* 2015;372:631-40. <https://doi.org/10.1056/NEJMsa1407211>
2. Lonergan B, Harding V, Cohen H, Wylleman E, Cohen R, Stebbing J. Harms of cigarette smoking: call to increase knowledge among children. *Eur J Cancer Prev.* 2019;28:54-57. <https://doi.org/10.1097/CEJ.0000000000000409>
3. Ministerio de Salud y Protección Social. Reduce consumo de tabaco en Colombia 2018. Fecha de consulta: 23 de mayo del 2020. Disponible en: <https://www.minsalud.gov.co/Paginas/Reduce-consumo-de-tabaco-en-Colombia.aspx>
4. Organización Mundial de la Salud. Tobacco use and COVID-19, 2020. Fecha de consulta: 23 de mayo del 2020. Disponible en: <https://www.who.int/news-room/detail/11-05-2020-who-statement-tobacco-use-and-covid-19>

Evolución de las recomendaciones sobre lactancia materna en respuesta a la emergencia sanitaria por la COVID-19. Revisión sistemática

Ana Yibby Forero, Diana Alonso, Jenny Alexandra Hernández, Luis Carlos Forero
Grupo de Nutrición, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. La pandemia de COVID-19 requirió de las autoridades sanitarias la construcción expedita de recomendaciones en muchos aspectos, entre ellos, la lactancia materna, que cobró particular interés por su importancia para la nutrición y salud en la primera infancia.

Objetivo. Hacer una revisión sistemática sobre las recomendaciones en lactancia materna a nivel global en el marco de la pandemia de COVID-19

Materiales y métodos. Se hizo una revisión sistemática cualitativa en las bases de datos Scopus, Pub Med, Biblioteca virtual en salud y Dimensions usando como descriptores DeCS “Covid-19 and Breastfeeding” y “Coronavirus and Breastfeeding” entre 2019 y 2021, en inglés y español. Se consultaron documentos orientadores como guías y normas.

Resultados. Se seleccionaron 25 artículos y cuatro guías que cumplieron con los criterios de inclusión y se encontró que ante la falta de evidencia científica sobre el riesgo de transmisión vertical entre madre e hijo a través de la leche materna, inicialmente algunos países como China modificaron sus recomendaciones de lactancia materna e incluso separaron a los recién nacidos de sus madres infectadas. Sin embargo, los expertos del mundo consensuaron que había una alta probabilidad de que los anticuerpos específicos contra el SARS-CoV-2 pasaran al niño a través de la leche materna y en marzo de 2020 la OMS publicó orientaciones promoviendo la lactancia materna en madres con COVID-19.

Conclusión. Al inicio de la pandemia no había evidencia frente a la lactancia materna para generar recomendaciones seguras, sin embargo, las decisiones tomadas por los expertos utilizando información previa a la emergencia se validaron apoyándose en evidencia científica actual.

Palabras clave: COVID-19; coronavirus; lactancia materna; leche humana; transmisión.

Referencias

1. Aşçı Ö, Demirgöz M, Ergin A. The breastfeeding experiences of COVID-19-positive women: A qualitative study in Turkey. *Jpn J Nurs Sci.* 2021;e12453 2021 <https://doi.org/10.1111/jjns.12453>
2. Ceulemans M, Verbakel JY, Van Calsteren K, Eerdeken A, Allegaert K, Foulon V. SARS-CoV-2 Infections and Impact of the COVID-19 Pandemic in Pregnancy and Breastfeeding: Results from an Observational Study in Primary Care in Belgium. *Int J Environ Res Public Health.* 2020;17):6766. <https://doi.org/10.3390/ijerph17186766>
3. Chu H, Li J, Yan J, Bai T, Schnabl B, Zou L, *et al.* Persistent SARS-CoV-2 RNA Positive in Feces but Negative in Breastmilk: A Case Report of COVID-19 in a Breastfeeding Patient. *Front Med (Lausanne).* 2020;7:562700. <https://doi.org/10.3389/fmed.2020.562700>
4. Davanzo R, Moro G, Sandri F, Agosti M, Moretti C, Mosca F. Breastfeeding and coronavirus disease-2019: Ad interim indications of the Italian Society of Neonatology endorsed by the Union of European Neonatal & Perinatal Societies. *Matern Child Nutr.* 2020;16:e13010. <https://doi.org/10.1111/mcn.13010>
5. Dimopoulou D, Triantafyllidou P, Daskalaki A. Breastfeeding during the novel coronavirus (COVID-19) pandemic: guidelines and challenges. *J Matern Fetal Neonatal Med.* 2020;1-7. <https://doi.org/10.1080/14767058.2020.1838481>

Afectación de la salud laboral durante la pandemia de COVID-19 en una empresa del sector de la salud del municipio de Montería, Córdoba

Heylen Sofía de Oro, Aimee Johana Romero, Enalbis Esther Espitia, Martha Elena Montoya
Universidad de Córdoba, Montería, Colombia

Introducción. Los factores psicosociales laborales incluyen las interacciones del trabajo, el medio ambiente, la satisfacción y las condiciones de una organización con las capacidades, las necesidades, la cultura y la situación personal de los empleados, lo cual influye en su salud y rendimiento. Al comparar la pandemia COVID-19 con los efectos producidos por otras epidemias, se ha estimado que las medidas de contención y mitigación adoptadas frente a la primera han producido consecuencias psicológicas, por lo que es necesario proteger la salud mental de la población y del personal sanitario. En este sentido, el Ministerio de Salud y Protección Social y el Ministerio de Trabajo de Colombia emitieron lineamientos para prevenir la exposición ocupacional y abordar los problemas y trastornos mentales en trabajadores sanitarios.

Objetivo. Determinar el estado de salud laboral frente a las medidas de contingencia implementadas por la COVID 19 en una institución de salud del municipio de Montería, Córdoba.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo transversal con enfoque cuantitativo utilizando un cuestionario adaptado del *Emotional Impact Questionnaire COVID-19* que recoge información sociodemográfica, del ambiente laboral, el estado de salud y la adopción de medidas de contención frente a la COVID-19. El análisis se hizo mediante estadística descriptiva.

Resultados. La percepción del estado de salud de los empleados fue regular (58 %); la mayoría se había contagiado, presentaba secuelas y tenía temor de volver a contagiarse.

Conclusiones. El bienestar laboral es un aspecto clave para la salud, por lo que las empresas deben enfocar su planeación en actividades que garanticen un adecuado clima organizacional y condiciones seguras para el desempeño laboral.

Palabras clave: infecciones por coronavirus; estado de salud; salud mental; salud laboral; salud ocupacional; seguridad laboral.

Referencias

1. Aldrete M, González R, Navarro C, Cortés L, Silvia G, Pérez J. Factores psicosociales y estrés en personal de enfermería de un hospital público de tercer nivel de atención. *Revista de Salud Pública y Nutrición*. 2016;15:8-15.
2. Organización Mundial de la Salud-Organización Panamericana de la Salud. Covid-19. Informe no. 21. Respuesta de la OPS/OMS. Fecha de consulta: 10 agosto de 2020. Disponible en: https://iris.paho.org/bitstream/handle/10665.2/52606/covid19sitrep21_spa.pdf?sequence=1&isallowed=y
3. Rubin GJ, Wessely S. The psychological effects of quarantining a city. *BMJ*. 2020;368:313. <https://doi.org/10.1136/bmj.m313>
4. Wang C, Pan R, Wan X, Tan Y, Xu L, Ho C S, *et al*. Immediate psychological responses and associated factors during the initial stage of the 2019 coronavirus disease (COVID-19) epidemic among the general population in China. *Int J Environ Res Public Health*. 2020;17:1729. <https://doi.org/10.3390/ijerph17051729>
5. Ministerio de Salud y Protección Social. Lineamientos para prevención control y reporte de accidentes por exposición ocupacional al Covid-19 en instituciones de salud. Marzo de 2020. Fecha de consulta: 6 de mayo de 2020). Disponible en: <https://www.minsalud.gov.co/Ministerio/Institucional/Procesos%20y%20procedimientos/GPSG04.pdf>

Problemas de salud mental asociados con la COVID-19 en un municipio de provincia colombiano

Marco Antonio Márquez¹, Luis Alfredo Jiménez¹, Adrián Jiménez¹, Leidy Johanna Quintero²

¹ Universidad Nacional Abierta y a Distancia, Ocaña, Colombia

² Clínica Nuestra Señora de Torcoroma, Ocaña, Colombia

Introducción. Algunos estudios han evidenciado que la pandemia de COVID-19 afecta la salud mental de los pacientes y sus familiares. Ocaña es un municipio intermedio con un elevado número de casos y alta prevalencia de problemas de salud mental, lo que constituye un problema de salud pública que requiere la movilización de las autoridades y el personal de salud para su detección y tratamiento oportuno.

Objetivo. Determinar problemas de salud mental en pacientes diagnosticados con COVID-19 en la Clínica Torocrama de Ocaña.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo longitudinal para detectar problemas de salud mental asociados con la COVID-19 en pacientes atendidos en la Clínica Torcoroma de Ocaña entre marzo de 2020 y septiembre de 2021. Se usaron cuatro escalas de medición de la ansiedad, la depresión, el estrés y la ideación suicida.

Resultados. Con corte a 22/09/2021 Ocaña registraba 7.503 casos confirmados (48 % en hombres, 52 % en mujeres) y 269 fallecidos; el mayor número de casos (1.670) se ha presentado en el rango de 30 a 39 años de edad. En la Clínica Torcoroma se han atendido 571 casos confirmados (49 % en hombres, 51 % en mujeres). El promedio de edad de los casos positivos fue de 50 años, con el mayor número de casos en el segmento de 50 a 59 años (124). Han fallecido nueve pacientes. Hasta la fecha se ha entrevistado a 60 pacientes (11 %). Todos manifestaron estrés y depresión (83 %; n=50), ansiedad (73 %; n=44), e ideación suicida (5%; n=3).

Conclusiones. El estudio está en curso y es posible que la incidencia disminuya hasta a un rango medio. Los casos de ideación suicida fueron posteriores a la enfermedad, por lo que es posible que no estén asociados con la COVID-19. Los resultados contribuirán significativamente a comprender la relación entre la COVID-19 y la salud mental.

Palabras clave: COVID-19; salud mental; ansiedad; depresión; estrés; ideación suicida.

Referencias

1. Cifuentes-Avellaneda A, Rivera-Montero D, Vera-Gil C, Murad-Rivera R, Sánchez S, Castaño L, *et al.* Ansiedad, depresión y miedo: impulsores de la mala salud mental durante el distanciamiento físico en Colombia. Bogotá, D.C.: Profamilia; 2020.
2. Sanabria-Mazo J, Raiño-Lara V, Rojas J, Carmona M. Efectos en la salud mental de la población colombiana durante la pandemia de COVID-19. Barcelona: Universidad Autónoma de Barcelona; 2020.
3. Ramírez-Ortiz J, Castro-Quintero D, Lerma-Córdoba C, Yela-Ceballos F, Escobar-Córdoba F. Mental health consequences of the COVID-19 pandemic associated with social isolation. *Revista Colombiana de Anestesiología.* 2020;48.
4. Rossi R, Socci V, Talevi D, Mensi S, Ntoliu C, Pacitti F, *et al.* COVID-19 Pandemic and Lockdown Measures Impact on Mental Health Among the General Population in Italy. *Front. Psychiatry.* 2020;11:790. <https://doi.org/10.3389/fpsy.2020.00790>
5. Alcaldía Municipal de Ocaña. Plan de desarrollo municipal 2020-2023 "Más por Ocaña." Ocaña: Alcaldía Municipal De Ocaña; 2020.

Experiencia en la implementación de un modelo de atención ambulatoria de psiquiatría pediátrica a través de telemedicina interactiva en la Clínica La Inmaculada

José Francisco Cepeda, John Douglas Contreras, Óscar Javier Ribero

Hermanas Hospitalarias del Sagrado Corazón de Jesús – Clínica La Inmaculada, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. La pandemia de COVID-19 ha tenido un impacto negativo en el bienestar y la salud mental de niños, niñas y adolescentes. Se ha evidenciado un aumento de casos de síntomas depresivos, ansiosos e intentos de suicidio desde el inicio de la pandemia.

Objetivo. Garantizar el acceso a la atención especializada en psiquiatría de niños y adolescentes en la Clínica La Inmaculada de Bogotá, D.C. creando y poniendo en marcha el servicio de atención ambulatoria de psiquiatría pediátrica por telemedicina interactiva.

Materiales y métodos. Con los recursos tecnológicos de la institución, la adecuación del espacio propicio, la adquisición de una videocámara de alta definición con micrófono integrado y la plataforma de videoconferencias Google Meet, se estructuró la base para el programa de telepsiquiatría pediátrica de la Clínica La Inmaculada, el cual entró en funcionamiento en junio del 2021.

Resultados. Desde su inicio el programa ha atendido un promedio de 132 personas al mes, y la tendencia es a que aumente. Se iniciará fase de evaluación de los índices de satisfacción y aceptabilidad una vez finalice el estado de emergencia sanitaria.

Conclusiones. El programa de telepsiquiatría pediátrica de la Clínica La Inmaculada es el resultado del trabajo coordinado y el uso de la tecnología como herramienta esencial para la prestación de un servicio especializado de calidad y gran alcance, eficiente y accesible. Asimismo, es el primer paso en un proyecto a mayor escala que busca ofrecer servicios de telesalud mental a la población infantil y juvenil en otros territorios nacionales.

Palabras clave: telemedicina; telesalud mental; telepsiquiatría; psiquiatría infantil; psiquiatría del adolescente; salud mental.

Referencias

1. Palacio-Ortiz JD, Londoño-Herrera JP, Nanclares-Márquez A, Robledo-Rengifo P, Quintero-Cadavid CP. Psychiatric disorders in children and adolescents during the COVID-19 pandemic. *Revista Colombiana de Psiquiatría (English ed)*. 2020;49:279-88.
2. Yard E, Radhakrishnan L, Ballesteros MF, Sheppard M, Gates A, Steinert Z, *et al*. Emergency Department Visits for Suspected Suicide Attempts Among Persons Aged 12–25 Years Before and During the COVID-19 Pandemic — United States, January 2019–May 2021. *MMWR Morb Mortal Wkly Rep*. 2021;70:888-94.
3. Moya A, Vargas JF, Cabra García MR, Farfán A, Romero O. ¿Cómo se relaciona la pandemia del COVID-19 con la salud mental de los colombianos? Departamento de Planeación Nacional de Colombia; 2021. Fecha de consulta: 7 de septiembre de 2021. Disponible en: https://colaboracion.dnp.gov.co/CDT/Sinergia/Documentos/Notas_politica_publica_SALUD%20MENTAL_22_04_21_V7.pdf

Cambios en los parámetros cardiorrespiratorios en atletas después de la infección por SARS-COV-2

Oscar Humberto Ortiz^{1,2,4}, Miguel Alexander Niño¹, Ibeth Sulay Aguiar¹, Andrés Antonio Valencia³, Manuelita Ramos³, Cristian Javier Amado²

¹ Unidad de Ciencias Aplicadas al Deporte UCAD, Instituto Distrital para la Recreación y el Deporte IDRD, Bogotá, D.C., Colombia

² Postgrado Medicina del Deporte, Facultad de Medicina, Universidad el Bosque, Bogotá, D.C., Colombia

³ Postgrado Medicina del Deporte, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

⁴ Instituto de Medicina del Ejercicio y Rehabilitación, Fundación Santa Fe de Bogotá, Universidad Nacional de Colombia

Introducción. En atletas de alto rendimiento los cambios en sus programas de entrenamiento pueden causar efectos importantes en su rendimiento y su desempeño cardiopulmonar. El confinamiento a causa de la pandemia de COVID-19 modificó las agendas de competencia y los programas de entrenamiento de esta población.

Objetivo. Determinar el efecto de la infección por SARS-CoV-2 en los parámetros cardiorrespiratorios de atletas de alto rendimiento.

Materiales y métodos. Se examinaron 16 atletas de alto rendimiento en nueve disciplinas deportivas en Bogotá con diagnóstico confirmado de COVID-19 y ya recuperados mediante ergo espirometría antes del retorno a su entrenamiento habitual. Los resultados se compararon con sus registros pre-pandemia.

Resultados. El 94 % presentó por lo menos un síntoma; los síntomas más frecuentes fueron la cefalea (75,0 %), la odinofagia (68,8 %) y el dolor muscular (56,3 %). Las pruebas pre-post fueron máximas sin diferencias significativas en la tasa de intercambio respiratorio (RER). Se registró una reducción en el VO₂max absoluto y en el relativo, así como un aumento en VE/VCO₂ en la prueba posterior a la COVID-19.

Conclusiones. Puede concluirse que los participantes experimentaron una reducción en su desempeño cardiorrespiratorio.

Palabras clave: atleta; COVID-19; consumo máximo de oxígeno.

Referencias

1. Mihalick VL, Canada JM, Arena R, Abbate A, Kirkman DL. (2021). Cardiopulmonary exercise testing during the COVID-19 pandemic. *Prog Cardiovasc Dis.* 2021;67:35-9. <https://doi.org/10.1016/j.pcad.2021.04.005>
2. Milovancev A, Avakumovic J, Lakicevic N, Stajer V, Korovljevic D, Todorovic N, *et al.* (2021). Cardiorespiratory Fitness in Volleyball Athletes Following a COVID-19 Infection: A Cross-Sectional Study. *Int J Environ Res Public Health.* 2021;18:4059. <https://doi.org/10.3390/ijerph18084059>
3. López-Bueno R, Calatayud J, Andersen LL, Casaña J, Ezzatvar Y, Casajús JA, *et al.* Cardiorespiratory fitness in adolescents before and after the COVID-19 confinement: a prospective cohort study. *Eur J Pediatr.* 2021;180:2287-93. <https://doi.org/10.1007/s00431-021-04029-8>
4. Raman B, Cassar MP, Tunnicliffe EM, Filippini N, Griffanti L, Alfaro-Almagro F, *et al.* Medium-term effects of SARS-CoV-2 infection on multiple vital organs, exercise capacity, cognition, quality of life and mental health, post-hospital discharge. *EClinicalMedicine.* 2021;31:100683 <https://doi.org/10.1016/j.eclinm.2020.100683>

Síndrome post-COVID-19 (SPC) en Tunja, Boyacá

Fred Gustavo Manrique^{1,2}, Claudia Esperanza Silva¹, Gabriela María García¹

¹. Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia, Tunja, Colombia

². Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. En la literatura científica publicada en la actualidad se describen las secuelas en personas después de la infección con Sars-Cov-2 y el desarrollo de COVID-19.

Objetivo. Se hizo un estudio cuantitativo y descriptivo en Tunja, Boyacá, entre junio y septiembre del 2021.

Materiales y métodos. Se describen las características de los casos y síntomas del síndrome post-COVID-19 y se explora la fuerza de asociación con las variables sociodemográficas y las comorbilidades en personas mayores de 13 años en una muestra de 500 participantes que dieron positivo para el SARS-CoV-2 en el 2020 y el primer semestre del 2021. Se obtuvo el consentimiento informado y se entrevistó telefónicamente a los participantes mediante un cuestionario estructurado sobre manifestaciones posteriores a la COVID-19. Se hizo un análisis univariado y uno bivariado con ayuda de la herramienta EPI-INFO.

Resultados. Los síntomas más prevalentes fueron la fatiga, la cefalea y la disnea; 85 variables tuvieron asociación significativa; el medicamento automedicado más utilizado fue el paracetamol, aunque los remedios caseros también se usaron para tratar la infección. El 37 % de la población tuvo síndrome post-COVID-19 y las mujeres tuvieron mayor afectación.

Conclusiones. La infección de COVID-19 tuvo gran impacto en la población tunjana; los problemas de salud mental fueron evidentes y, aunque su porcentaje no fue muy elevado, los participantes manifestaron que estos afectaron de forma importante su calidad de vida.

Palabras clave: síndrome post-COVID-19; COVID prolongada; COVID-19 persistente.

Referencias

1. Gómez JF. Síndrome post COVID 19: ¿de qué se trata? Archivos de Medicina. 2021;17:5.
2. Carod-Artal FJ. Síndrome post-COVID-19: epidemiología, criterios diagnósticos y mecanismos patogénicos implicados. Rev Neurol. 2021;72:384–96.
3. Saavedra Trujillo CH, Estrada Orozco K. IX. Síndrome Post COVID-19: complicaciones tardías y rehabilitación. Infectio. 2021;25.
4. Ministerio de Salud y Protección Social. El coronavirus en Colombia. Fecha de consulta: 24 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://coronaviruscolombia.gov.co/Covid19/index.html>

Coinfección de COVID-19 y malaria en una adolescente: un reporte de caso

Katherine Lamprea^{1,2}, Juan-Carlos Mejía¹, José-David Guerrero², Paola Fontal-Vargas², Leonardo Beltrán-Angarita^{2,3}

¹ Hospital Santa Ana de los Caballeros, Ansermanuevo, Colombia

² Unidad Central del Valle del Cauca, Tuluá, Colombia

³ Fundación Universitaria Autónoma de las Américas, Pereira, Colombia

Introducción. La malaria, enfermedad causada por *Plasmodium*, puede ser fatal si no es diagnosticada y tratada apropiadamente.

Reporte de caso. Se describe una paciente de 14 años quien presentó un episodio de síncope con recuperación de la conciencia pasados 3 s y refirió persistencia de la fiebre, malestar general, sangrado menstrual abundante. Fue diagnosticada inicialmente de dengue con signos de alarma y fue remitida a un nivel de mayor complejidad en donde se la hospitalizó; se descartó el dengue y se confirmó el diagnóstico de shock séptico secundario a infección mixta de malaria y COVID-19 (PCR para SARS-COV-2 y recuento de hemoparásitos en gota gruesa para malaria), con neumonía viral y disfunción miocárdica secundaria, por lo que requirió estancia en la unidad de cuidados intensivos durante 10 días. Se le dio el alta con seguimiento ambulatorio. A los 15 días los hemoparásitos en gota gruesa dieron negativo. El diagnóstico de malaria en áreas no endémicas requiere elaborar una historia clínica cuidadosa que incluya viajes o traslados a zonas endémicas; en este caso particular, la paciente refirió un viaje al departamento de Chocó 15 días antes.

Conclusión. Los médicos siempre deben tener en cuenta la posibilidad de una combinación de COVID-19 y otras enfermedades. Además, es necesario hacer más estudios para comprender la fisiopatología y los signos de alerta de importancia clínica de esta coinfección.

Palabras clave: COVID-19; malaria; *Plasmodium*.

Referencias

1. Hussein MI, Albashir AA, Elawad OA, Homeida A. Malaria and COVID-19: unmasking their ties. *Malar J.* 2020;19:457. <https://doi.org/10.1186/s12936-020-03541-w>
2. Junaedi M, Katu S, Ilyas M, Daud N, Saleh S, Rasyid H, *et al.* Case Report: Covid-19 And Severe Malaria Co-Infection. *European Journal of Molecular & Clinical Medicine.* 2020;7:961-8.
3. Eid M. Co-Infection with COVID-19 and Malaria in a Young Man. *Dubai Med J.* 2021;4:164-6. <https://doi.org/10.1159/000514254>

Síndrome post-COVID-19: caracterización sociodemográfica, clínica y farmacológica de un grupo de pacientes en Colombia

Luis Fernando Valladales^{1,2}, Ana Camila Delgado¹, Brayan Stiven Aristizábal³, Alejandra Sabogal⁴, Jorge Enrique Machado¹

- ¹ Grupo de Investigación en Farmacoepidemiología y Farmacovigilancia, Universidad Tecnológica de Pereira-Audifarma S.A, Pereira, Colombia
- ² Grupo de Investigación Biomedicina, Facultad de Medicina, Fundación Universitaria Autónoma de las Américas, Pereira, Colombia
- ³ Semillero de Investigación en Farmacología Geriátrica, Grupo de Investigación en Biomedicina, Facultad de Medicina, Fundación Universitaria Autónoma de las Américas, Pereira, Colombia
- ⁴ Grupo Ospedale, Grupo Operador Clínico Hospitalario por Outsourcing S.A.S - G-Ocho S.A.S, Área de Salud, Cali, Colombia

Introducción. Un elevado porcentaje de personas que han padecido COVID-19 presentan una serie de síntomas y manifestaciones clínicas tanto subjetivas como objetivas tras la recuperación de la fase aguda de la enfermedad que se prolongan más de tres meses.

Objetivo. Determinar las características sociodemográficas, clínicas y farmacológicas de un grupo de pacientes que presentaron infección por SARS-CoV-2 con síndrome post-COVID-19 en Colombia, 2020-2021.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional y longitudinal de pacientes con SARS-CoV-2 atendidos en las clínicas de la red del Grupo Ospedale. Se hicieron llamadas telefónicas y, previo consentimiento informado verbal, se procedió a evaluar si presentaban o no el síndrome post-COVID-19 para caracterizarlo. Se hicieron los análisis descriptivo, bivariado y multivariado.

Resultados. Se contactó a 311 pacientes de 19 ciudades diferentes, con una mediana de edad de 47,0 años de los cuales el 50,2 % era de sexo femenino. En el 63,0 % de los casos, los síntomas persistieron después de tres meses tras la recuperación de la fase aguda de la enfermedad, destacándose la disnea (59,2 %), la fatiga (45,9 %) y el dolor muscular (38,8 %). El incremento de la edad (30-59 Vs. <30 años: OR=2,67; IC_{95%}: 1,33-5,34 y ≥60 años Vs. <30 años: OR=3,23; IC_{95%}: 1,28-8,15), el uso de broncodilatadores o corticoesteroides inhalados (OR=1,78; IC_{95%}: 1,02-3,10) y presentar tos en el momento del diagnóstico del SARS-CoV-2 (OR=2,39; IC_{95%}: 1,23-4,65) aumentaron la probabilidad de persistir con síntomas 90 días después.

Conclusiones. El síndrome post-COVID-19 fue muy frecuente, en especial en pacientes de mayor edad que tuvieron tos durante la enfermedad aguda y estaban usando broncodilatadores o corticoesteroides inhalados.

Palabras clave: COVID-19; SARS-CoV-2; síndrome post-COVID; Disnea; fatiga; Colombia.

Referencias

1. Shah W, Hillman T, Playford ED, Hishmeh L. Managing the long term effects of covid-19: summary of NICE, SIGN, and RCGP rapid guideline. *BMJ*. 2021;372:136.
2. Lopez-Leon S, Wegman-Ostrosky T, Perelman C, Sepulveda R, Rebolledo PA, Cuapio A, *et al*. More than 50 Long-term effects of COVID-19: a systematic review and meta-analysis. *medRxiv*. 2021.
3. National Institute for Health and Care Excellence. Clinical Guidelines. COVID-19 rapid guideline: managing the long-term effects of COVID-19. London: National Institute for Health and Care Excellence; 2020.
4. Asociación Colombiana de Infectología. Consenso Colombiano de Atención, Diagnóstico y Manejo de la Infección por SARS CoV-2/COVID-19 en Establecimientos de Atención de la Salud. *Infectio*. 2021;25:1-63.

Caracterización clínica y epidemiológica de la COVID-19 en mujeres gestantes en un hospital regional de la Orinoquia, 2020-2021

Mónica L. Holguín, Ledmar J. Vargas, Lina A. Silva, Lorena García
Hospital Regional de la Orinoquia, Yopal, Colombia

Introducción. El embarazo es un estado fisiológico que predispone a las mujeres a la infección viral, por lo que requieren atención especial en cuanto a la prevención, el diagnóstico y el manejo de la COVID-19.

Objetivo. Describir la infección de COVID-19 en las mujeres gestantes en el Hospital Regional de la Orinoquia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo y retrospectivo en el que se incluyeron las mujeres embarazadas con diagnóstico de COVID-19 atendidas en el periodo 2020-2021. La enfermedad se definió según los códigos CIE 10 y fue reportada al SIVIGILA.

Resultados. Se incluyeron 211 mujeres gestantes diagnosticadas con infección por SARS-CoV-2 (COVID 19) y un promedio de edad de 36,6 años. El mayor número de casos se reportó en Yopal, con 69,3 %. El promedio de semanas de gestación fue de 32. El 85,3 % requirió hospitalización. Los síntomas respiratorios en vías altas se reportaron en el 48 %, la dificultad respiratoria en el 19 %, la fiebre en el 52 % y la pérdida del gusto y olfato en el 16,5 %; el 3,1 % presentaba obesidad en el momento del diagnóstico, el 5,5 % tenía antecedentes de hipertensión arterial y el 0,7 % de diabetes gestacional en el momento del diagnóstico; el 4 % requirió remisión a un nivel de mayor complejidad. La mortalidad fue de 2,8 % y se asoció con neumonía en el 50 % de los casos, y el porcentaje restante a complicaciones hematológicas, renales y hepáticas.

Conclusiones. El comportamiento de la infección por SARS-CoV-2 en las mujeres gestantes es impredecible y ha tenido impacto en el indicador de mortalidad materna. El manejo de esta población debe orientarse a la prevención de la infección y a la vacunación.

Palabras clave: SARS-Cov-2; obesidad; hipertensión arterial; diabetes mellitus; neumonía; pérdida del gusto y el olfato.

Referencias

1. Marañón CT, Mastrapa CK, Poulut DT, Vaillant Lora LD. COVID-19 y embarazo: una aproximación en tiempos de pandemia. *MediSan*. 2020;24:707-27.
2. Vigil-De Gracia P, Caballero LC, Ng Chinkee J, Luo C, Sánchez J, Quintero A, *et al*. COVID-19 y embarazo. Revisión y actualización. *Rev Peru Ginecol Obstet*. 2020;66:00006. <https://doi.org/10.31403/rpgo.v66i2248>
3. Organización Mundial de la Salud. Brote de enfermedad por coronavirus (COVID-19). Fecha de consulta: 5 de marzo de 2020. Disponible en: <https://www.who.int/es/emergencias/diseases/novel-coronavirus2019>
4. Macchia-de Sánchez CL, Villalba-Vizcaíno VT. Vacunación contra COVID y embarazo. *Duazary*. 2021;18:309-20.

Síndrome visual por el uso de computadores en población universitaria

Ledmar Jovanny Vargas, Danna María Mogollón, Briaunerth Fernando Calderón, Valentina Arévalo, María Angélica Tristancho, Bertha Elisa Escobar
Universidad de Boyacá, Tunja, Colombia

Introducción. En marzo del 2020 se declaró en Colombia la emergencia sanitaria por el SARS-CoV-2 con lo que se pasó de las actividades presenciales a las virtuales. Con este cambio, la tecnología, en este caso los computadores y celulares pasaron a ser la mano derecha de los estudiantes de forma constante.

Objetivo. Determinar la prevalencia del síndrome visual por el uso de computadores en estudiantes del programa de medicina en Tunja, Boyacá.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional descriptivo en estudiantes universitarios de Tunja en quienes se evaluó la presencia de síndrome visual por el uso de computadores mediante el cuestionario CVS-Q.

Resultados. El promedio de edad de los participantes era de 20,1 (DE: 4,3) y el 69,4 % de ellos correspondía a mujeres. La prevalencia del síndrome visual por uso de computadores fue del 76,7 %. Los encuestados tenían inscritas entre 1 y 10 asignaturas, y el 78,5 % refería que no tenía una postura adecuada frente a las pantallas; el 51,7 % tenía buena iluminación en el lugar de estudio.

Conclusiones. La prevalencia del síndrome visual por el uso de computadores se incrementó por el aumento en la exposición a las pantallas. Este síndrome se caracteriza por la presencia de un conjunto de síntomas oculares y no oculares debida al uso prolongado e intenso de los aparatos electrónicos, los cuales emiten rayos de luz que afectan la superficie ocular y la función de la película lacrimal, a lo que se suman las posiciones poco ergonómicas en las que se realizan la mayoría de las labores con estos artefactos.

Palabras clave: tiempo de pantalla; síndrome visual informático; síndrome visual por computadora; estudiantes de medicina.

Referencias

1. Reddy SC, Low CK, Lim YP, Low LL, Mardina F, Nursaleha MP. Computer vision syndrome: a study of knowledge and practices in university students. *Nepal J Ophthalmol*. 2013;5:161-8. <https://doi.org/10.3126/nepjoph.v5i2.8707>
2. Seguí-Crespo Mdel M, Cabrero-García J, Crespo A, Verdú J, Ronda E. A reliable and valid questionnaire was developed to measure computer vision syndrome at the workplace. *J Clin Epidemiol*. 2015;68:662-73. <https://doi.org/10.1016/j.jclinepi.2015.01.015>
3. Kim DJ, Lim CY, Gu N, Park CY. Visual Fatigue Induced by Viewing a Tablet Computer with a High-resolution Display. *Korean J Ophthalmol*. 2017;31:388 <https://doi.org/10.3341/kjo.2016.0095>
4. Bogdănici CM, Săndulache DE, Nechita CA. Eyesight Quality and Computer Vision Syndrome. *Rom J Ophthalmol*. 2017;61:112-6. <https://doi.org/10.22336/rjo.2017.21>
5. Ranasinghe P, Wathurapatha WS, Perera YS, Lamabadusuriya DA, Kulatunga S, Jayawardana N, *et al*. Computer vision syndrome among computer office workers in a developing country: an evaluation of prevalence and risk factors. *BMC Res Notes*. 2016;9. <https://doi.org/10.1186/s13104-016-1962-1>

Secuelas de la COVID-19 en los habitantes del municipio de Pamplona, Norte de Santander

Mayerly Lucia Paredes, Juan Francisco Delgado

Universidad Nacional Abierta y a Distancia, Pamplona, Colombia

Introducción. La presencia de síntomas semanas o meses tras la recuperación de los pacientes con COVID-19, las cuales afectan diferentes órganos del cuerpo, se ha convertido en una preocupación mundial. Aunque es prematuro especificar la forma en que el patógeno lesiona los principales órganos, lo que sí es evidente es que un gran porcentaje de los recuperados se ve afectado por molestias que van desde la fatiga y la dificultad respiratoria hasta problemas gástricos, cardíacos o hepáticos graves. De ahí la importancia de estudiar el fenómeno y alertar a la población general de Pamplona sobre el peligro latente y la necesidad de detectar los síntomas y consultar a tiempo, antes de que el daño sea tan grave que pueda llevar al desarrollo de enfermedades e, incluso, la muerte.

Objetivo. Fomentar el cuidado de la salud en la población del municipio de Pamplona una vez superada la COVID-19.

Materiales y métodos. Se validó un instrumento de aplicación confiable en nuestro contexto social y cultural para caracterizar afecciones tras la recuperación de la infección y tomar decisiones o, en su defecto, buscar alternativas de solución. Se empleó una encuesta entre pacientes recuperados para determinar las afecciones y tomar acciones sobre enfermedades emergentes tras esta infección. El estudio de carácter mixto determinó mediante una encuesta el porcentaje de personas con síntomas post-COVID-19. Además, se establecieron acciones de seguimiento médico en los casos necesarios.

Resultados. Los síntomas que más persistieron fueron la fatiga, la caída del cabello, el dolor articular, el dolor de cabeza, el dolor en el pecho, la ansiedad y la depresión. Los síntomas pueden persistir o pueden aparecer nuevos.

Conclusión. Los pacientes recuperados no dan la importancia adecuada a las secuelas y solo se presta atención a la enfermedad. Las personas con síntomas pos-COVID-19 deben estar alerta para evitar el avance de síntomas o la presencia de nuevos síntomas que puedan ocasionar complicaciones de salud.

Palabras clave: COVID 19; enfermedad; recuperados; salud; secuelas; síntomas.

Referencias

1. Sociedad Española de Directivos de la Salud. Documento para la atención integral al paciente post-COVID. <http://www.sepsiq.org/file/InformacionSM/2020-Sedisa-DocumentoAtencionIntegralPost-Covid.pdf>
2. Lizaraso Caparó F, Del Carmen S, José C. Coronavirus y las amenazas a la salud mundial. Horizonte Médico (Lima). 2020;20:4-5. <https://doi.org/10.24265/horizmed.2020.v20n1.01>
3. Molina-Molina M. Secuelas y consecuencias de la COVID-19. Neumología y Salud. 2020;13:71-1.
4. Tarazona-Fernández A, Rauch-Sánchez E, Herrera-Alania O, Galán-Rodas E. ¿Enfermedad prolongada o secuela pos-COVID-19?. Acta Méd Peru. 2020;37:565-70. <https://doi.org/10.35663/amp.2020.374.18669>

COVID-19 en Latinoamérica, una mirada a los factores relacionados con el cansancio emocional en profesionales de la salud

María Inés Mantilla¹, Edgardo Javier Muñoz², Mery González³, Carlos Gómez², Javier Rodríguez⁴

¹ Red Internacional de Enfermería Informática, Universidad Popular del Cesar, Valledupar, Colombia

² Omnivida, Medellín, Colombia

³ Red Iberoamericana de Conocimiento en Seguridad del Paciente, Bogotá, D.C., Colombia

⁴ Fundación Growing up, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La COVID-19 puede tener un impacto psicológico negativo en el personal de salud y, consecuentemente, en la calidad de la atención. Dado el confinamiento impuesto y el miedo a enfermarse, los trastornos psiquiátricos pueden ir en aumento, sobre todo en aquellos grupos llamados de riesgo.

Objetivo. Determinar la prevalencia y los factores relacionados con el cansancio emocional en profesionales de la salud durante la pandemia de COVID-19 en Latinoamérica.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, analítico y transversal en 164 profesionales de la salud pertenecientes a una red latinoamericana de profesionales de la salud. Se aplicó el instrumento *Maslach Burnout Inventory* (MBI) entre abril y octubre del 2020. Se analizaron los datos con técnicas de estadística descriptiva e inferencial y se aplicó modelo binomial con el programa Rstudio.

Resultados. Se encontraron altos niveles de cansancio emocional (40,24 %) en la muestra observada. Los principales factores que aumentaron la probabilidad de presentarlo fueron ser hombre (ORa: 0,95; IC_{95%}: 0,38-2,4), ser enfermero profesional (ORa: 2,12; IC_{95%}: 0,88-5,13), laborar en servicios clínicos (ORa: 2,66; IC_{95%}: 0,88-8,06), laborar en ambos turnos (ORa: 1,99; IC_{95%}: 0,94-4,22), no realizar pausas activas durante la labor (ORa: 1,31; IC_{95%}: 0,64-2,68) y no contar con elementos de protección personal (ORa: 2,39; IC_{95%}: 0,93-6,15). Los valores no fueron estadísticamente significativos.

Conclusiones. Los altos niveles de cansancio emocional podrían ser una de las situaciones con mayor impacto sobre la calidad de la atención debido al agotamiento de los profesionales de la salud durante la pandemia de COVID-19, situación que puede incrementarse por la propagación de la infección.

Palabras claves: agotamiento emocional; salud mental; profesiones en salud; pandemia por el coronavirus.

Referencias

1. Lozano-Vargas A. Impacto de la epidemia del Coronavirus (COVID-19) en la salud mental del personal de salud y en la población general de China. *Rev Neuropsiquiatr.* 2020;83:51-6. <https://doi.org/10.20453/rnp.v83i1.3687>
2. Castel Riu A. El burnout del profesional: ¿cómo evolucionará en tiempos de crisis? *Rev Soc Esp Dolor.* 2021;28:7-8. <https://doi.org/10.20986/resed.2021.3906/2021>
3. Ferreira-Gould MS, Coronel-Díaz G, Rivarola-Vargas MA. Impacto sobre la salud mental durante la pandemia COVID 19 en Paraguay. *Rev Virtual Soc Parag Med Int.* 2021;8:61-8. <https://doi.org/10.18004/rvspmi/2312-3893/2021.08.01.61>
4. Aponte-Daza VC, García F, Pinto-Tapia B, Illanes R, Roth E, et al. Calidad de vida relacionada a la compasión, burnout y sobrecarga del cuidador en enfermeras/os bolivianos. *Psychologia. Avances de la Disciplina.* 2020;14:49-59. <https://doi.org/10.21500/19002386.4712>

Compromiso funcional respiratorio posterior a la COVID-19 en pacientes de un programa de rehabilitación pulmonar

L. Vargas¹, L. Téllez¹, J. Chacón¹, L. Rodríguez¹, VM Herrera²

¹ Instituto Neumológico del Oriente, Bucaramanga, Colombia

² Universidad Autónoma de Bucaramanga, Bucaramanga, Colombia

Introducción. La COVID-19 puede asociarse con el compromiso de la función pulmonar.

Objetivo. Evaluar la función pulmonar en pacientes que cursaron con COVID-19 ingresados en rehabilitación pulmonar.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte transversal. Mediante auditoría de la historia clínica se obtuvo información sociodemográfica, antecedentes, espirometría (volumen espiratorio forzado en el primer segundo: VEF1, y capacidad vital forzada: CVF, previa al uso de broncodilatador: PrB, y posterior a este: PoB) y caminata de 6 minutos (C6M) de ingreso. Se estimaron riesgos relativos ajustados por edad, sexo, comorbilidad (respiratoria, cardiovascular, obesidad y osteomuscular), tabaquismo y exposición ocupacional.

Resultados. Se evaluaron 362 pacientes (edad media: 58,6 años; 62,4 %, hombres): el 16,0 % no requirió hospitalización; el 57,5 % sí pero no en unidad de cuidados intensivos (UCI) y 26,5 % requirió el ingreso a UCI. No hubo diferencias entre grupos en la VEF1 pero sí un gradiente de la CVF en hospitalizados sin requerimiento de UCI y con ingreso a esta con respecto a los no hospitalizados (PrB: -0,19 L y -0,24 L; PoB: -0,22 L y -0,28 L) y de la VEF1/CVF (PrB: 13,1 y 12,8; PoB: 10,7 y 11,9). Predominó el patrón espirométrico restrictivo: 76,5 % Vs. 0,6 % obstructivo y 22,9 %, normal. La hospitalización e ingreso a la UCI incrementaron el riesgo de restricción en 23 y 34 %, respectivamente. La distancia en la C6M se redujo progresivamente con la gravedad del patrón restrictivo: 8,8 m (leve), 19,5 m (moderado) y 72,4 m (grave) con respecto al grupo normal (p-tendencia<0,001).

Conclusión. En los pacientes en rehabilitación pulmonar posterior a la COVID-19 predominó un patrón restrictivo con compromiso de la distancia en la C6M. La hospitalización y el requerimiento de UCI incrementaron el riesgo de restricción.

Palabras clave: COVID-19; pruebas de función respiratoria; espirometría; medicina física y rehabilitación; síndrome post-COVID-19 aguda.

Referencias

1. Torres-Castro R, Vasconcello-Castillo L, Alsina-Restoy X, Solis-Navarro L, Burgos F, Puppo H, *et al*. Respiratory function in patients post-infection by COVID-19: a systematic review and meta-analysis. *Pulmonology*. 2021;27:328-37. <https://doi.org/10.1016/j.pulmoe.2020.10.013>
2. Zhao YM, Shang YM, Song WB, Li QQ, Xie H, Xu QF, *et al*. Follow-up study of the pulmonary function and related physiological characteristics of COVID-19 survivors three months after recovery. *EClinicalMedicine*. 2020;25:100463. <https://doi.org/10.1016/j.eclinm.2020.100463>
3. Huang Y, Tan C, Wu J, Chen M, Wang Z, Luo L, *et al*. Impact of coronavirus disease 2019 on pulmonary function in early convalescence phase. *Respir Res*. 2020;21:163. <https://doi.org/10.1186/s12931-020-01429-6>
4. Barker-Davies RM, O'Sullivan O, Senaratne KP, Baker P, Cranley M, Dharm-Datta S, *et al*. The Stanford Hall consensus statement for post-COVID-19 rehabilitation. *Br J Sports Med*. 2020;54:949-59. <https://doi.org/10.1136/bjsports-2020-102596>

..... ✕

Coinfección bacteriana en pacientes con neumonía grave por COVID-19 en cuidado intensivo

Leonardo Alexander Quevedo^{1,2,3}, Lina Johana Terreros¹, Adriana Paola Franco^{1,2,3}, Oscar López^{1,2,3}, Ana María Rivera², Johan Daniel Spitia¹, Laura Guevara¹, Arturo Jhann⁴, Myriam L. Velandia-Romero⁴, Jaime E Castellanos⁴

¹ Inversiones Clínica Meta, Villavicencio, Colombia

² Universidad Cooperativa de Colombia, Villavicencio, Colombia

³ Clínica Cardiovascular Angiografía de Colombia, Villavicencio, Colombia

⁴ Universidad El Bosque, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. La coinfección bacteriana es frecuente en pacientes con enfermedad respiratoria de origen viral y tiene un efecto negativo en el pronóstico y el resultado. Durante la pandemia de COVID-19 la incidencia de coinfección bacteriana en nuestra población podría ser mayor de la reportada.

Objetivo. Determinar la incidencia de coinfección bacteriana en pacientes con infección grave por COVID-19 en una unidad de cuidados intensivos de Villavicencio, Colombia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo observacional retrospectivo de pacientes internados en la unidad de cuidados intensivos (UCI) con diagnóstico de COVID-19 confirmado por PCR o antígeno entre el 1 de julio de 2020 y el 31 de marzo de 2021 en un centro hospitalario de tercer nivel de Villavicencio. Se hicieron hemocultivos, cultivos de esputo o cultivos de secreción orotraqueal en las primeras 48 horas del ingreso y posteriormente se determinó la presencia de coinfección.

Resultados. Se incluyeron 65 pacientes con una edad media de 62,7 años (DE: 15,0); el 61,2 % correspondía a hombres; las comorbilidades fueron hipertensión arterial (47 %), diabetes mellitus (35,2 %), obesidad (24 %), EPOC, enfermedad renal (10 %). Los pacientes con coinfección presentaron más frecuentemente diabetes mellitus (58,3 %) y enfermedad renal crónica (20 %). Se encontró un 29,1 % de coinfección por *Klebsiella pneumoniae* (en el 50 %), por *Pseudomonas aeruginosa* (en el 12,5 %) y por *Enterobacter cloacae* (en el 8,3 %). La mediana de estancia fue de seis días (IRC: 7). La mayor mortalidad se dió en pacientes con coinfección (41; 85,4 %) comparada con la de aquellos sin coinfección (44; 37,6 %).

Conclusión. La incidencia de coinfección correspondió al 29,1 % de la población ingresada en la UCI con infección grave por COVID-19, lo que se asoció con mayor riesgo de mortalidad y de complicaciones hospitalarias.

Palabras clave: infecciones bacterianas; coinfección; COVID-19; cuidados intensivos; mortalidad; comorbilidades.

Referencias

1. Kim D, Quinn J, Pinsky B, Shah NH, Brown I. Rates of Co-infection between SARS-CoV-2 and Other Respiratory Pathogens. JAMA - J Am Med Assoc. 2020;323:2085–6.
2. Langford BJ, So M, Raybardhan S, Leung V, Westwood D, MacFadden DR, et al. Bacterial co-infection and secondary infection in patients with COVID-19: a living rapid review and meta-analysis. Clin Microbiol Infect. 2020;26:1622–9. <https://doi.org/10.1016/j.cmi.2020.07.016>
3. Lai CC, Wang CY, Hsueh PR. Co-infections among patients with COVID-19: The need for combination therapy with non-anti-SARS-CoV-2 agents? J Microbiol Immunol Infect. 2020;53:505–12. <https://doi.org/10.1016/j.jmii.2020.05.013>
4. He S, Liu W, Jiang M, Huang P, Xiang Z, Deng D, et al. Clinical characteristics of COVID-19 patients with clinically diagnosed bacterial co-infection: A multi-center study. PLoS One. 2021;16):1–12. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0249668>

Otras enfermedades transmisibles diferentes a COVID

Neumonitis intersticial por citomegalovirus en un paciente con HIV de estadio clínico 3 en el Hospital Militar Central de Bogotá

Jhon Fredy Ortiz¹, Juan José Avendaño^{1,2}, Julián David Ortiz¹, Gustavo Adolfo Hincapié¹, Adriana Catalina Uscategui¹, Carlos Parga-Lozano^{3,4}, Nohemí Santodomingo^{3,4}

¹ Hospital Militar Central, Bogotá, D.C., Colombia

² Universidad Libre Seccional Barranquilla, Barranquilla, Colombia

³ Grupo de Investigación de Biomembranas-GIBIOM, Universidad Libre, Barranquilla, Colombia

⁴ Centro de Investigación e Innovación en Salud-CIIS, Salud Social I.P.S, Barranquilla, Colombia

Introducción. La infección por citomegalovirus (CMV) en pacientes con VIH ocurre en fases avanzadas de la enfermedad y se manifiesta de formas diferentes: adenitis necrotizante, colitis, esofagitis, meningoencefalitis y retinitis. El diagnóstico se fundamenta principalmente en la biopsia del órgano afectado o por antigenemia o PCR en sangre periférica.

Objetivo: Presentar un caso de neumonitis intersticial por CMV en un paciente con HIV en estadio clínico 3 en el Hospital Militar Central de Bogotá, 2020.

Materiales y métodos. Se describió la evolución de un caso de neumonitis intersticial por CMV previo consentimiento informado voluntario en un paciente colombiano de 31 años de edad con antecedente de HIV que debutó con fiebre asociada a adinamia, tos con expectoración hialina y sensación de disnea.

Resultados. Se descartó la COVID-19 con la prueba para SARS-CoV-2 negativa. Los exámenes paraclínicos documentaron bicitopenia, proteína C reactiva, ferritina y deshidrogenasa láctica elevadas asociadas a acidosis respiratoria compensada. El estudio imagenológico sugirió neumonía por *Pneumocystis jiroveci*, con lo que se inició el manejo empírico, pero luego se sospechó de histoplasmosis diseminada y se inició el tratamiento con anfotericina B, meropenem, polimixina B y fosfomicina. Se hizo una fibrobroncoscopia y lavado bronquioalveolar con biopsia transbronquial en la que se documentó parénquima pulmonar con septos engrosados, neumocitos reactivos, infiltrados linfoplasmocitarios y escasos histiocitos espumosos en las luces alveolares; con la coloración de PAS y el tricómico de Gomory no se identificaron microorganismos. La inmunohistoquímica de CMV dio positivo. El paciente recibió 900 mg de valganciclovir por vía oral cada 12 horas en inducción y cada día para mantenimiento.

Conclusión. El diagnóstico de infección por CMV es difícil. En algunos casos se evidencian las inclusiones que produce el microorganismo en el tejido afectado.

Palabras clave: CMV; inclusiones; neumonitis; tos; VIH.

Referencias

1. Deeks SG, Overbaugh J, Phillips A, Buchbinder S. HIV infection. Nat Rev Dis Primers. 2015;1:15035. <https://doi.org/10.1038/nrdp.2015.35>
2. Hincapié-Echeverría M, González-Villarreal LC, Tassinari, S, Cañas-Arboleda A, Celis-Preciado CA. Compromiso pulmonar en pacientes con infección por el virus de inmunodeficiencia humana (VIH). Universitas Médica. 2018;59:1-15.
3. Valdés F, Fonseca C, Capó V. Infección por citomegalovirus en pacientes con VIH/SIDA. Rev Cubana Hematol Inmunol Hemoter. 2015;31.

Frecuencia de infecciones por el virus de Zika durante su pico epidémico en pacientes pediátricos con sospecha de dengue hospitalario

Sara Bolívar¹, Doris Salgado², Carlos F. Narváez¹

¹ División de Inmunología, Facultad de Salud, Universidad Surcolombiana, Neiva, Colombia

² Área de Pediatría, Facultad de Salud, Universidad Surcolombiana, Neiva, Colombia

Introducción. Los flavivirus DENV y ZIKV tienen una gran homología virológica y en las manifestaciones clínicas de las enfermedades que causan, por lo que su identificación puede ser confusa. Entre el 2015 y el 2016 se presentó la epidemia por el ZIKV en las Américas y el ZIKV y el DENV circularon simultáneamente con altos niveles durante ese periodo en Colombia.

Objetivo. Determinar la frecuencia de infecciones por ZIKV en pacientes pediátricos con sospecha de dengue durante el pico epidémico de ZIKV.

Materiales y métodos. Se incluyeron 105 pacientes que ingresaron al Hospital Universitario de Neiva entre diciembre del 2015 y marzo del 2016 con sospecha clínica de dengue. Se les hicieron pruebas inmunocromatográficas para NS1, ELISA para IgM-DENV y RT-PCR convencional para DENV. La RT-qPCR para ZIKV se hizo en los pacientes negativos para las pruebas de dengue.

Resultados. De los 105 pacientes, 97 (92,3 %) fueron positivos y 9 (8,5 %) negativos para la infección por DENV con los métodos diagnósticos usados. Los nueve pacientes negativos para DENV lo fueron también para el ZIKV por RT-qPCR. Para identificar coinfecciones de DENV/ZIKV, en 26 pacientes con prueba diagnóstica positiva para DENV seleccionados aleatoriamente se hizo también la RT-qPCR para ZIKV con resultados negativos.

Conclusión. No se encontraron casos de pacientes hospitalizados con sospecha de dengue que tuvieran infección por ZIKV ni casos de coinfecciones. Hubo gran precisión en el diagnóstico clínico de la infección hospitalaria por DENV.

Palabras clave: dengue; Zika; pediatría; NS1; IgM; RT-PCR.

Referencias

1. Yun SI, Lee YM. Zika virus: An emerging flavivirus. *J Microbiol.* 2017;55:204-19.
2. Harapan H, Michie A, Sasmono RT, Imrie A. Dengue: A Minireview. *Viruses.* 2020;12:829. <https://doi.org/10.3390/v12080829>
3. Avilés-Vergara PA, Trujillo-Correa A, Gómez-Suárez LA, Ricardo-Caldera D, Soto-De León SC, Brango H, et al. DENV and ZIKV detection in patients with acute febrile syndrome in Córdoba, Colombia. *Int J Infect Dis.* 2020;99:458-65. <https://doi.org/10.1016/j.ijid.2020.08.008>
4. Padilla JC, Lizarazo FE, Murillo OL, Mendigaña FA, Pachón E, Vera MJ. Epidemiología de las principales enfermedades transmitidas por vectores en Colombia, 1990-2016. *Biomédica.* 2017;37:27-40. <https://doi.org/10.7705/biomedica.v37i3.3769>

Asociación entre el virus de Epstein Barr y los linfomas Hodgkin y no Hodgkin en pacientes del occidente de México

Karel César Licona¹, Ramón Antonio Franco^{1,2}, Jaime Palomares¹, Gerardo Cazarez¹, Iván Isidro Hernández¹

¹. Laboratorio de Microbiología y Parasitología, Departamento de Microbiología y Patología, Centro Universitario de Ciencias de la Salud, Universidad de Guadalajara, Guadalajara, México

². Servicio de Anatomía Patológica, Nuevo Hospital Civil de Guadalajara "Juan I Menchaca", Guadalajara, Jalisco, México

Introducción. El virus de Epstein Barr (VEB) está ampliamente diseminado en la población mundial, con una incidencia del 95 % en adultos y hasta del 80 % en niños y tiene un alto potencial oncogénico. Infecta principalmente células B manipulando sus vías de crecimiento y diferenciación y se relaciona con los linfomas Hodgkin (LH), no Hodgkin (LNH) y los carcinomas nasofaríngeos, entre otras.

Objetivo. Determinar la asociación entre el virus de Epstein Barr y el LH y el LNH en pacientes infectados en el occidente de México.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, transversal analítico de 198 muestras de lesiones linfoproliferativas sospechosas de infección por VEB, provenientes del Nuevo Hospital Civil de Guadalajara "Juan I. Menchaca". Se hizo el diagnóstico histopatológico y se identificó el VEB por Q-PCR. Por último, se usó la técnica de inmunohistoquímica para el marcaje de la proteína viral LMP-1.

Resultados. Del total de casos, 59 correspondían a linfomas (Hodgkin 30 casos (50,8 %) y no Hodgkin, 29 casos (49,2 %)). Según la inmunohistoquímica para marcaje de la LMP-1 del VEB hubo 20 casos positivos (33,9 %) y por PCR, 26 casos positivos para VEB (44,1 %). Se estimó el riesgo de infección por VEB en linfomas con un OR de 15.698 (IC: 3,35-73,37), y de VEB en LH Vs. LNH un OR de 5.786 (IC: 1,12-29,67).

Conclusiones. Se determinó una asociación franca entre la infección por el VEB y los linfomas, con mayor predominio en los LH que en los LNH. Los resultados ofrecen un acercamiento al comportamiento biológico del virus en la enfermedad tumoral en esta población, siendo necesaria una mayor vigilancia epidemiológica del virus para su detección e intervención tempranas.

Palabras clave: virus de Epstein Barr; linfoma Hodgkin; linfoma no Hodgkin; México.

Referencias

1. Frappier L. Epstein-Barr virus: Current questions and challenges. *Tumour Virus Res.* 2021;12:200218. <https://doi.org/10.1016/j.tvr.2021.200218>
2. Kanda T, Yajima M, Ikuta K. Epstein-Barr virus strain variation and cancer. *Cancer Sci.* 2019;110:1132-9. <https://doi.org/10.1111/cas.13954>
3. El-Sharkawy A, Al Zaidan L, Malki A. Epstein-Barr virus-associated malignancies: roles of viral oncoproteins in carcinogenesis. *Front Oncol.* 2018;8:265. <https://doi.org/10.3389/fonc.2018.00265>
4. Chabay P, Lens D, Hassan R, Rodríguez-Pinilla SM, Valvert-Gamboa F, Rivera I, *et al.* Lymphotropic Viruses EBV, KSHV and HTLV in Latin America: Epidemiology and Associated Malignancies. A Literature-Based Study by the RIAL-CYTED. *Cancers (Basel).* 2020;12:2166. <https://doi.org/10.3390/cancers12082166>

Brote de leishmaniasis cutánea en Anzá, Antioquia, Colombia, 2021

Amparo Liliana Sabogal¹, Carolina Monroy², Claudia Jimena Álvarez², John Jairo González¹, Claudia Marcela Muñoz², Gina Gallego¹, Audiver Palacios¹

¹ Secretaría Seccional de Salud de Antioquia, Medellín, Colombia

² Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. El municipio de Anzá informó un aumento de casos de leishmaniasis cutánea en el 2021, con lo que se configuró una posible situación de brote, con una incidencia de 167,4 casos por 100.000 habitantes.

Objetivo. Confirmar la presencia de un brote de leishmaniasis cutánea en Anzá.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de brote en dos fases: descripción de los casos notificados en el Sistema de Vigilancia de Salud Pública entre el 2020 y la semana epidemiológica 21 del 2021, con georreferenciación, búsqueda activa comunitaria e institucional y estudio entomológico; en la segunda fase se hizo el estudio de casos y controles, con dos controles por caso. Se calcularon medidas de tendencia central, dispersión y distribución de frecuencias, se elaboró la curva epidémica, se determinaron los factores de riesgo y se analizaron los OR (IC_{95%}),

Resultados. Se detectaron nueve casos confirmados; se hicieron 27 encuestas (9 casos y 18 controles) en dos barrios y una vereda. El 77,8 % (7) de los casos se presentó en hombres, el 44,4 % (4) en personas entre los 21 y 31 años. En la búsqueda activa comunitaria se detectaron cuatro casos y en la búsqueda institucional, ocho posibles casos sin diagnóstico confirmado. Se identificaron en el área los vectores *Lutzomyia yuilli yuilli* y *Lutzomyia gomezi*. Se evidenció como riesgo el tener familiares con leishmaniasis cutánea en el último año (OR: 10,0; IC_{95%}: 1,55-64,2).

Conclusiones. Se confirmó un brote de leishmaniasis cutánea en Anzá; se determinó un mayor riesgo en aquellos que vivían con familiares aquejados por la enfermedad en el último año. Se evidenciaron condiciones sanitarias y ambientales similares en el área urbana y en la rural. Es necesario reforzar medidas de prevención y diagnóstico oportuno.

Palabras clave: leishmaniasis; brote; comunidad; factores de riesgo; epidemiología.

Referencias

1. Granada A, Diago A. Leishmaniasis cutánea y mucocutánea. AEDV. 2021;112:601-24. <https://doi.org/10.1016/j.ad.2021.02.008>
2. Palomares M, Segura L, Renau S, Bueno C. Leishmaniasis cutáneo-visceral, sospecharla para diagnosticarla. Rev Pediatr Aten Primaria. 2020;22:49-53.
3. Maia A, Magalhães D, Salomón OD, Puppim L, Saboyá MI, Valadas SY, et al. Interacción entre los determinantes medioambientales y socioeconómicos para el riesgo para leishmaniasis cutánea en América Latina. Revista Panamericana de Salud Pública. 2021;45:1-3. <https://doi.org/10.26633/RPSP.2021.49>
4. King RJ, Campbell DH, Davies CR. Predicting Geographic Variation in Cutaneous Leishmaniasis, Colombia. Emerg Infect Dis. 2004;10:598-607. <https://doi.org/10.3201/eid1004.030241>
5. Torres E, Quintanilla M, Ruiz J, Arenas R. Leishmaniasis: a review. F1000Research. 2017;6:1-15. <https://doi.org/10.12688/f1000research.11120.1>

Uso combinado de microscopía óptica y análisis automatizado de imágenes digitales en el desarrollo de un ensayo de formación de foco para evaluar la infección natural e *in vitro* por *Flavivirus*

Sara Bolívar¹, Doris Salgado², Carlos F. Narváez¹

¹ División de Inmunología, Facultad de Salud, Universidad Surcolombiana, Neiva, Colombia

² Institute for Medical Engineering and Science, Massachusetts Institute of Technology, Cambridge, USA

Introducción. Se requieren métodos optimizados para el estudio de *Flavivirus* en zonas hiperendémicas de Colombia. El ensayo de formación de foco (FFA) revela aspectos de la interacción virus-huésped. El análisis automatizado de imágenes ofrece la evaluación de variables adicionales al clásico FFA.

Objetivo. Desarrollar un FFA optimizado para la detección de partículas virales infectantes de ZIKV y DENV en infecciones naturales e *in vitro*.

Materiales y métodos. Se infectaron células Vero-76 con DENV-2 y ZIKV. A partir de un panel se identificaron los anticuerpos monoclonales primarios, sus dosis, y el tiempo óptimo de infección. Para determinar si la acumulación intracelular de NS1 mejoraba la eficiencia del FFA, se adicionó Brefeldina A a los cultivos. Se contaron los focos por microscopía convencional y se evaluó la intensidad de la tinción a nivel de *single-cell* con el programa CellProfiler™. El FFA se usó en ensayos *spike* para ZIKV y en especímenes clínicos de infección natural por DENV-1 y DENV-2.

Resultados. mAb644 de 1 µg/ml para ZIKV y mAb323 con 24 hpi para DENV-2 mostraron mejor detección de focos al combinar el conteo convencional y análisis digital automatizado. La BFA no mejoró el FFA. El FFA mostró 99 % de recuperación en los *spike* para ZIKV y logró la detección de DENV1 y 2 en plasma de pacientes naturalmente infectados.

Conclusión. La combinación de las dos técnicas logró optimizar el FFA permitiendo el estudio de DENV y ZIKV en infección natural e *in vitro* en una zona hiperendémica.

Palabras clave: dengue; Zika; NS1; FFA; Vero; CellProfiler.

Referencias

1. Payne AF, Binduga-Gajewska I, Kauffman EB, Kramer LD. Quantitation of flaviviruses by fluorescent focus assay. *J Virol Methods*. 2006;134:183–9.
2. Brien JD, Hassert M, Stone ET, Geerling E, Cruz-Orengo L, Pinto AK. Isolation and quantification of zika virus from multiple organs in a mouse. *J Vis Exp*. 2019;2019:1–8.
3. McQuin C, Goodman A, Chernyshev V, Kamensky L, Cimini BA, Karhohs KW, *et al*. CellProfiler 3.0: Next-generation image processing for biology. *PLoS Biol*. 2018;16:e2005970. <https://doi.org/10.1371/journal.pbio.2005970>
4. Bosch I, Puig H De, Hiley M, Carré-Camps M, Perdomo-Celis F, Narváez CF, *et al*. Rapid antigen tests for dengue virus serotypes and zika virus in patient serum. *Sci Transl Med*. 2017;9:1-14.

Comportamiento clínico-epidemiológico de la tos ferina en el departamento de Sucre-Colombia, 2012 – 2017

Gregory Gentile Garrido¹, Marlon Antonio Espitia²

¹ Clínica Especializada la Concepción S.A.S, Sincelejo, Colombia

² Secretaría de Municipal de Majagual, Majagual, Colombia

Introducción. La tos ferina sigue siendo un problema de salud pública mundial.

Objetivo. Analizar el comportamiento clínico-epidemiológico de la tos ferina en el departamento de Sucre entre 2012 y 2017.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, descriptivo retrospectivo con enfoque cuantitativo y diseño no experimental para comparar el comportamiento epidemiológico de la tos ferina en los últimos seis años. A partir de 1.587 casos notificados a Sivigila se seleccionaron por muestreo no probabilístico intencionado 165 confirmados por laboratorio. La información se analizó en hoja de cálculo de Excel teniendo en cuenta las variables epidemiológicas y se respetaron los criterios bioéticos para ciencias de la salud.

Resultados. El agente causal principal de la tos ferina en los 165 casos confirmados fue *Bordetella pertussis* (BP). El corredor epidemiológico presentó un dato significativo durante la octava semana. La mayoría de los casos se presentó en hombres, en edades de cero a tres meses; los casos fueron captados en servicios de urgencias y en pacientes hospitalizados; los signos y síntomas predominantes fueron la tos (98,8 %), la tos paroxística (79,4 %), el vómito (37,6 %), y el estridor (35,8 %). El 52,1 % no contaba con esquema de vacunación.

Conclusiones. Los casos de tos ferina confirmados por laboratorio en Sucre en la octava semana del corredor epidemiológico ameritaron la alarma. *Bordetella pertusis* se identificó como agente causal prevalente.

Palabras claves: tosferina; *Bordetella pertussis*; factores de virulencia de *Bordetella*.

Referencias

1. Cervantes E. Bordetella pertussis: reemergente. Rev Latinoam Patol Clin Med Lab. 2018;65:18-21.
2. European Centre for Disease Prevention and Control. Pertussis. In: ECDC. Annual epidemiological report for 2017. Fecha de consulta: 6 de febrero del 2020. Disponible en: <https://www.ecdc.europa.eu/en/publications-data/pertussis-annual-epidemiological-report-2017>
3. Organización Panamericana de la Salud/Organización Mundial de Salud. (OPS/OMS). Inmunización de las Américas: 2017. Fecha de consulta: 27 de marzo del 2020. Disponible en: https://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&view=download&category_slug=folleto-2646&alias=36291-inmunizacion-americas-resumen-2017-291&Itemid=270&lang=en
4. Ministerio de Salud y Protección Social. Guía de práctica clínica para la identificación y manejo clínico de la tos ferina en menores de 18 años. 2014. Fecha de consulta: 27 de mayo del 2020. Disponible en: https://medicosgeneralescolombianos.com/images/Guias_2014/GPC_43_Tos_ferina.pdf

Estudio ecológico de la sífilis gestacional y congénita en Colombia, 2012-2019

Carolina Becerra¹, Jorge Luis Alvarado², Edgar Fabián Manrique³, Jhondrisson Caballero⁴

¹ Secretaría de Salud y Ambiente de Bucaramanga, Bucaramanga, Colombia

² Fundación Cardiovascular de Colombia, Bucaramanga, Colombia

³ Departamento de Salud Pública, Escuela de Medicina, Universidad Industrial de Santander, Bucaramanga, Colombia

⁴ Universidad Industrial de Santander, Bucaramanga, Colombia

Introducción. Los reportes de casos de sífilis gestacional y congénita en Colombia han aumentado pese a las estrategias desplegadas para su control, diagnóstico y tratamiento costo-efectivo.

Objetivos. Describir el comportamiento de la sífilis gestacional y congénita en Colombia entre el 2012 y 2019 a partir de los registros del Sivigila.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio ecológico, exploratorio, con estimaciones de la tasa de incidencia y la razón de prevalencia para cada departamento.

Resultados. Arauca, Santander, Cesar y Caldas presentaron el mayor incremento de sífilis gestacional entre el 2012 y el 2019, y Santander, Casanare y Amazonas, de sífilis congénita. Se encontraron diferencias significativas en el reporte de casos entre un año y otro a nivel nacional en las dos enfermedades ($p < 0,001$).

Conclusiones. En Colombia se encontró un aumento de la sífilis gestacional. Es necesario reevaluar los grupos poblacionales a los que se dirigen las estrategias.

Palabras clave: sífilis congénita; edad gestacional; atención prenatal; monitoreo epidemiológico.

Referencias

1. Instituto Nacional de Salud. 9 Semana epidemiológica 2020. Boletín Epidemiológico Semanal. Bogotá D.C.: INS; 2020. Fecha de consulta: mayo 20 de 2020. Disponible en: https://www.ins.gov.co/buscador-eventos/BoletinEpidemiologico/2020_Boletin_epidemiologico_semana_9.pdf
2. Bezerra ML, Fernandes FE, de Oliveira Nunes JP, de Araújo Baltar SL, Randau KP. Congenital Syphilis as a Measure of Maternal and Child Healthcare, Brazil. *Emerg Infect Dis.* 2019;25:1469-76.
3. Garbin Artênio JI, Martins Ronald J, Belila Naiana M. Exaltação Sandra Margareth, Garbin Cléa Adas Saliba. Reemerging diseases in Brazil: sociodemographic and epidemiological characteristics of syphilis and its under-reporting. *Rev Soc Bras Med Trop.* 2019;52:e20180226. PubMed PMID: 30810654.
4. World Health Organization. Estrategia mundial del sector de la salud contra las infecciones de transmisión sexual 2016–2021. Geneva: WHO; 2016. Fecha de consulta: junio 15 de 2020. Disponible en: <https://www.who.int/reproductivehealth/publications/rtis/ghss-stis/en/>

Evaluación de la sensibilidad a piretroides e identificación de la mutación KDR en poblaciones de *Aedes aegypti* (Diptera: Culicidae) en el departamento de La Guajira, Colombia

Zulibeth Florez-Rivadeneira^{1,2}, Juan Miguel Castro¹, Ronald Maestre-Serrano¹, Doris Gómez-Camargo³, Paula Pareja-Loaiza⁴, Gustavo Ponce-García⁵, Adriana E. Flores⁵

¹ Facultad de Ciencias de la Salud, Universidad Libre Seccional Barranquilla, Barranquilla, Colombia

² Laboratorio Departamental de Salud Pública, Secretaría de Salud del Departamento de La Guajira, Riohacha, Colombia

³ Facultad de Medicina, Universidad de Cartagena, Cartagena de Indias, Colombia

⁴ Facultad de Ciencias de la Salud, Universidad Simón Bolívar, Barranquilla, Colombia

⁵ Facultad de Ciencias Biológicas, Universidad Autónoma de Nuevo León, San Nicolás de los Garza, México

Introducción. El dengue, el chikungunya y el Zika son infecciones de interés en salud pública en Colombia. Una de las principales estrategias para su control es la aplicación de insecticidas contra el vector *Aedes aegypti*. Sin embargo, la resistencia a los insecticidas ha aumentado en el país, lo que dificulta las acciones de control. En el departamento de La Guajira se ha reportado resistencia a piretroides en el municipio de San Juan del Cesar y el Distrito de Riohacha, pero se desconoce la situación en otros municipios.

Objetivo. Determinar el estado de la sensibilidad a piretroides y los mecanismos moleculares (mutación *knockdown*, *kdr*) implicados en la resistencia al derribo en 10 poblaciones de *Ae. aegypti* La Guajira (Colombia).

Materiales y métodos. Se determinó la frecuencia y la intensidad de la resistencia a lambda-cialotrina, deltametrina y permetrina en mosquitos en Albania, Barrancas, Dibulla, Fonseca, Maicao, Manaure, Riohacha, San Juan del Cesar, Uribia y Villanueva, siguiendo la metodología de los *Centers for Disease Control and Prevention* de los Estados Unidos (CDC). Se identificaron las mutaciones *kdr* V1016I y F1534C y se calcularon sus frecuencias alélicas y genotípicas.

Resultados. En la mayoría de las poblaciones evaluadas se registró resistencia a la dosis diagnóstica de permetrina (52 % - 93 % de mortalidad), excepto en Barrancas, donde se registró sensibilidad. Se encontró resistencia a la dosis diagnóstica de lambda-cialotrina en Albania, Fonseca, Maicao, Riohacha, San Juan del Cesar y Villanueva (93 % - 97 % de mortalidad). En cuanto a la intensidad, se reportó baja resistencia a lambda-cialotrina y permetrina. Las mutaciones V1016I y F1534C se identificaron en todas las poblaciones evaluadas con una frecuencia alélica para I1016 de 0,15 a 0,70 y de 0,68 a 1,0 para C1534.

Conclusión. Se observó poca resistencia a lambda-cialotrina y permetrina en las poblaciones de *Ae. aegypti* evaluadas. Se identificaron las mutaciones *kdr* V1016I y F1534C como posibles mecanismos de resistencia.

Palabras clave: *Aedes aegypti*; resistencia a insecticidas; piretroides; mutaciones *kdr*; dengue, Colombia.

Referencias

1. Pareja-Loaiza PX, Santacoloma-Varón L, Rey-Vega G, Gómez-Camargo D, Maestre-Serrano R, Lenhart A. Mechanisms associated with pyrethroid resistance in populations of *Aedes aegypti* (Diptera: Culicidae) from the Caribbean coast of Colombia. PLoS ONE. 2020;15:e0228695. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0228695>
2. Maestre-Serrano R, Gómez-Camargo D, Ponce-García G, Flores AE. Susceptibility to insecticides and resistance mechanisms in *Aedes aegypti* from the Colombian Caribbean Region. Pestic Biochem Physiol. 2014;116:63-73. <https://doi.org/10.1016/j.pestbp.2014.09.014>
3. Granada Y, Mar A, Strode C, Triana-Chávez O. A Point Mutation V419L in the Sodium Channel Gene from Natural Populations of *Aedes aegypti* Is Involved in Resistance to λ -Cyhalothrin in Colombia. Insects. 2018;9:23-35.
4. Maestre-Serrano R, Pareja-Loaiza P, Gómez-Camargo D, Ponce-García G, Flores AE. Co-occurrence of V1016I and F1534C mutations in the voltage-gated sodium channel and resistance to pyrethroids in *Aedes aegypti* (L.) from the Colombian Caribbean region. Pest Manag Sci. 2019;75:1681-8. <https://doi.org/10.1002/ps.5287>

Determinantes de la enfermedad diarreica aguda en Colombia en el 2018

Alberto Castillo Aroca

Observatorio Latinoamericano de Desarrollo Sostenible - OLDS

Introducción. La enfermedad diarreica aguda (EDA) es una de las principales causas de morbimortalidad en menores de 5 años a nivel global. En el 2019 en Colombia se registraron 3,4 millones de casos, con costos asociados superiores a USD \$ 19 millones, sin contar los costos humanos, monetarios y no monetarios de las familias afectadas. A pesar de la relevancia de estas cifras, se carece de información estratégica que permita elaborar planes para combatir esta enfermedad.

Objetivos. Establecer los factores determinantes de la EDA y ofrecer información que contribuya a la planificación de acciones para enfrentarla.

Materiales y métodos. Se estimaron modelos de datos de panel con efectos fijos y aleatorios con información del periodo de 2010 a 2018 y se entrenaron 13 algoritmos de aprendizaje automático con cifras del 2018.

Resultados. Se hizo una revisión de la literatura disponible para seleccionar los indicadores que actúan como factores determinantes de la enfermedad. Se detectaron deficiencias en la calidad y la disponibilidad de los datos requeridos para el estudio y la discusión de las principales limitantes y fuentes de sesgo existentes. Se obtuvo evidencia estadística de la relación causal entre las variables. Por último, se simuló mejoras relativas en diversos indicadores y se observó su efecto inelástico en la EDA en los municipios de Colombia. Se resalta el efecto de la educación y la disponibilidad de agua mejorada para cocinar como las variables más relevantes.

Conclusiones. Los resultados se vieron afectados por la calidad de los datos, ya que hubo un sesgo de selección debido a una mayor probabilidad de buscar asistencia médica en los municipios capitales con alta cobertura del sistema de salud, mayor prosperidad y mejor desempeño fiscal. En consecuencia, se obtuvieron resultados contraintuitivos como la relación positiva entre la incidencia de la EDA y estas variables. Se pudieron establecer los lugares y las variables que estarían relacionadas con un subregistro de casos y hacer recomendaciones sobre los departamentos y municipios que merecen una mayor atención. En este sentido, se llama a la comunidad académica a utilizar los resultados de este estudio como punto de partida para profundizar en los aspectos que no se abordaron o se analizaron someramente priorizando el sesgo detectado y la realización de simulaciones más amplias.

Palabras clave: enfermedad diarreica aguda (EDA); determinantes socioeconómicos; aprendizaje automático.

Referencias

1. Smith HM, DeKaminsky RG, Niwas S, Soto RJ, Jolly PE. Prevalence and Intensity of Infections of *Ascaris lumbricoides* and *Trichuris trichiura* and Associated Socio-demographic Variables in Four Rural Honduran Communities. Mem Inst Oswaldo Cruz. 2001;96:303–14.
2. Barr W, Smith A. Acute diarrhea in adults. Postgrad Med. 2014;89:180-9.
3. Ssenyonga R, Muwonge R, Twebaze FBN, Mutyabule R. Determinants of acute diarrhoea in children aged 0 - 5 years in Uganda. East Afr Med J. 2009;86:513-9.

Análisis de la aplicación del plan estratégico “Colombia hacia el fin de la tuberculosis” en el Valle del Cauca, 2018-2019

César Augusto Ramírez, Nayibe Endo Collazos
Universidad Santiago de Cali, Cali, Colombia

Introducción. La tuberculosis es una enfermedad de interés en salud pública cuyos índices de morbilidad la ubican en el primer puesto de aquellas originadas por agentes infecciosos y como una de las 10 primeras causas de mortalidad en el mundo, por lo que la evaluación de las políticas para su control permite optimizarlas y mejorar sus resultados.

Objetivo. Analizar el nivel de cumplimiento del plan estratégico “Colombia hacia el fin de la tuberculosis” en el Valle del Cauca entre el 2018 y el 2019.

Materiales y métodos. Se hizo una evaluación concomitante con método deductivo, que incluyó la consulta a expertos y la revisión documental.

Resultados. El número de casos reportados en el 2018 fue de 1.757, el 84 % correspondiente a tuberculosis pulmonar y el 16 % a la extrapulmonar. En el 2019 se reportaron 1.723 casos: 86 % de tuberculosis pulmonar y 14 % de extrapulmonar. La tasa de mortalidad fue de 2,60 casos por 100 mil habitantes.

Conclusión. Las tres líneas estratégicas del plan presentaron un buen nivel de cumplimiento, con un porcentaje de éxito en el tratamiento de 83 %. En los casos de tuberculosis sensible, un 76 % en los casos de tuberculosis pulmonar y tan solo un 31 % en los casos de tuberculosis y HIV, por debajo de la meta del 90 % establecida en el programa nacional de control. En el 2020 se reportaron 360 casos en el departamento, con una variación del 15,5 % con respecto al 2019.

Palabras clave: salud pública; evaluación; mortalidad; incidencia; mitigación.

Referencias

1. Organización Mundial de la Salud. Tuberculosis nota descriptiva. Ginebra: OMS; 2020. Fecha de consulta: 14 de octubre de 2020. Disponible en: <https://www.who.int/es/news-room/fact-sheets/detail/tuberculosis>
2. Arbeláez M. Tuberculosis: una ventana de análisis de las políticas públicas en salud. Revista Medicina. 2018;40:31-6.
3. Organización Mundial de la Salud. Estrategia mundial y metas para la prevención, la atención y el control de la tuberculosis después de 2015. Fecha de consulta: 24 de septiembre de 2018. Disponible en: http://apps.who.int/gb/ebwha/pdf_files/EB134/B134_12-sp.pdf?ua=1
4. Instituto Nacional de Salud. Informe de evento tuberculosis, Colombia, 2017. Versión N° 3. Bogotá: INS; 2018. p. 21.

La enfermedad diarreica aguda en Colombia: comportamiento epidemiológico del 2013 al 2020

Carlos Alberto Hernández, Ximena Castro, Milena Delgado, Diana Marcela Walteros
Dirección de Vigilancia y Análisis del Riesgo en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La diarrea es causa de morbilidad y mortalidad en Colombia, con un impacto mayor en zonas que no tienen saneamiento básico adecuado.

Objetivo. Describir el comportamiento epidemiológico de la enfermedad diarreica aguda en Colombia entre el 2013 y el 2020.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo de corte transversal a partir de la información del sistema de vigilancia en salud pública entre el 2013 y el 2020. Se estableció la distribución de frecuencias y la curva epidémica y se analizaron las tendencias con el modelo de regresión *joint-point*.

Resultados. Se notificaron 23.752.739 casos. Se observó una proporción mayor en mujeres, con el 53 %. La incidencia fue de 35 a 70 casos por cada 1.000 habitantes y el grupo de edad más afectado fueron los menores de 5 años, con incidencias de 60 a 100 casos por cada 1.000 menores. La tasa de hospitalización fue de 41 casos por cada 1.000 habitantes y la letalidad fue de 0,15 casos en promedio. Las mayores incidencias se registraron en Bogotá, Antioquia, Amazonas y Quindío, con 5 a 9 casos por cada 1.000 habitantes. En el periodo se determinaron dos periodos epidémicos, comprendidos entre 2015 y 2016 y 2018 y 2019, con tendencia hacia la disminución desde el 2019.

Conclusión. La diarrea en Colombia tiene un comportamiento estacional en los indicadores de incidencia, morbilidad y letalidad. En el mundo Colombia se encuentra en un nivel medio a bajo para la enfermedad. El país se ha centrado en planes de control, en el censo, la detección y la mitigación de brotes o conglomerados para reducir su impacto en la población.

Palabras clave: diarrea; epidemiología; incidencia; salud pública; tendencias.

Referencias

1. Organización Mundial de la Salud. Diarrea. Washington, D.C.: OMS; 2021. Fecha de consulta: 25 de mayo de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/topics/diarrhoea/es/>
2. GBD 2016 Diarrhoeal Disease Collaborators 2016. Estimates of the global, regional, and national morbidity, mortality, and aetiologies of diarrhoea in 195 countries: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2016. *Lancet Infect Dis* 2018;18:1211-28
3. GBD 2016 Diarrhoeal Disease Collaborators 2017. Global, regional, and national age-sex-specific mortality for 282 causes of death in 195 countries and territories, 1980–2017: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2017. *Lancet*. 2018;392:1736-88.
4. GBD 2019 Diseases and Injuries Collaborators. Global burden of 369 diseases and injuries in 204 countries and territories, 1990–2019: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2019. *Lancet*. 2020;396:1204-22.

Taxonomía molecular de mosquitos con posibilidad de ser vectores de arbovirus en las zonas rural y urbana del Distrito de Santa Marta

Angie Carolina Duarte¹, Eric Perdomo^{1,2}, Adalberto Duica², Juan Domínguez², José Usme-Ciro¹, Gabriel Parra-Henao¹

¹ Centro de Investigación en Salud para el Trópico, Universidad Cooperativa de Colombia, Santa Marta, Colombia

² Programa de Enfermedades Transmitidas por Vectores, Secretaría de Salud Distrital, Santa Marta, Colombia

Introducción. Colombia, y específicamente el departamento del Magdalena, poseen ecosistemas muy biodiversos y condiciones que propician la supervivencia, desarrollo y diversificación de especies de insectos que pueden ser transmisores de enfermedades. Las herramientas moleculares como el código de barras de ADN han permitido avanzar en la caracterización de esta biodiversidad.

Objetivo. Identificar especies de mosquitos con posibilidad de ser vectores de arbovirus en las zonas rural y urbana del Distrito de Santa Marta mediante taxonomía molecular y utilizando el gen de la citocromo oxidasa I.

Materiales y métodos. Se recolectaron 41 especímenes de mosquitos usando trampas CDC y Shannon y captura activa con redes entomológicas en ocho barrios de la zona urbana y cuatro sitios en la zona rural del Distrito de Santa Marta. Los especímenes se almacenaron en etanol absoluto hasta su procesamiento. Se logró la amplificación por PCR y la secuenciación de un fragmento del gen *COI* usado como código de barras de ADN a partir de 11 especímenes. El análisis filogenético se hizo con el método de máxima verosimilitud y el modelo de sustitución nucleotídica Kimura de 2 parámetros (K2P) con 1.000 réplicas *ultrafast bootstrap*.

Resultados. Se identificaron 11 ejemplares pertenecientes a las especies *Anopheles neomaculipalpus*, *Aedes aegypti*, *Psorophora cyanescens*, *Culex pipiens* y *Culex nigripalpus*.

Conclusión. Este estudio constituye una contribución original de nueva información sobre especies con potencial como vectores de enfermedades en Santa Marta y sus alrededores útil en la evaluación del riesgo y la aplicación de medidas de prevención y control más eficaces.

Palabras clave: citocromo oxidasa I; código de barras de ADN; Culicidae; sistemática molecular.

Referencias

1. Bethencourt AB, Peláez JL, Pestano EN, Ramentol CL. Interaction of weather variables with dengue and *Aedes aegypti* in the municipality of Camagüey. *Revista Cubana de Medicina Tropical*. 2017;69:1-10.
2. Folmer O, Black M, Hoeh W, Lutz R, Vrijenhoek R. DNA primers for amplification of mitochondrial cytochrome c oxidase subunit I from diverse metazoan invertebrates. *Mol Mar Biol Biotechnol*. 1994;3:294-9.
3. Kumar NP, Rajavel AR, Natarajan R, Jambulingam P. DNA barcodes can distinguish species of Indian mosquitoes (Diptera: Culicidae). *J Med Entomol*. 2007;44:1-7.
4. Padilla JC, Lizarazo FE, Murillo OL, Mendigaña FA, Pachón E, Vera MJ. Epidemiología de las principales enfermedades transmitidas por vectores en Colombia, 1990-2016. *Biomédica*. 2017;37:27-40.

Asociación de cuatro variantes de nucleótido sencillo del gen *NOD2*: un estudio de casos de lepra y controles en la población de Norte de Santander, Colombia

Mónica Alexandra Bustos¹, Luz Dary Gutiérrez-Castañeda^{2,3}, Diana Patricia Bohada¹, Raúl Rodríguez¹, Martha Inírida Guerrero⁴

¹ Grupo de Investigación en Enfermedades Parasitarias, Tropicales e Infecciosas, Universidad de Pamplona, Pamplona, Colombia

² Grupo de Dermatología General, Hospital Universitario Centro Dermatológico Federico Lleras Acosta, Bogotá D.C., Colombia

³ Grupo Ciencias Básicas en Salud, Fundación Universitaria de Ciencias de la Salud, Bogotá D.C., Colombia

⁴ Grupo de Dermatología Tropical, Hospital Universitario Centro Dermatológico Federico Lleras Acosta, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. Las variantes de nucleótido sencillo (SNV) presentes en genes que participan en la respuesta inmunitaria pueden influir en el desarrollo de la lepra. Las variantes del gen *NOD2* serían un factor de riesgo o de protección dependiendo de la población.

Objetivo. Estudiar la asociación de cuatro SNV del gen *NOD2* con sensibilidad frente a la lepra en Norte de Santander.

Materiales y métodos. Se estudiaron 319 controles y 109 casos. Después de firmar el consentimiento informado, se extrajo ADN de sangre periférica de los participantes. La detección de las variantes rs7194886, rs2111234, rs3135499 y rs8057341 se hizo mediante qPCR.

Resultado. Las frecuencias genotípicas del SNV rs7194886 representaron el 56 % (CC), el 42 % (CT) y el 2 % (TT). Las del SNV rs2111234 fueron 52 % (AG), 30 % (AA) y 18 % (GG). La del SNV rs3135499 fueron 49 % (AC), 38 % (AA), y 13 % (CC). El SNV rs8057341 presentó frecuencias de 50 % (GA), 18 % (AA) y 32 % (GG). El análisis de las variantes rs7194886 y rs3135499 no mostró asociación con ningún modelo de herencia. El SNV rs2111234 demostró ser un factor de riesgo para el desarrollo de la lepra en el modelo de herencia dominante AG-GG (OR=1,65; IC_{95%}: 1,04-2,60), y el modelo log aditivo (OR=1,42; IC_{95%}: 1,03-1,97). El SNV rs8057341 mostró una asociación con los diferentes modelos: codominante en AG (OR=1,99; IC_{95%}: 1,23-3,20) y AA (OR=2,86, IC_{95%}: 1,43-5,70); dominante en A/G-A/A (OR=2,18; IC_{95%}: 1,39-3,42); recesivo en AA (OR=1,93; IC_{95%}: 1,02-3,65) y log aditivo (OR=1,77; IC_{95%}: 1,27-2,46), lo que indica que la presencia del alelo A confiere sensibilidad para lepra.

Conclusión. El SNV rs8057341 es un factor de riesgo para el desarrollo de lepra en Norte de Santander.

Palabras claves: lepra; *Mycobacterium leprae*; respuesta inmunitaria; gen *NOD2*; polimorfismo; SNP.

Referencias

1. Fonseca AB, Simon MD, Cazzaniga RA, de Moura TR, de Almeida RP, Duthie MS, *et al.* The influence of innate and adaptative immune responses on the differential clinical outcomes of leprosy. *Infect Dis Poverty*. 2017;6:5.
2. Moraes MO, Cardoso CC, Vanderborgh PR, Pacheco AG. Genética de la respuesta del huésped en la lepra. *Lepr Rev*. 2006;77:189-202.
3. Chester C, Pereira AC, Márques CS, Ozorio M. Leprosy susceptibility: genetic variations regulate innate and adaptive immunity, and disease outcome. *Future Microbiol*. 2011;6:533-49.
4. Domínguez-Martínez DA, Núñez-Avellaneda D, Castañón-Sánchez CA, Salazar MI. *NOD2*: Activation During Bacterial and Viral Infections, Polymorphisms and Potential as Therapeutic Target. *Rev Invest Clin*. 2018;70:18-28. <https://doi.org/10.24875/RIC.17002327>

Niveles de expresión de IL-10 en pacientes con papilomatosis respiratoria recurrente en el occidente de México

Jaime Palomares¹, Gerardo Cazarez¹, Sergio Yair Rodríguez², Luis Humberto Govea³, Iván Isidro Hernández¹

¹. Departamento de Microbiología y Patología, Centro Universitario de Ciencias de la Salud, Universidad de Guadalajara, Guadalajara, México

². Departamento de Ciencias de la Salud, Centro Universitario de los Valles, Universidad de Guadalajara, Ameca, México

³. Servicio de Otorrinolaringología y Cirugía de Cabeza y Cuello, Hospital de Especialidades, Centro Médico Nacional de Occidente, Guadalajara, México.

Introducción. La papilomatosis respiratoria recurrente (PRR) es una enfermedad de las vías respiratorias que afecta a niños y adultos y se caracteriza por la proliferación recurrente de papilomas múltiples. El agente etiológico es el virus del papiloma humano, principalmente los genotipos 6 y 11. Varios estudios asocian la progresión de la enfermedad y su agresividad a alteraciones en la respuesta inmunitaria adaptativa debido a una polarización hacia un fenotipo antiinflamatorio T CD4+ helper tipo 2 (Th2) frente a uno T CD4+ helper tipo 1(Th1)3-4. El perfil Th2 se caracteriza por expresar las citocinas inmunorreguladoras IL-10 y TGF- β , que también pueden suprimir el perfil Th1. La IL-10, también conocida como factor de inhibición de la síntesis de citocinas (CSIF), es capaz de inhibir la síntesis de citocinas proinflamatorias por los linfocitos T y los macrófagos, modificando la respuesta frente a infecciones virales.

Objetivo. Determinar los niveles de la citocina IL-10 en sangre de pacientes con PRR.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de casos y controles en un grupo de 78 individuos (42 de control y 36 pacientes con PRR). La IL-10 se cuantificó en suero utilizando el estuche Hcytomag-60k-05. Human/Chemokine Magnetic Bead Panel I. de Milliplex®.

Resultados. Se encontró un promedio de 46,4269 pg/mL en los casos mientras que en los controles el valor fue de 13,8996 pg/mL, con $p < 0,001$.

Conclusión. Se encontró un aumento de la expresión de IL-10 en el suero de pacientes con PRR.

Palabras clave: infección por VPH; papilomas; IL-10; citosinas.

Referencias

1. Benedict JJ, Derkay CS. Recurrent respiratory papillomatosis: A 2020 perspective. *Laryngoscope Investigative Otolaryngology*. 2021;6:340-5.
2. Bonagura VR, Hatam LJ, Rosenthal DW, De Voti JA, Lam F, Steinberg BM, Abramson AL. Recurrent respiratory papillomatosis: a complex defect in immune responsiveness to human papillomavirus-6 and -11. *APMIS*. 2010;118:455-70.
3. Derkay CS, Bluher AE. Update on recurrent respiratory papillomatosis. *Otolaryngologic Clinics of North America*. 2019;52:669-79.
4. Ivancic R, Iqbal H, DeSilva B, Pan Q, Matrká L. Immunological tolerance of low-risk HPV in recurrent respiratory papillomatosis. *Clinical & Experimental Immunology*. 2020;199:131-42.

Factores asociados a la mortalidad por dengue en los municipios de Turbo y Apartadó del Urabá antioqueño entre el 2015 y el 2019

Katerine Marín¹, Berónica López², Diana Carolina Londoño², Magda Bergés³, Santiago Alberto Morales⁴, Luisa Consuelo Rubiano⁵, Paola Astrid Ríos⁵, Margarita Arboleda⁵

¹. Instituto Colombiano de Medicina Tropical ICMT, Sabaneta, Colombia

². Maestría en Epidemiología, Facultad de Medicina, Universidad CES, Medellín, Colombia

³. Universidad Autónoma de Barcelona, Barcelona, España

⁴. Facultades de Psicología, Enfermería y Medicina; Universidad CES, Medellín, Colombia

⁵. Instituto Colombiano de Medicina Tropical ICMT, Apartadó, Colombia

Introducción. El dengue es la arbovirosis humana más importante a nivel mundial. Sus manifestaciones clínicas tienen amplio espectro. Una parte de los pacientes progresa a enfermedad grave, caracterizada por el aumento de la permeabilidad vascular, las hemorragias y el compromiso de órganos. Entre los aspectos críticos de la atención del paciente está la falta de consulta oportuna, las fallas en el diagnóstico y las barreras de acceso a los servicios de salud. El 22,4 % de los casos fatales de dengue en Antioquia en el quinquenio en estudio procedía de Urabá y en el 2018 Turbo y Apartadó aportaron el 41,6 % del total de muertes del departamento.

Objetivo. Determinar los factores asociados con la letalidad por dengue en los municipios de Turbo y Apartadó de 2015 a 2019.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional retrospectivo longitudinal y analítico empleando la metodología de análisis de casos y controles.

Resultados. Se analizaron un total de 35 historias clínicas, 21 de dengue grave y 14 de mortalidad por dengue. La mitad de los fallecidos tenía 7 años o menos. Los casos de mortalidad presentaron un recuento mayor de leucocitos que aquellos de dengue grave ($p=0,02$). El 47 % de la mortalidad por dengue se explicó a partir de las variables de régimen de afiliación en salud, falta de seguimiento estricto del cuadro hemático y fallas en la administración de líquidos endovenosos.

Conclusión. Un adecuado seguimiento y tratamiento por parte del sistema médico, así como el reconocimiento oportuno de los signos de alarma, permiten una mejor sobrevida de los casos.

Palabras clave: mortalidad por dengue, dengue grave, arbovirosis.

Referencias

1. Ministerio de Salud y Protección Social. Guía para la Atención Clínica Integral del Paciente con Dengue. Fecha de consulta: 30 de mayo de 2020. Disponible en: <https://www.minsalud.gov.co/Documentos%20y%20Publicaciones/Gu%C3%ADa%20para%20la%20atenci%C3%B3n%20cl%C3%ADnica%20integral%20del%20paciente%20con%20dengue.pdf>
2. OMS. Dengue y dengue grave. Fecha de consulta: 15 de junio de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/es/news-room/fact-sheets/detail/dengue-and-severe-dengue>
3. Castrillón-Betancur JC, Urcuqui-Inchima S. Avances en la investigación del virus dengue en Colombia: papel de los microARNs celulares en la respuesta anti-dengue virus. Rev Chil Infectol. 2017;34:143-8.
4. Secretaría Seccional de Salud y Protección Social de Antioquia. Eventos en salud pública Fecha de consulta: 23 de junio de 2020. Disponible en: <https://www.dssa.gov.co/index.php/estadisticas/eventos-en-salud-publica>

Altitud y receptividad en la transmisión de malaria en Colombia

Julio C. Padilla¹, Andrea Elizabeth Paredes², Luis M. Acuña³, Mario J. Olivera⁴

¹ Red de Gestión de Conocimiento, Investigación e Innovación en Malaria, Bogotá D.C., Colombia

² Ministerio de Salud y Protección Social, Bogotá, D.C, Colombia

³ Grupo de Entomología, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud de Colombia INS, Bogotá D.C., Colombia.

⁴ Grupo de Parasitología, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud de Colombia, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. En Colombia la altitud es el parámetro ambiental esencial que define las condiciones de receptividad que favorecen la transmisión de la malaria y existen diferentes datos sobre la altitud máxima en que se produce dicha transmisión.

Objetivo. Determinar la distribución del área receptiva de transmisión de la malaria en el territorio nacional.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo en municipios situados a menos de 1.600 m s.n.m y de la transmisión de la malaria entre el 2010 y el 2019. Se definieron los criterios de transmisión activa, municipios receptivos, importación de casos y municipios receptivos sin transmisión, adaptados de la OPS/OMS. Se analizaron variables absolutas y relativas de población, municipios y tiempo aplicando los estadísticos indicados.

Resultados. El área receptiva de la malaria en Colombia la integran 749 municipios ubicados hasta los 1.600 m s.n.m. El 97 % (549.281 casos) de la transmisión malárica en el país se registra a menos de 800 m s.n.m, y el 73,5 % (7.299.657 habitantes) se encuentra en riesgo. El 100 % de los municipios con transmisión activa se encuentran ubicados entre los 0 y los 399 m s.n.m y el 53,4 % de los receptivos que importan casos se distribuyen entre los 400 y los 799 m s.n.m, principalmente en las regiones Andina y Caribe.

Conclusiones. Se evidenció que el nivel máximo de transmisión de la malaria en el país ocurre a menos de 1.600 m s.n.m. La población en riesgo del área es de 10.500.000 habitantes. Existe una distribución heterogénea de los municipios en las diferentes regiones ecoepidemiológicas.

Palabras clave: altitud; malaria; Colombia; estratos.

Referencias

1. Padilla J, Olivera MJ, Ahumada ML, Paredes AE. Malaria risk stratification in Colombia 2010 to 2019. PLoS ONE. 2021;16:e0247811. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0247811>
2. Padilla J, Uribe GÁ, Araújo RM, Chaparro P, Herrera S. Epidemiology and control of malaria in Colombia. Mem Inst Oswaldo Cruz. 2011;106:114-22. <https://doi.org/10.1590/s0074-02762011000900015>
3. Organización Panamericana de la Salud – Organización Mundial de la Salud. Manual de estratificación según el riesgo de malaria y eliminación de focos de transmisión, región de las Américas. Washington, D.C.: OPS-OMS; 2019. p. 62.
4. Siraj AS, Santos-Vega M, Bouma MJ, Yadeta D, Ruiz Carrascal D, Pascual M. Altitudinal changes in malaria incidence in highlands of Ethiopia and Colombia. Science. 2014;343:1154-8. <https://doi.org/10.1126/science.1244325>

Factores relacionados con la mortalidad en pacientes hospitalizados con HIV/sida en dos instituciones de alta complejidad en Pereira

Omar Fernando Bolaños, Julián Andrés Hoyos, José William Martínez
Universidad Tecnológica de Pereira, Pereira, Colombia

Introducción. La infección por HIV continúa siendo una problemática de salud pública. Pocos estudios evalúan los factores determinantes de supervivencia y mortalidad en pacientes hospitalizados.

Objetivos. Determinar las variables asociadas al HIV que impactan en la letalidad hospitalaria.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo de cohorte no concurrente. Se incluyeron pacientes con diagnóstico antiguo o nuevo de HIV que ingresaron entre el 2016 y el 2018 a dos centros de alta complejidad en la ciudad de Pereira, Colombia. Se excluyeron pacientes con datos incompletos, menores de 18 años y embarazadas. Se definieron 180 variables agrupadas en características sociodemográficas, clínicas, paraclínicas y causas de muerte. Se hizo el análisis univariado, el bivariado y uno multivariado. El resultado primario fue la muerte en función del tiempo.

Resultados. Se encontró que las variables con mayor asociación con la mortalidad fueron el ingreso por síntomas respiratorios o neurológicos, la epilepsia, la demencia de cualquier causa o asociada con el HIV, el valor de la AST en el ingreso, puntuaciones elevadas en el índice de Charlson y la intubación orotraqueal. Las variables que mayor peso estadístico presentaron al ser ajustadas por las demás fueron la demencia de cualquier causa o asociada al HIV, es decir, los pacientes con demencia de cualquier causa tenían 14,27 veces más riesgo de morir por día comparados con quienes no la padecían.

Conclusiones. Se determinaron condiciones asociadas con el HIV que aumentaron el riesgo de mortalidad hospitalaria; esto puede orientar modelos de atención y estrategias clínicas que aumenten la supervivencia en la población con HIV.

Palabras Clave: VIH; Sida; mortalidad hospitalaria; factores de riesgo; Colombia; demencia.

Referencias

1. Marcus JL, Chao CR, Leyden WA, Xu L, Quesenberry CP Jr., Klein DB, *et al.* Narrowing the Gap in Life Expectancy Between HIV-Infected and HIV-Uninfected Individuals With Access to Care. *J Acquir Immune Defic Syndr.* 2016;73:39-46.
2. Garriga C, García de Olalla P, Miro JM, Ocaña I, Knobel H, Barbera MJ, *et al.* Mortality, Causes of Death and Associated Factors Relate to a Large HIV Population-Based Cohort. *PLoS one.* 2015;10:e0145701.
3. Lohse N, Pedersen G. Survival of Persons with and without HIV Infection in Denmark 1995-2005. *Ann Intern Med.* 2007;88:10. Patterson S, Cescon A, Samji H, Chan K, Zhang W, Raboud J, *et al.* Life expectancy of HIV-positive individuals on combination antiretroviral therapy in Canada. *BMC Infect Dis.* 2015;15:274.
4. Kim JH, Pseudos G, Jr., Gonzalez E, Singh S, Kilayko MC, Sharp V. All-cause mortality in hospitalized HIV-infected patients at an acute tertiary care hospital with a comprehensive outpatient HIV care program in New York City in the era of highly active antiretroviral therapy (HAART). *Infection.* 2013;41:545-51.

Actividad antituberculosa de compuestos sintéticos derivados de chalconas y sulfonamidas frente a *Mycobacterium bovis* y *Mycobacterium tuberculosis*

Rosalía Seña¹, Daniel Fernando Insuasty², Gloria Mercedes Puerto³, Oscar Marino Vidal¹

¹ Departamento de Medicina, División Ciencias de la Salud, Universidad del Norte, Barranquilla, Colombia

² Departamento de Química y Biología, División de Ciencias Básicas, Universidad del Norte, Barranquilla, Colombia

³ Laboratorio de Micobacterias, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D. C., Colombia

Introducción. La tuberculosis es la primera causa de muerte en el mundo por un solo agente infeccioso. En el 2019 se le atribuyeron 1,2 millones de muertes y se reportaron 10 millones de casos incidentes, de los cuales 0,5 millones presentaban tuberculosis farmacorresistentes y solo el 38 % de estos recibió tratamiento y una respuesta exitosa en el 57 % de ellos. El tratamiento contra la tuberculosis se desarrolló hace más de 40 años, y hoy estos fármacos no son eficientes contra las cepas multirresistentes y extensamente resistentes debido a sus efectos secundarios y los altos costos. Por ello es indispensable buscar nuevas moléculas con potencial antituberculoso para el desarrollo de tratamientos eficaces contra cepas farmacorresistentes de *M. tuberculosis*.

Objetivo. Evaluar el potencial antituberculoso de compuestos sintéticos derivados de chalconas y sulfonamidas contra *M. bovis* y diferentes cepas de *M. tuberculosis*.

Materiales y métodos. Se evaluaron cinco compuestos sintéticos por el método Spoti, lo que permitió hallar la concentración mínima inhibitoria (CMI) de cada uno de los compuestos. Inicialmente los ensayos se realizaron con *M. bovis* y posteriormente en cepas de *M. tuberculosis*. De esta misma forma se evaluará la citotoxicidad de los compuestos con potencial antituberculoso a través del ensayo MTT en células Vero.

Resultados. Se han obtenido compuestos con una CMI menor a 10 μ M en las cepas estudiadas y se espera que no presenten efectos citotóxicos comprometedores.

Conclusión. Los híbridos de chalconas y sulfonamidas presentan actividad antituberculosa.

Palabras clave: concentración mínima inhibitoria; farmacorresistencia; tuberculosis; antituberculosis; chalconas; sulfonamidas.

Referencias

1. Churchyard GJ. A Short Regimen for Rifampin-Resistant Tuberculosis. *N Engl J Med.* 2019;380:1279-80. <https://doi.org/10.1056/NEJMe1902904>
2. Castaño L, Cuartas V, Bernal A, Insuasty A, Guzmán J, Vidal O, *et al.* New chalcone-sulfonamide hybrids exhibiting anticancer and antituberculosis activity. *Eur J Med Chem.* 2019;176:50-60. <https://doi.org/10.1016/j.ejmech.2019.05.013>
3. Conradie F, Diacon AH, Ngubane N, Howell P, Everitt D, Crook AM. Treatment of Highly Drug-Resistant Pulmonary Tuberculosis. *N Engl J Med.* 2020;382:893-902. <https://doi.org/10.1056/NEJMoa1901814>
4. Gómez VJ, Gómez AJ, Robledo J, Hernández JM. Resistencia a medicamentos en *Mycobacterium tuberculosis*: contribución de mecanismos constitutivos y adquiridos. *Rev Salud Pública.* 2018;20:491-7. <https://doi.org/10.15446/rsap.v20n4.50575>
5. World Health Organization. Global tuberculosis report. Geneva: WHO; 2020.

Epidemiología de la aspergilosis invasiva en un hospital de cuarto nivel en Bogotá, Colombia

Ana Goyeneche-García¹, Juan Rodríguez-Oyuela¹, Guillermo Sánchez², Carolina Firacative^{1,3}

¹ Semillero de investigación del Grupo MICROS, Escuela de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad del Rosario, Bogotá, D.C., Colombia

² Fundación Cardioinfantil, Bogotá, D.C., Colombia

³ Grupo de Estudios en Microbiología Traslacional y Enfermedades Emergentes MICROS, Escuela de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad del Rosario, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La aspergilosis invasiva es una micosis grave causada por especies del género *Aspergillus*. La infección afecta principalmente a pacientes inmunodeprimidos y representa un problema clínico significativo, pero los datos son escasos en Colombia.

Objetivo. Determinar las características clínicas y epidemiológicas de pacientes diagnosticados con la enfermedad en un hospital de cuarto nivel en Bogotá.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional retrospectivo en un solo centro con 34 pacientes hombres y 32 mujeres entre el mes y los 90 años de edad diagnosticados con aspergilosis invasiva probada (18,2 %), probable (74,2 %) y posible (7,6 %) a lo largo de 21 años.

Resultados. Las condiciones subyacentes más frecuentes fueron la quimioterapia (39,4 %), el uso de corticosteroides (34,8 %), la hipertensión (24,2 %) y la diabetes mellitus (19,7 %); 27 pacientes (40,9 %) tenían tres o más factores predisponentes. El pulmón fue el órgano más afectado (84,8 %). Las imágenes de tomografía computarizada (TC) reflejaron principalmente nódulos (57,6 %), consolidación (31,8 %) y opacidad en vidrio esmerilado (27,3 %); en 17 pacientes (25,8 %) hubo tres o más hallazgos en la TC. Se encontró una correlación positiva baja entre el galactomanano sérico y la duración de la estancia hospitalaria ($r = 0,33$; $r^2 = 0,009$; $p = 0,021$). *Aspergillus fumigatus* predominó (73,3 %) en los cultivos de esputo o lavado broncoalveolar. La mayoría de los pacientes fueron hospitalizados en piso (63,6 %) y tratados con voriconazol (80,3 %). La tasa de mortalidad fue de 15,2 %.

Conclusión. Se determinaron factores de riesgo comunes para la aspergilosis invasiva en una cohorte colombiana. Sin embargo, su frecuencia difiere de la de otras regiones, lo que confirma las diferencias epidemiológicas frente al desarrollo de la aspergilosis invasiva.

Palabras clave: *Aspergillus*, Colombia, epidemiología, aspergilosis, micología, factores de riesgo

Referencias

1. Latge JP, Chamilos G. *Aspergillus fumigatus* and Aspergillosis in 2019. Clin Microbiol Rev. 2019;33:e00140-18. <https://doi.org/10.1128/CMR.00140-18>
2. Álvarez-Moreno CA, Cortés JA, Denning DW. Burden of fungal infections in Colombia. J Fungi (Basel). 2018;4:41. <https://doi.org/10.3390/jof4020041>
3. Donnelly JP, Chen SC, Kauffman CA, Steinbach WJ, Baddley JW, Verweij PE, et al. Revision and update of the consensus definitions of invasive fungal disease from the European Organization for Research and Treatment of Cancer and the Mycoses Study Group Education and Research Consortium. Clin Infect Dis. 2019;71:1367-76. <https://doi.org/10.1093/cid/ciz1008>
4. Chakrabarti A, Chatterjee SS, Das A, Shivaprakash MR. Invasive aspergillosis in developing countries. Med Mycol. 2011;49 Suppl 1:S35-47.

Caracterización clínica y epidemiológica del Chagas agudo en la población pediátrica en el Hospital Regional de la Orinoquia, 2015-2020

Mónica Liseth Holguín¹, Lorena García¹, Ledmar Vargas¹, Sharon Medina², Nicolle Geraldine Gross

¹ Hospital Regional de la Orinoquia, Yopal, Colombia

² Universidad de Boyacá, Tunja, Colombia

Introducción. La enfermedad de Chagas producida por el protozoo *Trypanosoma cruzi* se considera un problema de salud pública en Latinoamérica. En Colombia Casanare es una región endémica por las características ecoepidemiológicas que favorecen su transmisión.

Objetivo. Describir la enfermedad de Chagas aguda en la población pediátrica en el Hospital Regional de la Orinoquia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo y retrospectivo en pacientes menores de 18 años con diagnóstico de Chagas atendidos en el periodo de 2015 a 2020. La enfermedad se clasificó con los códigos de la CIE 10 y las fichas de notificación de Sivegila. Posteriormente se revisaron las historias clínicas y se incluyeron aquellos que cumplían con los criterios diagnósticos para la fase aguda con base en la guía del Instituto Nacional de Salud.

Resultados. Se incluyeron 28 niños diagnosticados con Chagas aguda. El promedio de edad en el momento del diagnóstico fue de $6,98 \pm 5,4$. Predominó el sexo femenino (60,7 %). El municipio con mayor número de casos fue Yopal (39,3 %). El 43,2 % correspondió a pacientes asintomáticos y los síntomas más frecuentes fueron la fiebre (12,6 %) y el signo de Romana y la astenia (8,6 %). En febrero, junio y julio no se diagnosticó ningún caso durante los cinco años de estudio, y en marzo se diagnosticó el mayor número de casos.

Conclusiones. La fase aguda clínicamente evidente se presenta por lo general en niños menores de 10 años y en su mayoría con formas asintomáticas. El diagnóstico es complejo debido a la dinámica del parásito, por lo que la identificación oportuna mejora el curso clínico y evita complicaciones.

Palabras clave: enfermedad de Chagas; brotes de mal de Chagas; parásito; *Trypanosoma cruzi*.

Referencias

1. Rincón-Acevedo CY, Parada-García AS, Olivera MJ, Torres-Torres F, Zuleta-Dueñas LP, Hernández C, et al. Caracterización clínica y epidemiológica de la enfermedad de Chagas aguda en Casanare, oriente colombiano, 2012-2020. *Fronteras en Medicina*. 2021;8. <https://doi.org/10.3389/fmed.2021.681635>
2. Rassi A, Rassi Junior A, Rassi GG. Capítulo 13. Fase aguda. En: Brener Z, Andrade ZA, Barral-Netto M, editores. *Trypanosoma cruzi e doença de Chagas*. Segunda edición. Río de Janeiro: Guanabara Koogan; 2000. p. 229-45.
3. Organización Mundial de la Salud. La enfermedad de Chagas (Tripanosomiasis americana). Nota descriptiva N° 340. 2012. Fecha de consulta: 7 de agosto de 2021. Disponible en: [https://www.who.int/es/news-room/fact-sheets/detail/chagas-disease-\(american-trypanosomiasis\)](https://www.who.int/es/news-room/fact-sheets/detail/chagas-disease-(american-trypanosomiasis))
4. Guhl F. Epidemiología de la enfermedad de Chagas en Latinoamérica y Colombia. En: Rosas F, Vanegas D, Cabrales M, editores. *Enfermedad de Chagas*. Bogotá: Sociedad Colombiana de Cardiología y Cirugía Cardiovascular; 2007. p. 7-14.
5. Rosas AF. Enfermedad de Chagas. *Rev Colomb Cardiol*. 2011;18:241-4.

Moléculas peptídicas de inhibición contra el virus dengue diseñadas computacionalmente y evaluadas *in vitro*

Delia Piedad Recalde-Reyes^{1,2}, Carlos Andrés Rodríguez-Salazar^{1,2}, María Isabel Giraldo-Giraldo³, Jhon Carlos Castaño-Osorio¹

¹ Centro de Investigaciones Biomédicas, Facultad de Ciencias de la Salud, Universidad del Quindío, Colombia

² Laboratorio de Biología Molecular y Virología, Facultad de Ciencias Médicas y Ciencias de la Salud, Corporación Universitaria Empresarial Alexander Von Humboldt, Armenia, Colombia

³ Department of Microbiology and Immunology, University of Texas Medical Branch, Galveston, USA

Introducción. La infección por el virus del dengue está mediada por la interacción entre la proteína de envoltura del virus y los receptores celulares de las células hospedadoras.

Objetivo. Diseñar computacionalmente péptidos de inhibición de la interacción proteína-proteína dirigidos contra el dominio III de la envoltura de dengue virus 2 y evaluar su actividad antiviral en la invasión viral bajo la hipótesis de que los péptidos de inhibición de la interacción proteína-proteína diseñados contra el dominio III de la envoltura tienen un efecto sobre la invasión del virus dengue 2 *in vitro*.

Materiales y métodos. Se diseñaron computacionalmente modelos del dominio III de la proteína de envoltura viral del dengue virus 2 y los receptores celulares CD44, CD206 y CD209 empleando Cluspro 2.0 (<https://cluspro.bu.edu/login.php>); los péptidos de inhibición se diseñaron con Rosetta Online-Server (<http://rosie.rosettacommons.org/peptiderive>).

Resultados. Se obtuvieron cuatro péptidos candidatos para la inhibición, de los cuales uno demostró tener actividad antiviral *in vitro*; este péptido se derivó del receptor CD44, por lo que se denominó PD1 CD44, y no presentó hemólisis ni toxicidad en HepG2, Huh-7 ni BHK por debajo de 100 μ M, tuvo una IC50 de 13,82 μ M y una dosis efectiva máxima de 54,95 μ M. Tampoco se evidenció la liberación de interleucinas IL1 β , IL-6, TNF- α e IFN- γ en presencia de 50 μ M de PD1 CD44; la disminución de unidades formadoras de placa/mL(UFP/mL) fue de 99,60 % para el DENV1, 99,40 % para el DENV2, 97,80 % para el DENV3 y 70,50 % para el DENV4; los ensayos de RT-q PCR presentaron un comportamiento similar a la disminución de UFP/mL; los ensayos de competencia entre DN59, envoltura y el fragmento del dominio III de envoltura junto a PD1 CD44 demostraron que la interacción de estos péptidos lleva a la pérdida de su actividad antiviral.

Conclusión. Se planteó la unión de PD1 CD44 a la proteína de envoltura viral de los cuatro serotipos de dengue.

Palabras clave: péptidos; virus del dengue; proteínas del envoltorio viral.

Referencias

1. Cruz-Oliveira C, Freire JM, Conceição TM, Higa LM, Castanho MARB, Da Poian AT. Receptors and routes of dengue virus entry into the host cells. *FEMS Microbiol Rev.* 2015;39:155-70.
2. Doolittle JM, Gomez SM. Mapping protein interactions between dengue virus and its human and insect hosts. *PLoS Negl Trop Dis.* 2011;5:e954-69.
3. Chew MF, Poh KS, Poh CL. Peptides as therapeutic agents for dengue virus. *Int J Med Sci.* 2017;14:1342-59.
4. Kozakov D, Hall DR, Xia B, Porter KA, Pothorny D, Yueh C, *et al.* The ClusPro web server for protein-protein docking. *HHS Public Access.* 2018;12:255-78.
5. Lyskov S, Chou FC, Conchúir SÓ, Der BS, Drew K, Kuroda D, *et al.* Serverification of Molecular Modeling Applications: The Rosetta Online Server That Includes Everyone (ROSIE). *PLoS One.* 2013;8:5-7.

Caracterización poblacional del grupo clonal colombiano de *Neisseria meningitidis* ST-9493

Zonia Katerin Alarcón¹, Diego Andrés Prada¹, Jean Marc Gabastou², Olga Marina Sanabria¹, Carolina Duarte¹, Jaime Enrique Moreno¹

¹ Grupo de Microbiología, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia.

² Panamerican Health Organization/World Health Organization

Introducción. El secuenciotipo (ST) ST-9493 de *Neisseria meningitidis* fue identificado en Colombia en infecciones invasivas como meningitis y meningococemia.

Objetivo. Determinar la estructura poblacional de aislamientos invasores colombianos del grupo clonal ST-9493 descrito por primera vez en el país.

Materiales y métodos. Se analizaron 34 aislamientos invasores de *N. meningitidis* serogrupo B ST-9493 (n=27), incluidas sus variantes de un solo locus (SLV) (n=4) y de doble locus (DLV) (n=3), recuperados en la vigilancia nacional por laboratorio del Grupo de Microbiología del Instituto Nacional de Salud. Se secuenció el genoma completo mediante la tecnología Illumina MiSeq, se determinó la relación clonal mediante goeBURST, los secuenciotipos ribosomales (rST), penA y los principales antígenos mediante PubMLST. Se estableció la relación filogenética usando IQ_TREE.

Resultados. Por goeBURST, 31 aislamientos se agruparon clonalmente, y tres aislamientos DLV se clasificaron como singletones. Se identificaron 13 rSTs, y el rST-98571 fue el más prevalente (n=13). Los alelos y péptidos de tipificación más frecuentes fueron el porA 17 (90,3 %), el porB 44 (74,2 %), el fHbp 2.24 (45,1 %), el NHBA 10 (51,6 %) y el FetA F5-17 (74,2 %). Dieciséis (51,6 %) aislamientos presentaron péptidos con reactividad cruzada con blancos vacunales. Se identificaron 10 alelos penA no asociados con resistencia a penicilina. Filogenéticamente los aislamientos se relacionaron con el ST-136 del complejo clonal (CC) 41/44.

Conclusión. *N. meningitidis* de grupo clonal ST-9493 provienen del subfundador ST-136 asociado al CC41/44 y es endémico en el país; tiene potencial de divergencia y de generar nuevos STs; además, recientemente se ha reportado en Estados Unidos, lo que demuestra su capacidad de dispersión

Palabras clave: *Neisseria meningitidis*, serogrupo B; clon; secuenciación de genoma completo; tipificación multilocus de secuencias.

Referencias

1. Instituto Nacional de Salud. Informe de vigilancia por laboratorio de *Neisseria meningitidis*: «Colombia 1987-2018». Bogotá, D.C.:INS; 2019 p. 1-11.
2. Moreno J, Alarcón Z, Parra E, Duarte C, Sanabria O, Prada D, *et al.* Molecular characterization of *Neisseria meningitidis* isolates recovered from patients with invasive meningococcal disease in Colombia from 2013 to 2016. Line B, editor. PLOS One. 2020;15:e0234475.
3. Moreno J, Sanabria O, Saavedra S, Rodríguez K, Duarte C. Caracterización fenotípica y genotípica de *Neisseria meningitidis* serogrupo B aisladas en Cartagena, Colombia, 2012-2014. Biomédica. 2014;35:138-43. <https://doi.org/10.7705/biomedica.v35i1.2414>
4. Rodrigues CM, Jolley KA, Smith A, Cameron JC, Feavers IM, Maiden MCJ. Meningococcal Deduced Vaccine Antigen Reactivity (MenDeVAR) Index: a Rapid and Accessible Tool That Exploits Genomic Data in Public Health and Clinical Microbiology Applications. J Clin Microbiol. 2020;59:e02161-20. <https://doi.org/10.1128/JCM.02161-20>

Enfermedad diarreica aguda: análisis por sexo y edad de base de datos abierta en Perú, 2021

Reynaldo Mauricio Rodríguez¹, Nuria Rakel Reynaga²

¹ Investigador independiente, Bucaramanga, Colombia

² Investigador independiente, Cusco, Perú

Introducción. La enfermedad diarreica aguda (EDA) sigue siendo una enfermedad con alta prevalencia a nivel mundial y un problema de salud pública en Latinoamérica. Además, no hay cifras relacionadas con la EDA en población adulta.

Objetivo. Determinar tendencias por sexo y edad en la EDA en la base de datos abierta del Ministerio de Salud del Perú en los primeros ocho meses del 2021.

Materiales y métodos. Se hizo un análisis descriptivo de 63.901 registros y se verificó que existiera el código entre el A00 y A09 según la clasificación de la CIE10. La base de datos se descargó en Excel y luego se exportó a STATA.

Resultados. El promedio de edad fue de 23,8 años (desviación estándar de 22,8), el 50,4 % correspondió a mujeres. El grupo de edad con mayor prevalencia fue de 0 a 4 años (27,3 %), seguido del grupo de 18 a 39 años (24,5 %) y de 40 a 59 años (15 %). En los menores de 10 años la proporción de EDA fue mayor en los niños que en las niñas por un poco más del 5 %. Sin embargo, a partir de los 18 años las mujeres afectadas fueron más que los hombres.

Conclusión. Las cifras de EDA aún siguen siendo preocupantes, especialmente en los grupos de edad más vulnerables. Llamó la atención el comportamiento desigual de la EDA por sexo durante la niñez y a partir de la juventud.

Palabras clave: diarrea; enfermedades gastrointestinales; enfermedad diarreica aguda.

Referencias

1. Global Burden of Diarrhoeal Diseases Collaborators. Estimates of global, regional, national morbidity, mortality, and aetiologies of diarrhoeal diseases: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2015. *Lancet Infect Dis.* 2017;17:909-48.
2. Herrera-Benavente IF, Comas-García A, Mascareñas-De Los Santos AH. Impacto de las enfermedades diarreicas agudas en América Latina. Justificación del establecimiento de un Comité de Enfermedades Diarreicas en SLIPE. *Revista Latinoamericana de Infectología Pediátrica.* 2018;31:8-16.
3. Hidrogo-Cabrera JC, Hoyos-León TE. Factores asociados al uso de antibióticos en diarreas agudas de niños menores de 5 años. Análisis de la ENDES 2019. Tesis. Lambayeque: Universidad Nacional Pedro Ruiz Gallo; 2021.
4. Acuña R. Diarrea aguda. *Revista Médica Clínica Las Condes.* 2015;26:676-86.

Caracterización clínica, geográfica y epidemiológica del dengue en una institución de mediana y alta complejidad en Tuluá, región endémica del Valle del Cauca, 2018-2020

Sandra Milena Gómez¹, Juan Sebastián Henao², Freddy Humberto Díaz¹, Angélica Sánchez¹

¹ Dirección Científica, Clínica San Francisco, Tuluá, Colombia

² Facultad de Ciencias de la Salud, Unidad Central del Valle del Cauca, Tuluá, Colombia

Introducción. El dengue es la enfermedad viral transmitida por mosquitos más importante en seres humanos. El Valle del Cauca es una de las zonas endémicas del país.

Objetivo. Hacer la caracterización clínica, geográfica y epidemiológica de una población en riesgo proveniente del centro y norte del Valle.

Materiales y métodos. La caracterización epidemiológica se hizo en la Clínica San Francisco (Tuluá) empleando la base de datos del Sivigila entre el 2018 y el 2020. De revisaron las historias clínicas para obtener información más precisa.

Resultados. Durante el periodo 1.102 personas consultaron y en el 59 % se confirmó el diagnóstico de dengue; de estos, el 20,9 % se clasificó sin signos de alarma y el 37 % con signos de alarma; fue hospitalizado el 86 %, el 13% se atendió ambulatoriamente y un caso fue remitido, en tanto que seis se clasificaron como graves (0,05 %). La mayoría procedía de Tuluá, seguido de municipios como Andalucía y Buga, entre otros, el 91 % provenía de la cabecera municipal. En cuanto al estrato socioeconómico, un 57 % era de estratos 1 y 2; el 38 % de los estratos 3 y 4 y el 5 % de los estratos 5 y 6. No se registraron muertes y los grupos de edad de infancia, adolescencia y primera infancia fueron los más afectados con 31 %, 24 % y 14 %, respectivamente.

Conclusiones. El dengue con signos de alarma fue el más frecuentemente reportado en esta Clínica y afectó primordialmente a infantes y adolescentes, la mayoría provenientes de la cabecera municipal y de los estratos 1 y 2. Se deben promover estrategias de prevención y educación en las comunidades afectadas.

Palabras claves: dengue; epidemiología; morbilidad.

Referencias

1. OPS/OMS. Actualización Epidemiológica Dengue 2020. <https://bit.ly/2Pes0li%0Ahttps://bit.ly/2Pes0li%0Awww.paho.org>
2. Rather IA, Parray HA, Lone JB, Paek WK, Lim J, Bajpai VK, *et al.* Prevention and Control Strategies to Counter Dengue Virus Infection. *Front Cell Infect Microbiol.* 2017;7:336. <https://doi.org/10.3389/fcimb.2017.00336>
3. Castrillon JC, Castaño JC, Urcuqui S. Dengue en Colombia: diez años de evolución. *Rev Chil Infectol.* 2015;32:142-9.
4. OPS/OMS. Guías Para la Atención de Enfermos en la Región de las Américas, 2015. <https://iris.paho.org/handle/10665.2/28232?locale-attribute=es>

Barreras y elementos facilitadores en el cumplimiento de las guías de dengue por parte del personal de salud de Urabá. Informe de avance

Margarita Arboleda¹, Dayana Montoya², Catalina Urrego³, Katherine Monsalve⁴, Katherine Marín⁵, Santiago Alberto Morales⁶, Paola Astrid Ríos¹, Luisa Consuelo Rubiano¹

¹ Instituto Colombiano de Medicina Tropical ICMT, Apartadó, Colombia

² Clínica Chinita, Instituto Colombiano de Medicina Tropical ICMT, Apartadó, Colombia

³ Facultad de Medicina, Universidad CES, Medellín, Colombia

⁴ Maestría en Epidemiología, Universidad CES, Medellín, Colombia

⁵ Instituto Colombiano de Medicina Tropical ICMT, Sabaneta, Colombia

⁶ Facultades de Psicología, Enfermería y Medicina, Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. El dengue representa un problema de salud pública en la región de Urabá donde en el 2018 se registró el 46,1 % de las muertes del departamento de Antioquia, superando la tasa de incidencia promedio departamental. En el 80 % de estos casos hubo demoras relacionadas con la atención en salud y, por lo tanto, incumplimiento de los lineamientos de la guía de dengue.

Objetivo. Detectar las barreras y facilitadores en el cumplimiento de la guía de atención integral de dengue por parte del personal de salud de Urabá.

Materiales y métodos. Se trató de una investigación de implementación con énfasis en estrategias dialógicas e interactivas, y análisis mediante matrices que permiten la comparación y contrastación.

Resultados. En un cuestionario estructurado respondido por 40 participantes, el 65,8 % consideró que la guía era coherente con la evidencia, y el 39 % la usaba regularmente. A nivel individual, solo el 41,5 % consideró que estuviera articulada con las rutas de atención integral (RIAS); el 70 % planteó que la referencia y contrarreferencia de pacientes entre los diferentes niveles de atención no era efectiva; el 83 % señaló que no había recursos ni incentivos suficientes para garantizar el cumplimiento de la guía y el 51,3 % de los funcionarios reclamó cambios organizacionales.

Conclusión. En la guía de dengue hay elementos facilitadores como la claridad, la accesibilidad y la calidad de la evidencia. Las barreras principales se relacionaron con las interacciones profesionales, la referencia y la contrarreferencia, los recursos necesarios para adaptarse institucionalmente, la debilidad de la articulación entre la guía y las RIAS, así como el desconocimiento de las recomendaciones para el paciente y la comunidad.

Palabras claves: dengue; guía de práctica clínica; cumplimiento; Urabá.

Referencias

1. Ministerio de Salud y Protección Social. Guía para la Atención Clínica Integral del Paciente con Dengue. Fecha de consulta: 30 de mayo de 2020. Disponible en: <https://www.minsalud.gov.co/Documentos%20y%20Publicaciones/Gu%C3%ADa%20para%20la%20atenci%C3%B3n%20cl%C3%ADnica%20integral%20del%20paciente%20con%20dengue.pdf>
2. Secretaría de Salud y Protección Social de Antioquia. Estadísticas vitales. Mortalidad Enfermedades transmitidas por vectores por subregión/municipio 2005-2020. Fecha de consulta: 30 de mayo de 2020. Disponible en: <https://www.dssa.gov.co/index.php/estadisticas/mortalidad>
3. Flottorp SA, Oxman AD, Krause J, Musila NR, Wensing M, Godycki-Cwirko M, *et al*. A checklist for identifying determinants of practice: A systematic review and synthesis of frameworks and taxonomies of factors that prevent or enable improvements in healthcare professional practice. *Implement Sci.* 2013;8:35.
4. Proctor EK, Powell BJ, McMillen JC. Implementation strategies: recommendations for specifying and reporting. *Implement Sci.* 2013;8:139.

Competencia vectorial de cepas de *Aedes aegypti* resistentes a lambdacialotrina para la transmisión de los virus dengue-2, chikungunya y Zika en Colombia

Idalba Mildred Serrato^{1,2}, Diana Carolina Moreno^{1,2}, Paola Andrea Caicedo³, Yenifer Orobio⁴, Clara Beatriz Ocampo⁴, Ronald Yesid Maestre⁵, Dioselina Peláez⁶, Martha Liliana Ahumada¹

¹ Grupo de Entomología, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

² Fundación Salutia, Bogotá, D.C., Colombia

³ Universidad ICESI, Cali, Colombia

⁴ Centro Internacional de Entrenamiento e Investigaciones Médicas-CIDEIM, Cali, Colombia

⁵ Universidad Simón Bolívar, Barranquilla, Colombia

⁶ Grupo de Virología, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. En diversos estudios se ha demostrado que la resistencia a insecticidas tiene efecto sobre la competencia vectorial de los mosquitos.

Objetivo. Evaluar el efecto del incremento gradual de la resistencia a lambdacialotrina y la presencia de la mutación *kdr* V1016I, asociada con la resistencia a este insecticida, en la competencia vectorial de *Ae. aegypti* para dengue-2, chikungunya y Zika.

Materiales y métodos. Tres cepas de *Ae. aegypti* con resistencia gradual a lambdacialotrina (sensible, resistente, altamente resistente) se infectaron con los virus dengue-2, chikungunya y Zika. Cada mosquito se evaluó para detectar la infección en el intestino medio y las glándulas salivares utilizando RT-PCR y se hizo la genotipificación para la mutación V1016I utilizando una PCR específica para alelo.

Resultados. En los virus Zika y dengue-2 se observó un aparente incremento de la tasa de diseminación (TD) y la tasa de infección en glándulas salivares (TIG) al incrementarse la resistencia a lambdacialotrina. Sin embargo, únicamente en el Zika se encontraron diferencias significativas entre las cepas de los mosquitos. En el chikungunya, los bajos valores de TD y TIG no permitieron determinar el efecto de la resistencia. A pesar del aumento de la frecuencia del alelo I1016 al incrementarse la resistencia a lambdacialotrina, no se observó efecto de los genotipos de la mutación V1016I en la competencia vectorial de *Ae. aegypti* para dengue-2 y Zika.

Conclusión. Las cepas de *Ae. aegypti* resistentes a lambdacialotrina presentaron una mayor competencia vectorial para Zika como resultado del incremento en la TD y la TIG. La presencia de la mutación V1016I en las cepas resistentes no mostró efecto en el incremento de la competencia vectorial del virus.

Palabras clave. *Aedes aegypti*; competencia vectorial; virus dengue-2; virus Zika; virus chikungunya; resistencia a insecticidas; Colombia.

Referencias

1. Alout H, Ndam NT, Sandeu MM, Djégbé I, Chandre F, Dabiré RK, *et al.* Insecticide resistance alleles affect vector competence of *Anopheles gambiae* s.s. for *Plasmodium falciparum* field isolates. *PLoS One*. 2013;8:e63849. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0063849>
2. Atyame CM, Alout H, Mousson L, Vazeille M, Diallo M, Weill M, *et al.* Insecticide resistance genes affect *Culex quinquefasciatus* vector competence for West Nile virus. *Proc Biol Sci*. 2019;286:20182273. <https://doi.org/10.1098/rspb.2018.2273>
3. Chen TY, Smartt CT, Shin D. Permethrin Resistance in *Aedes aegypti* Affects Aspects of Vectorial Capacity. *Insects*. 2021;12:71. <https://doi.org/10.3390/insects12010071>
4. Kabula B, Tungu P, Rippon EJ, Steen K, Kisinza W, Magesa S, *et al.* A significant association between deltamethrin resistance, *Plasmodium falciparum* infection and the Vgsc-1014S resistance mutation in *Anopheles gambiae* highlights the epidemiological importance of resistance markers. *Malar J*. 2016;15:289. <https://doi.org/10.1186/s12936-016-1331-5>
5. Tchouakui M, Chiang MC, Ndo C, Kuicheu CK, Amvongo-Adjia N, Wondji MJ, *et al.* A marker of glutathione S-transferase-mediated resistance to insecticides is associated with higher *Plasmodium* infection in the African malaria vector *Anopheles funestus*. *Sci Rep*. 2019;9:5772. <https://doi.org/10.1038/s41598-019-42015-1>

Cytotoxic evaluation of ivermectin on the LLC-MK2 cell line

Taylor H. Díaz^{1,2}, Aura Rengifo¹, Diego Alejandro Álvarez¹, Ericsson Coy-Barrera², Jorge Rivera¹, María Leonor Caldas¹

¹ Grupo de Morfología Celular, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

² Laboratorio de Química Bioorgánica, Grupo InQuiBio, Universidad Militar Nueva Granada, Cajicá, Colombia

Introduction. Ivermectin (IVM), isolated from *Streptomyces avermectinius*, is classified in the family of macrocyclic lactones. The medication has an unprecedented broad spectrum against parasites and it is used mainly as anti-helminthic. Besides, it has shown antiviral activity and it has been proposed as a potential candidate in the treatment of COVID-19. On the other hand, toxicological and genotoxic profiles have been related to this drug, but the effects on the viral load or in patients are unknown.

Objective. To evaluate the cytotoxic effect of ivermectin and characterize the morphological changes on LLC-MK2 cells treated with this drug.

Materials and methods. LLC-MK2 cells were exposed to ivermectin (400 – 0.39 µg/mL) for 8 days. After this time of exposure, we determined the cytotoxicity by MTT and trypan blue assays. We calculated the percentages of cell viability and CC50 values for each assay and we also evaluated the morphological alterations of cells treated with this drug using light microscopy.

Results. The concentrations ≤ 0.78 µg/mL showed the least cytotoxic effect in both assays. The concentrations ≥ 1.56 µg/mL reduced the cell viability below 50%. Treated cells showed morphological alterations characterized by rounding shapes, monolayer discontinuity, loss of cell-cell adhesion, restricted spreading patterns, and cell debris.

Conclusions. IVM showed a cytotoxic spectral in mammalian cells related to cell death and alterations on the monolayer morphology. These results suggest a possible effect of high concentrations of the drug on a cell model.

Keywords: Ivermectin, cytotoxicity, cell viability, cell morphology, SARS-CoV-2.

References

1. Molinari G, Soloneski S, Reigosa MA, Larramendy ML. In vitro genotoxic and cytotoxic effects of ivermectin and its formulation ivomec® on Chinese hamster ovary (CHO K1) cells. J Hazard Mater. 2009;165:1074-82. <https://doi.org/10.1016/j.jhazmat.2008.10.083>
2. Gupta D, Sahoo AK, Singh A. Ivermectin : potential candidate for the treatment of Covid 19. Brazilian J Infect Dis. 2020;24:369-71. <https://doi.org/10.1016/j.bjid.2020.06.002>
3. Rajter JC, Sherman MS, Fattah N, Vogel F, Sacks J, Rajter JJ. Use of ivermectin is associated with lower mortality in hospitalized patients with coronavirus disease 2019: the ivermectin in COVID nineteen study. Chest. 2021;159:85-92. <https://doi.org/10.1016/j.chest.2020.10.009>
4. Caly L, Druce JD, Catton MG, Jans DA, Wagsta KM. The FDA-approved drug ivermectin inhibits the replication of SARS-CoV-2 in vitro. Antiviral Res. 2020;178:104787. <https://doi.org/10.1016/j.antiviral.2020.104787>

Diseño computacional de un péptido que se une específicamente al glicolípido fenólico-1 de *Mycobacterium leprae*

Nelson Enrique Arenas¹, Gilles Pieffet², Martha Inírida Guerrero¹

¹ Hospital Universitario Centro Dermatológico Federico Lleras Acosta, Bogotá, D.C., Colombia

² Departamento de Física, Universidad de los Andes, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. *Mycobacterium leprae*, el agente causal de la enfermedad de Hansen, usa el glicolípido fenólico-1 (PGL-1) para ingresar a las células de Schwann^{1,2} y causar el daño neural a través de la interacción con la laminina-2.

Objetivo. Diseñar un péptido basado en el dominio LamG de laminina-2 dirigido al PGL-1 de *M. leprae*.

Materiales y métodos. Se obtuvo la secuencia de la subunidad alfa-2 de laminina humana (acceso: P24043) en UniProt y se diseñó un péptido específico utilizando la base de datos de péptidos antimicrobianos (APD3). Se usó el servidor I-TASSER para predecir la estructura tridimensional y Autodock Vinna y Visual Molecular Dynamics para evaluar la afinidad de unión y las interacciones específicas de los péptidos Vs. PGL-1 obtenido de PubChem (CID: 45480571).

Resultados. Se obtuvo un péptido candidato con base en la subunidad alfa-2 de laminina humana. El péptido diseñado formó cuatro láminas beta y se localizó en vecindad con un dominio LamG. Este péptido presentó una proporción hidrófoba del 45 % y 22 residuos hidrófobos expuestos en la misma superficie. Los resultados del acoplamiento mostraron que el péptido se une específicamente contra PGL-1 con un alto potencial de afinidad de -10,2 Kcal/mol. Asimismo, mostró similitud con 11 péptidos antimicrobianos de tipo halocina eficaces contra patógenos Gram positivos y Gram negativos.

Conclusión. El péptido dirigido a PGL-1 de *M. leprae* podría tener un potencial terapéutico y diagnóstico en pacientes con enfermedad de Hansen. Además, sugiere un posible sitio de unión del PGL-1 a la laminina de las células de Schwann.

Palabras clave: lepra; *Mycobacterium leprae*; análisis de secuencias de proteína; péptidos catiónicos antimicrobianos; diseño de fármacos.

Referencias

1. Ng V, Zanazzi G, Timpl R, Talts JF, Salzer JL, Brennan PJ, *et al.* Role of the cell wall phenolic glycolipid-1 in the peripheral nerve predilection of *Mycobacterium leprae*. *Cell*. 2000;103:511-24. [https://doi.org/10.1016/S0092-8674\(00\)00142-2](https://doi.org/10.1016/S0092-8674(00)00142-2)
2. Madigan CA, Cambier CJ, Kelly-Scumpia KM, Scumpia PO, Cheng TY, Zailaa J, *et al.* A macrophage response to *Mycobacterium leprae* phenolic glycolipid initiates nerve damage in leprosy. *Cell*. 2017;170:973-85. <https://doi.org/10.1016/j.cell.2017.07.030>
3. Wang G, Li X, Wang Z. APD3: the antimicrobial peptide database as a tool for research and education. *Nucleic Acids Research*. 2016;44:D1087-93. <https://doi.org/10.1093/nar/gkv1278>
4. Chaves LL, Patriota Y, Soares-Sobrinho JL, Vieira A, Lima S, Reis S. Drug delivery systems on leprosy therapy: Moving towards eradication? *Pharmaceutics*. 2020;12:1202. <https://doi.org/10.3390/pharmaceutics12121202>

Seropositividad de *Brucella canis* determinada mediante inmunocromatografía de flujo lateral en perros asintomáticos en Bogotá (Colombia)

Isabel Sofía Sandoval^{1,3}, Alejandro Castellanos², Diana María Herrera¹, Angélica María Barbosa¹, Rodrigo Forero¹, José Luis Rodríguez^{3,4}

¹ Facultad de Medicina Veterinaria, Fundación Universitaria Agraria de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

² Consultoría, Investigación y Diagnóstico Agropecuario – CIDAGRO, Bogotá, D.C., Colombia

³ Facultad de Medicina Veterinaria y de Zootecnia, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

⁴ Programa de Pós-Graduação em Ciências Veterinárias, Universidade Federal Rural do Rio de Janeiro, Seropédica, Rio de Janeiro, Brasil

Introducción. El creciente número de hogares bogotanos en los que las personas conviven con por lo menos un perro constituye una situación de salud pública que exige analizar la frecuencia de infecciones por agentes zoonóticos como *Brucella canis*.

Objetivo. Establecer la frecuencia de inmunoglobulina G (IgG) contra *B. canis* en sueros de pacientes caninos asintomáticos para brucelosis canina.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte transversal; se seleccionaron 100 sueros de perros procedentes de áreas urbanas de Bogotá mediante muestreo aleatorio por conveniencia a partir de las muestras remitidas a un laboratorio de diagnóstico veterinario. Los sueros se analizaron para la detección de IgG contra *B. canis* mediante un ensayo inmunocromatográfico (Bionote, Inc.; Anigen Rapid Test KitTM, Gyeonggi-do, Corea) con 90,0 % y 90,1 % de sensibilidad y especificidad, respectivamente, comprado con la prueba de referencia. La información de cada paciente se tabuló en Microsoft ExcelTM y se analizó mediante SPSS® (IBM SPSS Statistics for Windows, Version 26.0. Armonk, NY: IBM Corp) para establecer la asociación entre las variables de interés y la frecuencia de seroconversión.

Resultados. La frecuencia general de *B. canis* fue de 9,0 % (9/100). No se encontró asociación entre las diferentes variables evaluadas y la frecuencia de seropositividad.

Conclusión. El resultado de esta encuesta serológica en pacientes asintomáticos respalda la necesidad de incluir pruebas de tamizaje para *B. canis* en los exámenes médicos de rutina de los perros de compañía en Bogotá.

Palabras clave: zoonosis; anticuerpos; serología; brucelosis; perros.

Referencias

- Chinyoka S, Dhliwayo S, Marabini L, Dutlow K, Matope G, Pfukenyi D. Serological survey of *Brucella canis* in dogs in urban Harare and selected rural communities in Zimbabwe. J S Afr Vet Assoc. 2014;85:e1-e5. <https://doi.org/10.4102/jsava.v85i1.1087>
- Laverde A, Restrepo D, Hernández D, Rodríguez J, Sandoval I. Seroprevalence of *Brucella canis* in canines from a dog shelter in Bogotá, Colombia. Biomédica. 2021;29:260-70. <https://doi.org/10.7705/biomedica.5409>
- Lucero N, Corazza R, Almuzara M, Reynes E, Escobar G, Boeri E, Ayala S. Human *Brucella canis* outbreak linked to infection in dogs. Epidemiol Infect. 2010;138:280-5. <https://doi.org/10.1017/S0950268809990525>
- Santos R, Souza T, Mol J, Eckstein C, Paixão T. Canine Brucellosis: An Update. Front Vet Sci. 2021;8:1-17. <https://doi.org/10.3389/fvets.2021.594291>
- Schmitt D, Guerra M, Slavinski S. Human *Brucella canis* Infection and Subsequent Laboratory Exposures Associated with a Puppy, New York City, 2012. Zoonoses Public Health. 2015;62:407-14. <https://doi.org/10.1111/zph.12163>

Evaluación de extractos de plantas nativas de Nuevo León, México, y su efecto anti-*Trypanosoma*

Gabriel Enrique Cázares, Zinnia Judith Molina, Lucio Galaviz

Facultad de Ciencias Biológicas, Universidad Autónoma de Nuevo León, San Nicolás De los Garza, Nuevo León, México

Introducción. La enfermedad de Chagas, ocasionada por el parásito *Trypanosoma cruzi*, es de interés en salud pública en Latinoamérica. Su esquema epidemiológico es complicado debido a su sintomatología y la diversidad de genotipos de los parásitos, además de las complicaciones y efectos adversos que ocasionan los tratamientos actuales. No existe una vacuna para tratarla, por lo que es necesario diseñar estrategias para tratar la enfermedad, entre ellas, el uso de extractos de plantas.

Objetivo. Evaluar extractos de plantas con actividad tripanosomicida.

Materiales y métodos. Se evaluaron diferentes plantas endémicas de México y nativas de Nuevo León a partir de una extracción del tipo Soxhlet con solventes metanólicos y acuosos con los que se obtuvieron diferentes porcentajes de rendimiento. Los extractos se evaluaron frente al estadio epimastigote de *T. cruzi*. El ensayo biológico consistió en obtener los porcentajes de mortalidad, así como las concentraciones letales 50 (CL50) de los extractos.

Resultados. Se registraron diferentes porcentajes de rendimiento de los diferentes extractos en un rango de 20 a 30 %; las CL50 oscilaban entre los 300 y los 1.200 µg/mL.

Conclusión. Se obtuvieron tanto los rendimientos como las concentraciones letales de plantas endémicas del estado de Nuevo León frente a epimastigotes de *T. cruzi*.

Palabras clave: Chagas; extractos; *Trypanosoma cruzi*; tripanosomicida; parásito; concentraciones letales.

Referencias

1. Al-Musayeb NM, Mothana RA, Al-Massarani S, Matheussen A, Cos P, Maes L. Study of the in vitro antiplasmodial, antileishmanial and antitrypanosomal activities of medicinal plants from Saudi Arabia. *Molecules*. 2012;17:11379-90.
2. Echavarría B, Franco A, Martínez A. Evaluación de la actividad antioxidante y determinación del contenido de compuestos fenólicos en extractos de macroalgas del Caribe colombiano. *Vitae*. 2009;16:126-31.
3. Mathew NS, Negi PS. Plant-derived compounds against protozoan neglected diseases: toward sustainable drug development. En: *Discovery and Development of Therapeutics from Natural Products Against Neglected Tropical Diseases*. Elsevier. 2019.
4. Muñoz-López de Bustamante F. *Plantas medicinales y aromáticas: estudio, cultivo y procesado*. España: Mundi-prensa, 2002.
5. Ohashi M, Amoa-Bosompem M, Kwofie KD, Agyapong J, Adegle R, Sakyamah MM, et al. In vitro antiprotozoan activity and mechanisms of action of selected Ghanaian medicinal plants against *Trypanosoma*, *Leishmania*, and *Plasmodium* parasites. *Phytotherapy Research*. 2018;32:1617-30.

Incidencia de la tuberculosis latente en la unidad de atención de personas indigentes del área metropolitana de Guadalajara, México

Gerardo Cazarez¹, Jaime Palomares¹, Sergio Yair Rodríguez², Ana Laura Pereira¹, Iván Isidro Hernández¹

¹ Departamento de Microbiología y Patología, Centro Universitario de Ciencias de la Salud, Universidad de Guadalajara, Guadalajara, México

² Departamento de Ciencias de la Salud, Centro Universitario de los Valles, Universidad de Guadalajara, Ameca, México

Introducción. En la tuberculosis latente no hay signos ni síntomas clínicos. Se ha observado que las personas que están en contacto continuo con pacientes con tuberculosis activa tienen un mayor riesgo de contraer la enfermedad. Varios factores aumentan el riesgo de infección y progresión a tuberculosis activa: 1) las condiciones de hacinamiento, 2) la pobreza, 3) la desnutrición, 4) las coinfecciones, y 5) la diabetes.

Objetivo. Determinar la incidencia de tuberculosis latente en personas vulnerables que acuden a la unidad de atención de personas indigentes.

Materiales y métodos. Los sujetos de estudio se reclutaron (n=100) respetando las consideraciones éticas, con la firma de un consentimiento informado, y con la aprobación del Comité de Ética y Bioseguridad de la institución (CUCS/CINV/248/18). Los pacientes fueron diagnosticados con tuberculosis latente mediante el ensayo de liberación de interferón gamma (IGRA)5, y se usó QuantiFERON-TB Gold Plus (QFT-Plus) (QIAGEN, Hilden, ALEMANIA) para medir las respuestas a los antígenos peptídicos ESAT-6 y CFP-10.

Resultados. Se analizaron cien personas atendidas en la unidad de atención para personas indigentes del área metropolitana de Guadalajara, México; 46 sujetos fueron positivos para IGRA; de los 46, 12 eran mujeres y 34 hombres, con un promedio de edad de 58,6 años (desviación estándar: 14,5).

Conclusión. La incidencia de tuberculosis latente fue del 46 %: Estos resultados indican que las personas que viven en hacinamiento y pobreza y sufren desnutrición tienen un alto riesgo de contagiarse y desarrollar tuberculosis activa en algún punto de su vida, con la consecuente continuación de la cadena de transmisión.

Palabras clave: indigentes; hacinamiento; tuberculosis latente.

Referencias

1. Baker M, Das D, Venugopal K, Howden-Chapman P. Tuberculosis associated with household crowding in a developed country. *J Epidemiol Community Health.* 2008;62:715-21.
2. Aguilera XP, González C, Najera-De Ferrari M, Hirmas M, Delgado I, Olea A, *et al.* Tuberculosis in prisoners and their contacts in Chile: Estimating incidence and latent infection. *Int J Tuberc Lung Dis.* 2016;20:63–70.
3. Bell LCK, Noursadeghi M. Pathogenesis of HIV-1 and *Mycobacterium tuberculosis* co-infection. *Nat Rev Microbiol.* 2018;16:80–90. <https://doi.org/10.1038/nrmicro.2017.128>
4. Jeon CY, Murray MB. Diabetes mellitus increases the risk of active tuberculosis: A systematic review of 13 observational studies. *PLoS Med.* 2008;5:1091–101.
5. Pourakbari B, Mamishi S, Benvari S, Mahmoudi S. Comparison of the QuantiFERON-TB Gold Plus and QuantiFERON-TB Gold In-Tube interferon- γ release assays: a systematic review and meta-analysis. *Adv Med Sci.* 2019;64:437-43.

Evaluación de una emulsión de perfluorooctil-bromuro en el crecimiento *in vitro* de bacterias Gram negativas resistente a antibióticos

Fredy Leonardo Carreño^{1,2,3}, Maritza Torres¹, Jairo Alejandro Gitan^{1,2,3}, Linamarcela Beltrán¹, Heydys Paola Martínez¹, Juan Carlos Briceño², Adriana Marcela Celis¹

¹ Grupo de Investigación Celular y Molecular de Microorganismos Patógenos, Universidad de los Andes, Bogotá, D.C., Colombia

² Grupo de Investigación en Ingeniería Biomédica, Universidad de los Andes, Bogotá, D.C., Colombia

³ Fundación Santa Fe de Bogotá, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Las bacterias Gram negativas han desarrollado resistencia a los antibióticos y se han convertido en un problema de salud pública. La Organización Mundial de la Salud (OMS) ha priorizado la búsqueda de nuevas alternativas antimicrobianas, entre ellas, el perfluorooctil-bromuro (PFOB), un transportador artificial de oxígeno con actividad bacteriostática *in vitro* frente a *Pseudomonas aeruginosa*. Sin embargo, se desconoce el efecto del PFOB emulsificado (PFOBe).

Objetivo. Evaluar el efecto del PFOBe sobre el crecimiento de bacterias Gram negativas resistentes a antibióticos.

Materiales y métodos. Se hicieron ensayos de tiempo de muerte y se evaluó la actividad del meropenem, la gentamicina, el PFOBe y estos combinados frente a las cepas *Klebsiella pneumoniae* ATCC BAA-2814, *P. aeruginosa* CeMoP 501 (resistentes a carbapenémicos y gentamicina, respectivamente), *K. pneumoniae* ATCC 70063 y *P. aeruginosa* ATCC 27853 (cepas de control). Posteriormente, se hizo un recuento por plaqueo con la técnica de microspot a los 0, 15, 30, 45, 60, 120, 180, 240, 300 y 360 minutos del ensayo. Además, se evaluaron cambios de diámetro en las gotas de PFOBe por dispersión dinámica de luz.

Resultados. En las cuatro cepas evaluadas se observó que el PFOBe tenía un efecto bacteriostático y, combinado con los antibióticos, una posible sinergia. Asimismo, se evidenció un aumento del diámetro en las gotas de PFOBe al interactuar con la cepa *K. pneumoniae* ATCC BAA-2814, sin que afectara la estabilidad del PFOBe.

Conclusiones. Se evidenció que el PFOBe puede inhibir los microorganismos estudiados sin cambios drásticos en la estabilidad de la emulsión.

Palabras claves: resistencia a fármacos antibacterianos; perfluorocarbono; emulsión; bacterias Gram negativas; *Pseudomonas aeruginosa*, *Klebsiella pneumoniae*.

Referencias

- Morris S, Cerceo E. Trends, Epidemiology, and Management of Multi-Drug Resistant Gram-Negative Bacterial Infections in the Hospitalized Setting. *Antibiotics* (Basel). 2020;9:196 <https://doi.org/10.3390%2Fantibiotics9040196>
- Tacconelli E, Carrara E, Savoldi A, Harbarth S, Mendelson M, Monnet DL, *et al.* Discovery, research, and development of new antibiotics: the WHO priority list of antibiotic-resistant bacteria and tuberculosis. *Lancet Infect Dis*. 2018;18:318-27. [https://doi.org/10.1016/S1473-3099\(17\)30753-3](https://doi.org/10.1016/S1473-3099(17)30753-3)
- Castro CI, Briceño JC. Perfluorocarbon-based oxygen carriers: Review of products and trials. *Artificial Organs*. 2010;34:622-34. <https://doi.org/10.1111/j.1525-1594.2009.00944>
- Jung R, Pendland SL, Martin SJ. Combined bactericidal activity of perfluorooctyl bromide and aminoglycoside against *Pseudomonas aeruginosa*. *Journal of Antimicrobial Chemotherapy*, 2002;50:939-44. <https://doi.org/10.1093/jac/dkf226>
- Thomas P, Sekhar AC, Upreti R, Mujawar MM, Pasha SS. Optimization of single plate-serial dilution spotting (SP-SDS) with sample anchoring as an assured method for bacterial and yeast CFU enumeration and single colony isolation from diverse samples. *Biotechnology Reports*. 2015;8:45-55. <https://doi.org/10.1016/j.btre.2015.08.003>

Compuestos orgánicos volátiles (COV) producidos por especies de *Malassezia* en fase exponencial y estacionaria

Andrea Ríos-Navarro¹, Mabel González², Chiara Carazzone², Adriana Marcela Celis¹

¹ Grupo de Investigación Celular y Molecular de Microorganismos Patógenos, Universidad de los Andes, Bogotá, D. C., Colombia

² Laboratorio de Técnicas Analíticas Avanzadas en Productos Naturales, Universidad de los Andes, Bogotá, D. C., Colombia

Introducción. *Malassezia* sintetiza compuestos orgánicos volátiles (COV), pequeñas moléculas que fácilmente pasan a estado gaseoso y se dispersan en el ambiente y que están implicadas en procesos de comunicación intraespecie e interespecies. Estas levaduras dependientes de lípidos hacen parte de la microbiota de la piel de humanos y animales, y se han asociadas a enfermedades dermatológicas. A pesar de su importancia y de su papel en procesos de interacción, el conocimiento acerca de la producción de estos compuestos en *Malassezia* es limitado.

Objetivos. Determinar los COV de *M. globosa*, *M. restricta* y *M. sympodialis* en las fases de crecimiento exponencial y estacionario, y comprender el papel que tienen en el metabolismo de *Malassezia*.

Materiales y métodos. Los compuestos fueron separados y caracterizados en cada fase mediante microextracción en fase sólida en modo espacio de cabeza (HS-SPME) y cromatografía de gases acoplada a espectrometría de masas (GC/MS).

Resultados. Se identificaron 73 compuestos y se clasificaron como alcoholes, cetonas, tioles, ésteres, alcanos y alquenos. Se determinaron compuestos asociados con procesos de interacción como el butan-1-ol, el 2-metilbutan-1-ol, el 3-metilbutan-1-ol y el 2-metilpropan-1-ol. Las especies evaluadas exhibieron un perfil de volátiles diferencial en el que por lo menos tres compuestos fueron producidos por una única especie en cada fase, lo que sugiere diferencias metabólicas entre las especies. Los análisis estadísticos indicaron que la especie y la fase de crecimiento determinaron el perfil de volátiles en *Malassezia* spp.

Conclusión. *Malassezia* exhibió un perfil volátil diferencial en dos fases de crecimiento. Estos compuestos podrían estar involucrados en procesos de interacción o tener un papel en su comportamiento patogénico.

Palabras clave: compuestos orgánicos volátiles (COVs); *Malassezia*; *M. globosa*; *M. restricta*; *M. sympodialis*; procesos de interacción; perfil volátil; fase de crecimiento.

Referencias

- González M, Celis AM, Guevara-Suárez MI, Molina J, Carazzone C. Yeast Smell Like What They Eat: Analysis of Volatile Organic Compounds of *Malassezia furfur* in Growth Media Supplemented with Different Lipids. *Molecules*. 2019;24:419
- Bennett JW, Hung R, Lee S, Padhi S. Fungal and bacterial volatile organic compounds: An overview and their role as ecological signaling agents. *Fungal Associations*. 2012;9:373–93.
- Schmidt R, Etalo DW, de Jager V, Gerards S, Zweers H, de Boer W, Garbeva P. Microbial small talk: Volatiles in fungal–bacterial interactions. *Frontiers in Microbiology*. 2016;6:1–12
- Celis AM, Wösten HA, Triana S, Restrepo S, de Cock H. *Malassezia* spp. beyond the mycobiota. *SM Dermatology Journal*. 2017;3:1019.
- Vijaya-Chandra SH, Srinivas R, Dawson TL, Common JE. Cutaneous *Malassezia*: Commensal, Pathogen, or Protector?. *Frontiers in Cellular and Infection Microbiology*. 2021;10:869.

Distribución geoespacial de linajes de *Mycobacterium tuberculosis* circulantes en Norte de Santander, Colombia

Diana Patricia Bohada^{1,2}, Elkin Raúl Gomez¹, Raúl Rodríguez¹, Karen Dayana Bravo¹, Martha Inírida Guerrero³

¹. Universidad de Pamplona, Pamplona, Colombia

². Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

³. ESE Centro Dermatológico Federico Lleras Acosta, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La tuberculosis es un problema de salud pública importante. Norte de Santander registró en el 2019 una incidencia de 35,8 casos por 100.000 habitantes. El desconocimiento de la distribución geográfica de los casos ocasiona inequidad en la aplicación de políticas de salud.

Objetivo. Implementar una estrategia de localización geoespacial de nuevos casos de tuberculosis que conjuntamente con la genotipificación permitirá identificar áreas geográficas prioritarias para su control y vigilancia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte transversal entre el 2015 y el 2018 para detectar, genotipificar y georreferenciar los casos de tuberculosis de pacientes reportados por la ESE HUEM de Cúcuta. Las herramientas utilizadas fueron ArcGIS® para determinar los sitios de puntos calientes y *spoligotyping* para la genotipificación.

Resultados. Se incluyeron 215 casos provenientes de 15 municipios del departamento. Mediante *spoligotyping* se encontraron 135 aislamientos con patrones SIT de linaje en las familias BEIJING, HARLEM, LAM T, U y X reportados en SpolDB4; el 34,8 % correspondió a cepas huérfanas, posiblemente autóctonas; el 49,08 % de los casos pertenecía a las comunas 6, 7, 8 y 9 del municipio de Cúcuta, áreas caracterizadas por ser de expansión y conurbación donde se presentan los mayores índices de asentamientos ilegales, de riesgo de inundación y de derrumbes.

Conclusión. Por primera vez se estableció la ubicación geográfica de los casos de tuberculosis en Norte de Santander, así como aspectos claves como la distribución por género, los ciclos vitales y los indicadores de prevalencia combinados con información sobre la diversidad genética de las cepas, relevante en el sentido de su dispersión y circulación.

Palabras clave: tuberculosis; georreferenciación; *spoligotyping*; sistema de información geográfica.

Referencias

1. Organización Panamericana de la Salud. Tuberculosis en las Américas. Informe regional 2019. Washington, D.C.: OPS; 2020. <https://doi.org/10.37774/9789275322734>
2. Instituto Nacional de Salud. BES Semana epidemiológica 52 de 2019. Bogotá, D.C.: Instituto Nacional de Salud; 2019
3. Rotela CH, Moral M. Epidemiología panorámica: introducción al uso de herramientas geoespaciales aplicadas a la salud pública. 1a ed. Ciudad Autónoma de Buenos Aires: Ministerio de Salud; 2014.

Proteínas recombinantes de *Entamoeba histolytica* patógena para la detección del parásito

Adriana Arévalo, Sofía Duque, María Teresa Herrera

Grupo de Parasitología, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. El protozoo *Entamoeba histolytica* causa amebiasis intestinal y extraintestinal y es morfológicamente indistinguible de especies no patógenas como *E. dispar*. *E. histolytica* patógena puede detectarse mediante ELISA utilizando antígenos recombinantes y con pruebas rápidas. Sin embargo, la sensibilidad y especificidad de varias de ellas varían, pues algunas detectan hasta el género pero no la especie, lo cual es esencial para administrar el tratamiento correcto y adelantar intervenciones de salud pública.

Objetivo. Desarrollar un método para la expresión de proteínas recombinantes de *E. histolytica* patógena a partir de un estudio computacional.

Materiales y métodos. Se utilizaron bacterias *E. coli* BL21 DE3 transformadas con plásmido pEh diseñado teniendo en cuenta proteínas específicas del parásito. Se cultivaron en medio Terrific que contenía etanol. Se hizo inducción en presencia de IPTG y para la expresión de la proteína se obtuvieron fracciones solubles e insolubles de la proteína después de la lisis, el lavado y la diálisis de las bacterias. Se inmunizaron conejos y se purificaron los anticuerpos policlonales con sulfato de amonio y ácido caprílico.

Resultados. Con la verificación por SDS-PAGE se detectó la proteína (banda de 118kDa) pEh y al confrontarla con los anticuerpos policlonales se comprobó la unión antígeno-anticuerpo.

Conclusiones. Esta metodología servirá para la detección de antígenos de *E. histolytica* patógena en muestras de materia fecal y en suero en los casos de amebiasis extraintestinal.

Palabras claves: *Entamoeba histolytica*; proteínas recombinantes; anticuerpos.

Referencias

1. Santos HL, Peralta RH, de Macedo HW, Barreto MG, Peralta JM. Comparison of multiplex-PCR and antigen detection for differential diagnosis of *Entamoeba histolytica*. *Braz J Infect Dis*. 2007;11:365-70. <https://doi.org/10.1590/s1413-86702007000300013>
2. Moreno-González PA, Díaz GJ, Ramírez-Hernández MH. Producción y purificación de anticuerpos aviares (IgYS) a partir de cuerpos de inclusión de una proteína recombinante central en el metabolismo del NAD⁺. *Revista Colombiana de Química*. 2013;42.
3. Saidin S, Othman N, Noordin R. Update on laboratory diagnosis of amoebiasis. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*. 2019;38:15-38. <https://doi.org/10.1007/s10096-018-3379-3>

Barreras y elementos facilitadores en la apropiación de una estrategia comunitaria para la prevención del dengue en Urabá

Santiago Alberto Morales¹, Keiver Darío Cardona², Paola Astrid Ríos³, Margarita Arboleda³, Katerine Marín⁴, Luisa Consuelo Rubiano³

¹ Facultades de Psicología, Enfermería y Medicina, Universidad CES, Medellín, Colombia

² Maestría en Salud Pública, Universidad CES, Medellín, Colombia

³ Instituto Colombiano de Medicina Tropical ICMT, Apartado, Colombia

⁴ Instituto Colombiano de Medicina Tropical ICMT, Sabaneta, Colombia

Introducción. El dengue es una arbovirosis que constituye un problema de salud pública en América. Entre el 2017 y el 2019 se presentó un aumento inusitado de casos graves y fatales, lo que llevó a implementar estrategias para mitigarlo y prevenirlo sin lograr una reducción significativa. El vector transmisor es *Aedes aegypti*, que se propaga rápidamente en zonas tropicales y subtropicales y en áreas urbanas, semiurbanas y rurales en el domicilio y peridomicilio. En áreas endémicas, las comunidades tienen conocimientos básicos sobre la infección, pero se resisten al cambio de los comportamientos de riesgo y exhiben una falta de compromiso para asumir medidas preventivas.

Objetivo. Detectar las barreras y elementos facilitadores de apropiación comunitaria de las estrategias para la prevención del dengue en Urabá.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio cualitativo con énfasis en estrategias dialógicas e interactivas; el análisis se realizó a través de matrices que permitieron la comparación y la contrastación.

Resultados. Se reconoció el dengue como una enfermedad transmitida por un mosquito; a pesar de conocer las estrategias para su prevención, estas no funcionan debido a las barreras existentes: la normalización de la enfermedad; la falta de recursos para el autocuidado; la ausencia de acciones preventivas bien financiadas y las pocas acciones para la prevención y su falta de continuidad.

Conclusión. Debe diseñarse una estrategia comunitaria de prevención que articule a pobladores y entes territoriales, en especial los de la salud, para lograr más efectividad a mediano plazo. Debe involucrarse a la población joven, pues puede tener una mayor apropiación y generar conciencia y capacidad de autocuidado desde los ámbitos personal, familiar y social.

Palabras clave: dengue; prevención y control; participación comunitaria.

Referencias

1. OPS, OMS. Dengue. 2019. Fecha de consulta: 10 de junio de 2019. Disponible en: https://www.paho.org/hq/index.php?option=com_topics&view=article&id=1&Itemid=40734&lang=es
2. OMS. Dengue: Guías para el diagnóstico, tratamiento, prevención y control. Geneva: WHO; 2017. Fecha de consulta: 5 de junio de 2019. Disponible en: https://www.who.int/denguecontrol/resources/dengue_guidelines_2009/es/
3. Arboleda M, Campuzano M, Restrepo BN, Cartagena G. Caracterización clínica de los casos de dengue hospitalizados en la E. S. E. Hospital Antonio Roldán Betancur, Apartadó, Antioquia, Colombia, 2000. Biomédica. 2006;26:286-94. <https://doi.org/10.7705/biomedica.v26i2.1418>
4. Velásquez LC, Quintero J, García T, González C, Fuentes M. Operación de las políticas gubernamentales para la prevención y el control del dengue: el caso de Arauca y Armenia. Biomédica. 2015;35:186-95. <https://doi.org/10.7705/biomedica.v35i2.2332>
5. Maestre-Serrano RY, Pacheco-Lugo L, Salcedo-Mendoza S. Índices de infestación aedica e identificación de conocimientos, actitudes y práctica sobre dengue en llanterías del Departamento del Atlántico, Colombia. Rev Salud Pública. 2016;17:738-48.

Revisión descriptiva de aplicaciones para dengue en dispositivos móviles

Ana María Corrales¹, Julián Eduardo Betancur¹, Brayan Esteban Galvis-Ríos¹, Marco Tulio Canizales², Alberto Campo², Jenniffer A. Castellanos-Garzón³, Andrés Rey-Piedrahita³, Juan Sebastián Henao-Agudelo²

¹ Facultad de Ciencias de la Educación, Unidad Central del Valle del Cauca, Tuluá, Colombia

² Facultad de Ciencias de la Salud, Unidad Central del Valle del Cauca, Tuluá, Colombia

³ Facultad de Ingeniería, Unidad Central del Valle del Cauca, Tuluá, Colombia

Introducción. El dengue es una enfermedad viral grave. Cerca de 500 millones de personas en América están en riesgo de infección y las políticas públicas en salud no han sido eficaces para detener el aumento de la enfermedad. Las aplicaciones móviles se han convertido en un mecanismo para la divulgación masiva de la información, incluida la prevención y el tratamiento del dengue.

Objetivo. Hacer una revisión descriptiva y crítica de las aplicaciones móviles relacionadas con el dengue en diferentes sistemas operativos.

Materiales y métodos. Se revisaron aplicaciones móviles en las tiendas virtuales de cada uno de los sistemas operativos utilizando los descriptores dengue, mosquito y *Aedes aegypti*.

Resultados. Preliminarmente se encontraron 50 aplicaciones, de las cuales el 41 % era de carácter informativo, el 37 % de juegos, el 14 % de juegos educativos, educación y medicina, el 6 % de salud y bienestar y el 1 % herramientas gubernamentales. Además, el 86 % de las aplicaciones era monolingüe, el 8 %, bilingüe y el 6 %, multilingüe.

Conclusiones. Las aplicaciones encontradas se caracterizaron por dar información poco exacta con respecto a la enfermedad, el vector y la prevención. La gran mayoría tenían pocas descargas, reseñas insuficientes e interfaces no interactivas. La ausencia de aplicaciones bilingües demuestra un alcance poco internacional; llama la atención la gran variedad de juegos que no plantean procesos educativos y preventivos para la población en riesgo. Por último, se desconoce el impacto del uso de las aplicaciones en las comunidades vulnerables en regiones endémicas de Colombia.

Palabras claves: dengue; aplicaciones móviles; educación; *Aedes aegypti*; promoción de la salud; prevención y tratamiento.

Referencias

1. Babu AN, Niehaus E, Shah S, Unnithan C, Ramkumar PS, Shah J, *et al.* Smartphone geospatial apps for dengue control, prevention, prediction, and education: MOSapp, DISapp, and the mosquito perception index (MPI). *Environ Monit Assess.* 2019;191(Suppl 2):1-17. <https://doi.org/10.1007/s10661-019-7425-0>
2. Betancur-Agudelo JE, Murcia-Peña N. Los propósitos y métodos de investigación de la inclusión en educación: algunos desplazamientos. *Bol Redipe.* 2021;10:51-70.
3. Rodríguez AP, Macedo MC, Cavalcanti Coutinho T, de Lacerda Vidal CF, Gomes Netto Monte da Silva M. DZC DIAG: mobile application based on expert system to aid in the diagnosis of dengue, Zika, and chikungunya. *Medical & Biological Engineering & Computing.* 2020; 8:2657–72. <https://doi.org/10.1007/s11517-020-02233-6>

Efectos de la luz azul de alta intensidad y la luz UV en el crecimiento de aislamientos clínicos corneales de *Neocosmospora* sp *in vitro*

María Fernanda Lozano, Valeri Andrea Sáenz, Adriana Marcela Celis

Grupo Celular y Molecular de Organismos Patógenos, Departamento de Microbiología, Universidad de los Andes, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La queratitis fúngica afecta a la población rural en zonas tropicales; un inadecuado manejo o demora en el diagnóstico produce secuelas como la ceguera o la pérdida ocular. En este contexto, la inactivación fotodinámica con luz azul se ha planteado como una alternativa viable de control de esta enfermedad.

Objetivo. Evaluar el efecto de la luz azul de alta intensidad en comparación con la luz UV en el crecimiento de *N. solani*, *N. keratoplastica*, *N. falciformis* y *Fusarium oxysporum* en un modelo *in vitro*.

Materiales y métodos. Se sometieron suspensiones de esporas de cuatro aislamientos de tejido corneal y dos controles de los géneros *Fusarium* y *Neocosmospora* a un tratamiento con luz LED azul (50W, 405nm) o luz UV (30W, 375nm). Se evaluaron el crecimiento radial, el porcentaje de formación de colonias y los cambios a nivel morfológico.

Resultados. No se presentó un efecto generalizado de la luz azul y la luz UV en el crecimiento radial, siendo este un efecto dependiente de la especie y la procedencia del aislamiento. Por otro lado, la luz azul tuvo un efecto negativo en la conidiciación de *N. solani* y *N. keratoplastica*. Únicamente en el aislamiento de control de *N. solani* se presentaron variaciones en la pigmentación y la morfología de las estructuras microscópicas expuestas a la luz.

Conclusión. La luz azul y la luz UV no presentaron un efecto generalizado en el crecimiento radial, la morfología de las colonias o las estructuras microscópicas de especies del género *Neocosmospora*.

Palabras clave: úlcera corneal; *Fusarium*; *Neocosmospora*; fotobiomodulación, terapia.

Referencias

1. Brown L, Leck AK, Gichangi M, Burton MJ, Denning DW. The global incidence and diagnosis of fungal keratitis. *Lancet Infect Dis* 2020;3099:1-9. [https://doi.org/10.1016/S1473-3099\(20\)30448-5](https://doi.org/10.1016/S1473-3099(20)30448-5)
2. Khater MM, El-Shorbagy MS, Selima AA. Argon laser photocoagulation versus intrastromal voriconazole injection in treatment of mycotic keratitis. *Int J Ophthalmol* 2016;9:225–9. <https://doi.org/10.18240/ijo.2016.02.07>
3. Velmurugan P, Lee YH, Venil CK, Lakshmanaperumalsamy P, Chae J-C, Oh B-T. Effect of light on growth, intracellular and extracellular pigment production by five pigment-producing filamentous fungi in synthetic medium. *J Biosci Bioeng* 2010;109:346–50. <https://doi.org/10.1016/j.jbiosc.2009.10.003>
4. Canessa P, Schumacher J, Hevia MA, Tudzynski P, Larrondo LF. Assessing the Effects of Light on Differentiation and Virulence of the Plant Pathogen *Botrytis cinerea*: Characterization of the White Collar Complex. *PLoS One* 2013;8:e84223. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0084223>

Exploración de la relación entre los índices espectrales NDVI, EVI y NDWI y la distribución de vectores de arbovirosis en tres municipios del departamento del Cauca, Colombia, 2021

María Camila Lesmes^{1,2}, Carlos Andrés Morales³, Erika Santamaría¹, José Alejandro Salamanca², Olga Patricia Fuya⁴, Horacio Cadena⁵, Catalina Marceló¹

¹ Grupo de Entomología, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

² Universidad de Ciencias Aplicadas y Ambientales U.D.C.A, Bogotá, D.C., Colombia

³ Secretaría de Salud Departamental del Cauca, Popayán, Colombia

⁴ Grupo de Entomología, Dirección de Redes en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

⁵ Programa de Estudio y Control de Enfermedades Tropicales PECET, Medellín, Colombia

Introducción. Los índices espectrales resaltan en el territorio elementos como la vegetación y la humedad, importantes en el estudio de insectos vectores de arbovirus.

Objetivo. Aplicar índices espectrales para el análisis de la distribución espacial de mosquitos vectores de arbovirus en el área urbana de tres municipios del Cauca.

Materiales y métodos. Se hizo el muestreo de mosquitos con aspirador Prokopack entre las 8:00 y las 17:00 horas en 593 viviendas (197 en Patía, 216 en Miranda y 180 en Piamonte). Se evaluó la existencia de conglomerados de las especies de mosquitos mediante el análisis de densidad Kernel. Se calcularon el NDVI, el EVI y el NDWI mediante imágenes satelitales de la misión Sentinel 2A.

Resultados. Se recolectaron 1.393 mosquitos (*Culex quinquefasciatus*, 73 %; *Aedes aegypti*, 24 % y *A. albopictus*, 3 %). El NNI fue menor a uno ($p < 0,005$; z-score: $< -2,58$) para *C. quinquefasciatus* y *A. aegypti*, lo que indica un patrón agregado en su distribución. Los valores de NDVI oscilaron entre -0,13 y 0,92. Los mayores valores de EVI y NDWI se encontraron en el municipio de Piamonte. Se observó una correlación directa moderada entre los índices espectrales y la densidad de mosquitos por manzana.

Conclusión. La relación entre los índices espectrales y la distribución espacial de los mosquitos en el área de estudio evidenció que la mayor cobertura vegetal y mayor humedad en plantas y suelos se asoció con una mayor densidad de mosquitos, lo cual puede estar relacionado con la disponibilidad de criaderos y sitios de reposo para las especies registradas.

Palabras clave: análisis espacial; Colombia; dengue; mosquitos vectores; salud pública; tecnología de sensores remotos.

Referencias

1. Arboleda S, Jaramillo-O N, Peterson AT. Mapping Environmental Dimensions of Dengue Fever Transmission Risk in the Aburrá Valley, Colombia. *Int J Environ Res Public Health*. 2009;6:3040–55. <https://doi.org/10.3390/ijerph6123040>
2. Cabezas L, Cabanzo W, Santa F, Olano VA, Sarmiento D, Vargas S, et al. Distribución espacial de *Aedes aegypti* (Diptera: Culicidae) en el área rural de dos municipios de Cundinamarca, Colombia. *Biomédica*. 2017;37:41-9. <https://doi.org/10.7705/biomedica.v34i2.3469>
3. Estallo EL, Sangermano F, Grech M, Ludueña-Almeida F, Frías-Céspedes M, Ainete M, et al. Modelling the distribution of the vector *Aedes aegypti* in a central Argentine city. *Med Vet Entomol*. 2018;32:451-61. <https://doi.org/10.1111/mve.12323>
4. Meza-Ballesta A, Gónima L. Influencia del clima y de la cobertura vegetal en la ocurrencia del dengue (2001-2010). *Rev Salud Pública*. 2014;16:293-306. <https://doi.org/10.15446/rsap.v16n2.38146>

Caracterización ambiental y sociodemográfica del dengue en Popayán, 2016-2020

Neyl Camilo Sánchez¹, Carlos Felipe Arteaga¹, Christian Adolfo Gonzáles¹, María Isabel Echeverri², Luis Reinel Vásquez¹

¹. Universidad del Cauca, Popayán, Colombia

². Secretaría de Salud de Popayán, Cauca, Colombia

Introducción. Colombia es uno de los países en América más afectado por el dengue, debido, quizás, al aumento poblacional, la distribución del zancudo *Aedes*, y las variaciones climáticas (temperatura y precipitación), lo que lo convierte en un problema de salud pública prioritario.

Objetivo. Describir la relación entre variables ambientales y sociodemográficas del dengue en el municipio de Popayán entre el 2016 y el 2020.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, descriptivo, retrospectivo en el municipio de Popayán a partir del número de casos diagnosticados y reportados al Instituto Nacional de Salud. Las variables climáticas de temperatura y precipitación se obtuvieron del Instituto de Hidrología, Meteorología y Estudios Ambientales en el mismo periodo. Se hizo un análisis univariado y uno multivariado según las características de las variables.

Resultados. Se registraron 146 casos, 55,5 % de ellos con signos de alarma y 44,5 % sin estos. La media mensual de casos fue de 2,4, la mayoría en el 2016 y el 2020. La edad promedio fue de 28,45 años, siendo el 57 % menor de 27. El 52,1 % pertenecía al régimen subsidiado. Las temperaturas más altas registradas fueron 26,4 y 26,0 °C, lo que coincidió con los periodos de mayor número de casos.

Conclusiones. Los resultados evidencian que hay una población en riesgo ubicada en centros urbanos que pertenece al régimen subsidiado de salud. Se evidenció que el grupo poblacional principalmente afectado fue el de jóvenes menores de 27 años. Además, se observó un 33,3 % de personas con signos de alarma que no fueron hospitalizadas y un aumento de temperatura en los picos de infección.

Palabras clave: dengue; clima; temperatura; epidemiología; precipitación atmosférica.

Referencias

1. Gutiérrez-Barbosa H, Medina-Moreno S, Zapata J, Chua J. Dengue Infections in Colombia: Epidemiological Trends of a Hyperendemic Country. *Trop Med Infect Dis.* 2020;5:156. <https://doi.org/10.1590/S0102-311X2012001100018>
2. Peña-García V, Triana-Chávez O, Arboleda-Sánchez S. Estimating Effects of Temperature on Dengue Transmission in Colombian Cities. *Annals of Global Health.* 2017;83:509–18. <http://doi.org/10.1016/j.aogh.2017.10.011>
3. Ordóñez-Sierra G, Sarmiento-Senior D, Jaramillo-Gómez J, Giraldo P, Porras-Ramírez A, Olano V. Multilevel analysis of social, climatic and entomological factors that influenced dengue occurrence in three municipalities in Colombia. *One Health.* 2021;12:100234. <https://doi.org/10.1016/j.onehlt.2021.100234>
4. Fagundes Gomes A, Araújo Nobre A, Gonçalves Cruz O. Temporal analysis of the relationship between dengue and meteorological variables in the city of Rio de Janeiro, Brazil, 2001-2009. *Cad. Saúde Pública.* 2012;28: 2189-97. <https://doi.org/10.1590/S0102-311X2012001100018>
5. Organización Mundial de la Salud. Actualización epidemiológica: dengue y otras arbovirosis. Fecha de consulta: 10 de junio de 2020. Disponible en: <https://www.paho.org/es/documentos/actualizacion-epidemiologica-dengue-otras-arbovirosis-10-junio-2020>

Revisión histórica de registros de vectores de malaria (*Culicidae*: *Anopheles*) en la región ecoepidemiológica del Caribe colombiano

Luis M. Acuña¹, Mario J. Olivera², Julio C Padilla³

¹ Grupo de Entomología, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

² Grupo de Parasitología, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

³ Red de Gestión de Conocimiento, Investigación e Innovación en Malaria, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. La región ecoepidemiológica del Caribe es un área receptiva endémica de muy baja intensidad de transmisión de malaria. Aunque existen condiciones de receptividad que favorecen la presencia de vectores *Anopheles*, sus registros son escasos y dispersos en el tiempo.

Objetivo. Describir a partir de registros históricos disponibles entre 1900 y 2020 los reportes de vectores principales y secundarios de malaria en la región Caribe.

Materiales y métodos. Se hizo una revisión de registros entomológicos utilizando como criterios de búsqueda: “Anopheles”, “Departamento” “Archipiélago de San Andrés, Providencia y Santa Catalina”, “Atlántico”, “Bolívar”, “Cesar” “Magdalena”, “La Guajira”, “Sucre” “Caribe” “Colombia”. Los registros se obtuvieron de repositorios físicos, digitales y de la base de datos *Global Biodiversity Information Facility* (GBIF). Se construyó una base de datos en Microsoft Excel – Office® con las variables año de registro, tipo de registro o publicación, entre otras. Se utilizó estadística descriptiva para el análisis de los hallazgos.

Resultados. Se obtuvieron 101 registros de la búsqueda: 51 registros en la literatura y 50 en la GBIF. Los departamentos con más registros de especies de *Anopheles* fueron Magdalena, Atlántico, La Guajira y Bolívar. Los vectores primarios registrados fueron *Anopheles albimanus*, *An. darlingi* y *An. nuneztovari* y los vectores secundarios *An. pseudopunctipennis* y *An. punctimacula*.

Conclusiones. Existe evidencia histórica de la presencia de vectores primarios y secundarios transmisores de malaria en la región del Caribe colombiano desde comienzos del siglo XX. Los resultados obtenidos contribuirán al fortalecimiento de la vigilancia entomológica en la región y la definición de líneas de investigación.

Palabras claves: malaria; registros; *Culicidae*; *Anopheles*; región del Caribe; Colombia.

Referencias

1. Padilla J, Acuña L, Olivera MJ. Estratificación del riesgo de transmisión malárica en la región Caribe colombiana. *Rev Avances en Salud*. 2021;5:22-3. <https://doi.org/10.21897/25394622.2538>
2. Acuña L, Padilla J, Olivera MJ. Epidemiología de malaria en la región Caribe colombiana, 1950-2019. *Rev Avances en Salud*. 2021;5:24-5. <https://doi.org/10.21897/25394622.2539>
3. Harbach RE. Genus *Anopheles* Meigen, 1818. Mosquito Taxonomic Inventory. Fecha de consulta: 31 de agosto de 2021. Disponible en: <http://mosquito-taxonomic-inventory.info/simpletaxonomy/term/6047>
4. Ministerio de Salud Pública. Plan de Erradicación de la Malaria Volumen I y II Servicio Nacional de Erradicación de la Malaria SEM. Bogotá: Ministerio de Salud Pública: 1957.
5. Olano V, Brochero H, Sáenz R, Quiñones M, Molina J. Mapas preliminares de la distribución de especies de *Anopheles* vectores de malaria en Colombia. *Biomédica*. 2001;21:402-8.
6. Montoya-Lerma J, Solarte YA, Giraldo-Calderón GI, Quiñones ML, Ruiz-López F, Wilkerson RC. Malaria vector species in Colombia: a review. *Mem Inst Oswaldo Cruz*. 2011;106:223-238. <https://doi.org/10.1590/s0074-02762011000900028>

Evaluación de la interacción molecular entre proteínas del neurodesarrollo prenatal y proteínas de replicación del ZIKV

Alicia Alejandra Rosales-Munar, Aura Caterine Rengifo-Castillo, Orlando Torres-Fernández
Grupo de Morfología Celular, Dirección de Investigación en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. El virus Zika (ZIKV) infecta principalmente a las células progenitoras neuronales y puede desregular la expresión de genes del neurodesarrollo. Se ha evidenciado que el ARN del ZIKV interactúa con la proteína Musashi-1 para promover su replicación viral, por lo tanto, es de gran interés evaluar si existen interacciones entre las proteínas de replicación NS4A y NS5 del ZIKV y proteínas cruciales para el neurodesarrollo (DCX, NES, TBR2, GFAP, CEP-152, MCPH1 y RELN).

Objetivo. Evaluar la interacción de proteínas del neurodesarrollo cortical y cerebelar con las proteínas de replicación NS4A y NS5 del ZIKV.

Materiales y métodos. Se seleccionaron las moléculas a evaluar en la base de datos *Protein Data Bank* o se modelaron en Swiss Model. Posteriormente, las moléculas se limpiaron para su posterior análisis de interacción con el programa de acoplamiento de alta ambigüedad HADDOCK 2.2, y se seleccionaron los acoplamientos con valores de energía de Gibbs más favorables. Después se evaluaron las interacciones en el programa INTERACTION PROTEIN.

Resultados. Las proteínas MCPH1, DCX, TBR2 y RELN presentaron interacciones favorables con las proteínas NS4A del ZIKV y ninguna interacción con la proteína NS5. Se encontraron principalmente interacciones hidrofóbicas, enlaces iónicos y puentes de hidrógeno intermolecular e intramolecular.

Conclusiones. Las proteínas que mostraron mayor interacción en nuestros ensayos de acoplamiento cumplen funciones en la regulación de vías de señalización o son expresados por células progenitoras que cumplen un papel fundamental en el neurodesarrollo del encéfalo.

Palabras clave: virus del Zika; simulación del acoplamiento molecular; neurodesarrollo.

Referencias

1. Tang H, Hammack C, Ogden SC, Wen Z, Qian X, Li Y, *et al.* Zika Virus Infects Human Cortical Neural Precursors and Attenuates Their Growth. *Cell Stem Cell.* 2016;18:587-90.
2. Heymann DL, Hodgson A, Sall AA, Freedman DO, Staples JE, Althabe F, *et al.* Zika virus and microcephaly: why is this situation a PHEIC? *Lancet.* 2016;387:719-21.
3. Chavali PL, Stojic L, Meredith LW, Joseph N, Nahorski MS, Sanford TJ, *et al.* Neurodevelopmental protein Musashi-1 interacts with the Zika genome and promotes viral replication. *Science.* 2017;357:83-8.
4. Tina KG, Bhadra R, Srinivasan N. PIC: Protein Interactions Calculator. *Nucleic Acids Research.* 2007;35(suppl_2):W473-W6.

Eficiencia de la extracción automatizada de ARN viral usando el dispositivo KingFisher™ Flex para estudios del virus del dengue en una zona hiperendémica del sur de Colombia

Piedad Marcela Perilla¹, Sandra Liliana Delgado¹, María Clemencia Rojas², Carlos F. Narváez¹

¹ División de Inmunología–Medicina, Facultad de Salud, Universidad Surcolombiana, Neiva, Colombia

² Laboratorio de Salud Pública, Secretaría de Salud Departamental del Huila, Neiva, Colombia

Introducción. Con la llegada de la epidemia por SARS-CoV-2 a Colombia se realizaron inversiones en la modernización y automatización de laboratorios. La extracción de ácidos nucleicos es un paso crítico y limitante en los estudios moleculares que se vio impulsada por la llegada de dispositivos automatizados, lo que comienza a probarse en dengue.

Objetivo. Evaluar la eficiencia de dos protocolos de extracción automatizada de ARN de DENV usando el instrumento KingFisher™ Flex.

Materiales y métodos. Se analizaron 20 especímenes de plasma (DENV-1=7, DENV-2=5 y 8 negativos). La extracción de ARN se realizó por columnas o con el KingFisher™ Flex usando los protocolos pregrabados en el dispositivo MVP_Flex-200uL (en adelante llamado #1) y el MVP_2Was-200-Flex (#2) y el estuche comercial MagMax™ viral/pathogens. Se evaluó la integridad, la concentración y la pureza del ARN aislado utilizando gel de agarosa y espectrofotometría. Para confirmar la presencia de ARN total, se evaluó la expresión del gen *RNP*. Se utilizaron la RT-PCR convencional y la RT-qPCR específica de serotipo.

Resultados. El número de bandas y la concentración de ARN fueron mayores con el protocolo #1. La expresión del *RNP* se detectó en 20/20 y 18/20 especímenes en los protocolos #1 y #2, respectivamente. La RT-PCR convencional específica de serotipo amplificó a 11/20 y a 10/20 muestras con los protocolos #1 y #2, respectivamente. La RT-qPCR fue positiva para 11/20 y 13/20 con una concordancia global entre los dos protocolos de 17/20.

Conclusión. Por lo general, los protocolos probados fueron comparables. Se presenta evidencia del uso potencial de instrumentos automatizados en dengue.

Palabras clave: dengue; SARS-CoV-2; COVID-19; RNA.

Referencias

1. KingFisher™ Flex Purification System, KingFisher with 96 PCR head. <https://www.thermofisher.com/order/catalog/product/5400610#/5400610>
2. Appliedbiosystems. For 200 or 400 uL. For use with MagMAX™ Viral/Pathogen Nucleic Acid Isolation Kit or MagMAX™ Viral/Pathogen II Nucleic Acid Isolation Kit. April 30 of 2021. Publication number: MAN0019332.
3. Programa de control de calidad de ácidos nucleicos. Banco Nacional de ADN Carlos III. España: Universidad de Salamanca; 2020.
4. Lanciotti RS, Calisher CH, Gubler DJ, Chang GJ, Vorndam AV. Rapid detection and typing of dengue viruses from clinical samples by using reverse transcriptase-polymerase chain reaction. *J Clin Microbiol.* 1992;30:545-51.

Comportamiento clínico y epidemiológico de la tos ferina en el departamento de Sucre, Colombia, 2012 – 2017

Gregory Gentile Garrido¹, Marlon Antonio Espitia²

¹ Clínica Especializada la Concepción S.A.S, Sincelejo, Colombia

² Secretaría de Municipal de Majagual, Majagual, Colombia

Introducción: La tos ferina sigue siendo un problema de salud pública mundial.

Objetivo: Analizar el comportamiento clínico epidemiológico de la tos ferina en el Departamento de Sucre, Periodo 2012 – 2017.

Materiales y métodos: Estudio observacional, descriptivo retrospectivo, enfoque cuantitativo y diseño no experimental, que compara el comportamiento epidemiológico de la tos ferina, en los últimos seis años. Población conformada por 1.587 casos notificados a Sivigila, con muestreo no probabilístico intencionado de 165 casos confirmados por laboratorio. La información se analizó mediante hoja de cálculo de Excel, se tuvo en cuenta las variables epidemiológicas y se respetaron los criterios bioéticos para ciencias de la salud.

Resultados: El agente causal principal de la tos ferina de los 165 casos confirmados fue (Bordetella Pertussis (BP). El corredor epidemiológico presentó un dato significativo, durante la 8ª semana. La mayoría de casos de sexo masculino, en edades de cero a tres meses, los casos fueron captados en servicios de urgencias y hospitalización; los signos y síntomas predominantes fueron tos (98,8 %), tos paroxística (79,4), vomito (37,6%), seguido de estridor (35,8%). El 52,1 % no contaban con esquema de vacunación.

Conclusiones. El comportamiento de casos confirmados mediante de laboratorio de tos ferina, en el Departamento de Sucre, muestra resultados de alarma en la 8ª semana del corredor epidemiológico; se determinó la Bordetella pertussis como agente causal prevalente.

Palabras claves: Tosferina, Bordetella pertussis, factores de virulencia de Bordetella (Fuente: DeCS)

Referencias

1. Cervantes E. Bordetella pertussis: reemergente. Rev Latinoam Patol Clin Med Lab. 2018;65:18-21.
2. European Centre for Disease Prevention and Control. Pertussis. In: ECDC. Annual epidemiological report for 2017. Fecha de consulta: 6 de febrero del 2020. Disponible en: <https://www.ecdc.europa.eu/en/publications-data/pertussis-annual-epidemiological-report-2017>
3. Organización Panamericana de la Salud/Organización Mundial de Salud. (OPS/OMS). Inmunización de las Américas: 2017. Fecha de consulta: 27 de marzo del 2020. Disponible en: https://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&view=download&category_slug=folleto-2646&alias=36291-inmunizacion-americas-resumen-2017-291&Itemid=270&lang=en
4. Ministerio de Salud y Protección Social. Guía de Práctica Clínica Para la Identificación y Manejo Clínico de la Tos ferina en Menores de 18 Años. 2014. Fecha de consulta: 27 de mayo del 2020. Disponible en: https://medicosgeneralescolombianos.com/images/Guias_2014/GPC_43_Tos_ferina.pdf

Efecto del brote por el virus chikungunya en población con enfermedades crónicas no transmisibles en Colombia: un análisis de correspondencia múltiple

Fredy Orlando Mendivelso, Ingrid Milena Rodríguez

Programa de Epidemiología de Campo FETP, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La infección por el virus chikungunya se convirtió en una de las enfermedades emergentes con mayor impacto en salud pública en los últimos años. El dolor articular agudo y residual fue una de sus principales manifestaciones. Los pacientes adultos con enfermedades crónicas no transmisibles constituyeron *a priori* un grupo de alto riesgo para la infección.

Objetivo. Analizar el efecto del brote por el virus chikungunya en pacientes con enfermedades crónicas no transmisibles desde la perspectiva del sistema nacional de vigilancia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional mediante un análisis multivariado de correspondencias múltiples. Se utilizó la base de datos anonimizada del sistema nacional de vigilancia en salud pública (Sivigila) del Instituto Nacional de Salud de Colombia.

Resultados. Se notificaron 79.328 casos de chikungunya al sistema nacional de vigilancia durante el periodo de estudio. Las mujeres fueron más afectadas (60,8 %), así como los residentes en zona urbana (93,4 %), y la confirmación por laboratorio fue baja (1,6 %). El porcentaje de pacientes con al menos una enfermedad crónica no transmisible fue inferior al 1 %. Se encontraron diferencias estadísticamente significativas en la notificación de pacientes con obesidad ($p=0,000$), artritis ($p=0,034$) y artrosis ($p=0,030$) entre la fase epidémica y la posterior a la epidemia. La mayoría de los pacientes con enfermedades no transmisibles notificados pertenecía al régimen subsidiado, en conglomerados urbanos y era mayor de 65 años.

Conclusión. El efecto neto del brote de chikungunya en Colombia fue mínimo en pacientes con enfermedades crónicas no transmisibles durante la fase epidémica y su notificación se incrementó en la fase posterior a la epidemia.

Palabras clave: Impacto; brote; chikungunya; enfermedades crónicas no transmisibles; vigilancia; salud pública; Colombia.

Referencias

1. Lang PO, Loulergue P, Aspinall R. Chikungunya Virus Infection: Why Should U.S. Geriatricians Be Aware of It? *Journal of the American Geriatrics Society*. 2017;65:2529-34
2. Uhrlaub JL, Pulko V, DeFilippis VR, Broeckel R. Dysregulated TGF-beta Production Underlies the Age-Related Vulnerability to Chikungunya Virus. 2016;12:e1005891
3. Pineda C, Munoz-Louis R, Caballero-Uribe CV, Viasus D. Chikungunya in the region of the Americas. A challenge for rheumatologists and health care systems. *Clinical Rheumatology*. 2016;35:2381-5.
4. Chang AY, Martins KAO, Encinales L, Reid SP, Acuna M, Encinales C, *et al*. Chikungunya Arthritis Mechanisms in the Americas: A Cross-Sectional Analysis of Chikungunya Arthritis Patients Twenty-Two Months After Infection Demonstrating No Detectable Viral Persistence in Synovial Fluid. *Arthritis Rheumatol*. 2018;70:585-93. <https://doi.org/10.1002/art.40383>

Relación de la vía de señalización Notch y los factores transcripcionales Krox-20, Oct-6 y Sox-10 con el daño tisular inducido por *Mycobacterium leprae* en pacientes con enfermedad de Hansen

Héctor Serrano-Coll¹, Juan Pablo Ospina³, Lina Salazar-Peláez², Nora Cardona-Castro¹

¹ Línea de Investigación en Lepra, Instituto Colombiano de Medicina Tropical-Universidad CES, Medellín, Colombia

² Grupo de Ciencias Básicas, Doctorado en Ciencias de la Salud, Escuela de Graduados, Universidad CES, Medellín, Colombia

³ Laboratorio de Dermatopatología, Centro de Investigaciones en Dermatología, Facultad de Medicina, Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

Introducción. La lepra es una enfermedad infecciosa causada por *Mycobacterium leprae* que produce alteraciones en la piel y los nervios periféricos. Las alteraciones tisulares podrían relacionarse con alteraciones en la vía de señalización Notch y factores transcripcionales del nervio (Krox-20, Oct-6 y Sox-10).

Objetivo. Determinar si la vía de señalización Notch y los factores transcripcionales Krox-20, Oct-6 y Sox-10 esta relacionados con el daño tisular en la lepra.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional descriptivo. Se evaluaron 30 biopsias de piel de pacientes con lepra y 15 de individuos sin lepra. En estas muestras se evaluó la expresión génica de Hes-1, Hey-1, Runx-1 Jagged-1, Notch-1, Numb, Krox-20, Oct-6 y Sox-10, usando q-PCR, así como la expresión proteica de Runx-1 y Hes-1 con inmunohistoquímica.

Resultados. Se observaron cambios en la transcripción en la piel afectada con lepra en Hes-1 (subexpresado), Runx-1 (sobrexpresado), Oct-6 (subexpresado), Sox-10 (subexpresado). Los cambios de Oct-6 se relacionaban claramente con el deterioro nervioso (S-100). Por inmunohistoquímica se confirmaron estos cambios para Hes-1 y Runx-1, comprobándose que los cambios de Hes-1 estaban relacionados con alteraciones tisulares (epidermis, anexos cutáneos) que, al parecer, preceden al daño nervioso. Por último, se observó que Hes-1 y Oct-6 podrían tener una utilidad semejante a la S-100 como biomarcadores en la lepra.

Conclusiones. Los cambios tisulares observados en los pacientes con lepra podrían estar asociados a la reducción en la expresión de Hes-1 y Oct-6; además, estos dos marcadores tendrían utilidad en la detección temprana de la lepra.

Palabras clave: *Mycobacterium leprae*; Hes-1; Oct-6; inflamación; epidermis; folículo piloso; glándula ecrina; fibra nerviosa.

Referencias

1. Serrano-Coll H, Salazar-Peláez L, Acevedo-Sáenz L, Cardona-Castro N. *Mycobacterium leprae*-induced nerve damage: direct and indirect mechanisms. *Pathog Dis.* 2018;76.
2. Serrano-Coll H, Acevedo-Sáenz L, Cardona-Castro N. A hypothetical role for Notch signaling pathway in immunopathogenesis of leprosy. *Med Hypotheses.* 2017;109:162–9.
3. Serrano-Coll H, Ospina JP, Salazar-Peláez L, Cardona-Castro N. Notch Signaling Pathway Expression in the Skin of Leprosy Patients: Association With Skin and Neural Damage. *Front Immunol.* 2020;11:368.
4. Serrano-Coll H, Salazar-Peláez LM, Mesa-Betancourt F, Cardona-Castro N. Oct-6 transcriptional factor a possible biomarker for leprosy diagnosis. *Diagn Microbiol Infect Dis.* 2021;99:115232.

Fiabilidad y validación de un instrumento de conocimientos sobre el virus del papiloma humano (VPH) y su vacuna para jóvenes universitarios de Colombia

Carmen Cecilia Almonacid¹, Jennifer Carolina Gutiérrez¹, Daniela Lizarazo¹, Luisa María Mendieta¹, Eliana Ximena Urbano², Maritza Anacona², Laura Julieth Lizarazo², Laura Ximena Ramírez².

¹ Universidad Colegio Mayor de Cundinamarca, Bogotá, Colombia

² Universidad de Boyacá, Tunja, Colombia

Introducción. El virus del papiloma humano (VPH), perteneciente a la familia Papovaviridae, tiene 12 de sus genotipos clasificados como cancerígenos. La incidencia de infección por VPH ha aumentado entre los jóvenes y, aunque Colombia dispone de la vacuna desde el 2012, el índice de vacunación es bajo debido al desconocimiento y la no aceptación del biológico. En este contexto, determinar los conocimientos que tienen los jóvenes universitarios frente al VPH y su vacuna permitirá establecer estrategias oportunas para la promoción de la vacunación y la prevención de la infección.

Objetivo. Evaluar la fiabilidad y validez de un instrumento que permita medir los conocimientos frente al VPH y su vacuna en jóvenes universitarios de Colombia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal para validar un instrumento diseñado con base en la revisión de la literatura y validado con el método Delphi a cargo de un panel de expertos que determinaron la eficiencia, la relevancia, la claridad y la coherencia de cada una de las preguntas. Para la evaluación de la concordancia entre evaluadores se determinó el índice kappa de Randolph (κ) y se hizo una prueba piloto en 40 jóvenes universitarios. Por último, el cuestionario estructurado se aplicó a 100 jóvenes y se calcularon los coeficientes de fiabilidad de Kuder Richardson (KR20) para determinar la consistencia interna.

Resultados. Se obtuvo un instrumento estructurado con 20 preguntas dicotómicas (Sí/No), que demostró excelente concordancia ($\kappa=0,7-0,8$) y elevada consistencia (KR20=0,63).

Conclusión. La consistencia interna y concordancia del instrumento permiten su aplicación a estudiantes universitarios del país.

Palabras clave: infección por VPH; vacuna tetravalente recombinante contra el virus del papiloma humano; estudio de validación; conocimiento.

Referencias

1. Almonacid-Urrego IC, Almonacid-Urrego CC, Rosas-Arango SM, Hernández-Rojas EC, González-Devía JL. The current outlook of human papillomavirus and its association with digestive tract cancer. *Revista Logos Ciencia & Tecnología*. 2021;13:129-43.
2. Sánchez-Hernández Y, Crisol-Moya E, León-Guerrero MJ. Diseño y validación del cuestionario de Conocimientos, Actitudes y Prácticas Sexuales en Jóvenes Universitarios (CAPSEX). *Espacios*. 2020;41:163-82.
3. Romero-Collado A. Elementos esenciales para elaborar un estudio con el método (e) Delphi. *Enfermería Intensiva*. 2020.
4. Cobo-Sanabria CM, Alconero-Camarero AR. Claves para el diseño y validación de cuestionarios en ciencias de la salud. *Enfermería en Cardiología*. 2019;26:69-73.

Enfermedad por parotiditis en Colombia: seguimiento epidemiológico de 2007 a 2020

Carlos Alberto Hernández, Natalia Castro, Adriana Medina, Diana Walteros
Dirección de Vigilancia y Análisis del Riesgo en Salud Pública, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La parotiditis es una enfermedad vírica aguda, caracterizada por fiebre, dolor e inflamación de las glándulas salivales. Históricamente los picos epidémicos se producen cada 2 a 5 años y causan un alto ausentismo laboral y estudiantil. Se ha evidenciado una presentación grave en adultos no inmunizados.

Objetivo. Describir el comportamiento epidemiológico de la parotiditis en Colombia entre el 2007 y el 2020.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo de corte transversal a partir de la información recolectada por el sistema de vigilancia en salud pública entre el 2007 y el 2020. Se hicieron la distribución de frecuencias, una curva epidémica y un análisis de tendencias utilizando el modelo de regresión *joint-point*.

Resultados. Se notificaron 143.019 casos, con predominio en hombres (56 %); entre los grupos de edad los de 15 a 49 años representaron el 62 %, seguidos de los menores de 10 años, con un 21 %. La tasa de incidencia fue de 3 a 38 casos por cada 100.000 habitantes sin cambios estadísticamente significativos en la serie observada. Los lugares con mayor incidencia fueron Bogotá, Antioquia, Cundinamarca y Valle del Cauca, con 10 a 30 casos por 100.000 habitantes. Se establecieron dos periodos epidémicos comprendidos entre el 2010 y el 2012 y el 2016 y el 2019. Los brotes se dieron en poblaciones confinadas, con un promedio de 38 brotes al año, y con mayor afectación en personas privadas de la libertad.

Conclusión. En Colombia la parotiditis se concentró en menores de 10 años y en adultos jóvenes, estos últimos vinculados a brotes y conglomerados. La vigilancia y el control de brotes es primordial para limitar su dispersión y gravedad.

Palabras clave: parotiditis; epidemiología; incidencia; salud pública; tendencias.

Referencias

1. Centers for Disease Control and Prevention—CDC, Clemmons N, Hickman C, Lee A, Marin M, Patel M. Manual para la vigilancia de enfermedades prevenibles por vacunación: parotiditis. <https://www.cdc.gov/vaccines/pubs/surv-manual/chpt09-mumps.html>
2. Le-Corre N, Barría S, López T, Martínez-Valdebenito C, Contreras AM, Ferrés M. Parotiditis en Chile: caracterización clínica y molecular de dos casos en una población altamente inmunizada. *Rev Chil Infectol.* 2018;35:198–203.
3. Instituto Nacional de Salud, Ministerio de Salud. Protocolo de vigilancia en salud pública: parotiditis. https://www.ins.gov.co/buscador-eventos/Lineamientos/PRO_Parotiditis_.pdf
4. Shih-Bin S, Hsiao-Liang Ch, Kow-Tong Ch. Current Status of Mumps Virus Infection: Epidemiology, Pathogenesis, and Vaccine. *International Journal of Environmental Research and Public Health.* 2020;17:1686

..... ✕

Enfermedades no transmisibles

Cavitación ultrasónica en el tratamiento complementario de la forma neuroisquémica del síndrome del pie diabético con biopelículas resistentes a los antibióticos

Paola Alexandra Muñoz¹, Edwin Remo Rojas¹, Irina Alexandrovna Chekmareva², Leonid Alexandrovich Blatun³, Valery Afanasyevich Mitish⁴

¹ Centro Especializado en Heridas Crónicas y Pie Diabético, Tunja, Colombia

² Laboratorio de Microscopía Electrónica, Departamento de Anatomía Patológica, Instituto de Cirugía. A. V. Vishnevsky, Ministerio de Salud, Moscú, Rusia

³ Grupo para Ensayos de Nuevos Fármacos, Instituto de Cirugía. A. V. Vishnevsky, Ministerio de Salud, Moscú, Rusia

⁴ Cirugía, Instituto de Cirugía. A. V. Vishnevsky, Ministerio de Salud, Moscú, Rusia

Introducción. La diabetes mellitus (DM) sigue siendo uno de los problemas médico-sociales más urgentes. Una de las complicaciones de la enfermedad, que a menudo conduce a la discapacidad y la disminución de la calidad de vida de los pacientes, es el síndrome del pie diabético complicado (SPD).

Objetivo. Evaluar el efecto del tratamiento complementario de las heridas del SPD con ayuda de cavitación ultrasónica en el curso biológico de la herida y determinar la eficacia del método.

Materiales y métodos. Es un estudio prospectivo, aleatorizado, clínico-morfológico de los resultados del manejo y el tratamiento quirúrgico de 75 pacientes con complicaciones purulentas y necróticas del SPD con formación de biopelículas bacterianas resistentes a los antibióticos.

Resultados. Los estudios microbiológicos, citológicos y morfológicos evidenciaron que en el séptimo día de tratamiento local la cavitación ultrasónica eliminó las biopelículas, redujo la contaminación microbiana de las heridas por debajo del nivel crítico y comenzó la transición de la herida al proceso de la fase II del curso biológico.

Conclusiones. La cavitación ultrasónica es un método eficaz y poco traumático de tratamiento del SPD complicado, con un efecto antimicrobiano pronunciado.

Palabras clave: diabetes mellitus; síndrome de pie diabético; heridas crónicas; biopelícula; heridas infectadas; cavitación ultrasónica.

Referencias

1. Galstyan GR, Dedov II. Organization of the aid to diabetic foot syndrome patients in the Russian Federation. *Sakharnyy diabet = Diabetes Mellitus*. 2009;1:4-7.
2. Dedov II. Diabetes mellitus: Development of diagnostic, treatment and preventive technologies (plenary lecture). *Sakharnyy diabet = Diabetes Mellitus*. 2010;3:6-13.
3. Mitish VA, Paskhalova YuS, Makhkamova FT. Estimation of the average cost of complex surgical treatment of neuro-ischemic form of diabetic foot syndrome in the provision of high-tech medical care. *Proceedings Moscow*. 2012;241:2.

Relación entre los niveles de mercurio y los factores cardiovasculares en pacientes adultos con enfermedad renal crónica en Bogotá, Colombia, 2019-2020

Estefanía Zapata-Bravo¹, Sonia Díaz², Ruth Palma², Eliana Téllez², Marcela Varona¹, Carlos Enrique Trillos¹

¹ Escuela de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad del Rosario, Bogotá, D.C., Colombia

² Grupo Salud Ambiental y Laboral, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Colombia está catalogado como el país que produce la mayor contaminación de mercurio (Hg) per cápita en el mundo. La enfermedad renal crónica (ERC) se ha asociado con la exposición a Hg.

Objetivo. Explorar la relación entre los niveles de mercurio, el estadio de la enfermedad y los factores cardiovasculares.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional de corte transversal multicéntrico con componente analítico. Se observaron pacientes de Salud Total EPS con ERC en todos sus estadios entre el 2019 y el 2020. Se analizaron variables sociodemográficas, antecedentes médicos, clínicos y de exposición ambiental. Se hizo un muestreo por conveniencia y análisis multivariado de los factores asociados al estadio clínico con los niveles de Hg.

Resultados. Se incluyeron 108 pacientes con una edad media de 59 años (DE: 14,6) que llevaban en promedio siete años con ERC (DE: 6,0). La mediana de diabetes fue de 14,7 años (RI: 15,2), la de la enfermedad cardiovascular (ECV) cuatro años (RI: 5,0) y una media de 11 años para la hipertensión arterial (HTA) (DE: 9,0). En el 15 % de las personas los valores de Hg en sangre sobrepasaban los valores permisibles (5 ug/l) en los estadios 1, 4 y 5. En cabello, el 20 % tenía niveles sobre el valor permisible (1 ug/g). En la regresión logística binaria se observó que los niveles altos de Hg en sangre constituían un factor de riesgo para desarrollar ERC en estadio 5; no hubo diferencias significativas en la HTA ni la ECV.

Conclusión. Se observó que el Hg era un factor de riesgo para la ERC de estadio 5. Se requieren estudios adicionales con mayor tamaño de muestra para explorar esta relación.

Palabras claves: mercurio; insuficiencia renal crónica; enfermedades cardiovasculares.

Referencias

1. Rodríguez LHS, Rodríguez-Villamizar LA, Flórez-Vargas O, Fiallo YV, Ordoñez Á, Gutiérrez M del C. No effect of mercury exposure on kidney function during ongoing artisanal gold mining activities in Colombia: A cross-sectional study. *Toxicology and Industrial Health*. 2017;33: 67-78. <https://doi.org/10.1177/0748233716659031>
2. Jha V, García-García G, Iseki K, Li Z, Naicker S, Plattner B, *et al.* Chronic kidney disease: global dimension and perspectives. *Lancet*. 2013;382:260-72. [https://doi.org/10.1016/S0140-6736\(13\)60687-X](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(13)60687-X)
3. Lopera MM. La enfermedad renal crónica en Colombia: necesidades en salud y respuesta del Sistema General de Seguridad Social en Salud. *Revista Gerencia y Políticas de Salud*. 2016;15:12.
4. Cordy P, Veiga MM, Salih I, Al-Saadi S, Console S, García O, *et al.* Mercury contamination from artisanal gold mining in Antioquia, Colombia: The world's highest per capita mercury pollution. *Science of the Total Environment*. 2011;410:154-60.

Riesgo suicida y otros factores asociados a la depresión en estudiantes de medicina de ocho países de Latinoamérica

Felipe Serrano¹, Christian Mejía², Bridgett Farely Arana², Yessica Liliam Moreno¹, Federico Serrano³, Dercy Centeno⁴

¹. Grupo de Investigación ACEMED-UPTC, Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia, Tunja, Colombia

². Universidad Continental, Huancayo, Perú

³. Universidad Cooperativa de Colombia, Bucaramanga, Colombia

⁴. Universidad Nacional de San Cristóbal de Huamanga, Ayacucho, Perú

Introducción. La depresión en estudiantes de medicina es muy común; sin embargo, son pocos los estudios en poblaciones latinoamericanas que determinen su relación con el riesgo suicida y las características socioeducativas.

Objetivo. Determinar el porcentaje y la asociación de la depresión con el riesgo suicida y otros factores socioeducativos en estudiantes de medicina de ocho países latinoamericanos.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, analítico, de corte transversal y multicéntrico entre el 2016-2017, con análisis secundarios de datos. Se usó un cuestionario diligenciado por los propios participantes; la variable “desenlace” se determinó con la escala para la depresión de Zung y se asoció con la variable “exposición” medida mediante la escala de riesgo suicida de Plutchik y otras variables socioeducativas. Se hizo una regresión simple y múltiple con modelos lineales generalizados (GLM).

Resultados. De 2.649 encuestados, el 18,2 % tuvo depresión, con los mayores niveles en Bolivia y Perú y los menores en Panamá y Colombia. En la regresión múltiple se encontró un mayor nivel de depresión al existir riesgo suicida (RPa: 1,25; IC_{95%}: 1,14-1,37; p<0,001), pero menor en aquellos que desaprobaron en algún momento una asignatura (Rpa:0,79; IC_{95%}: 0,68-0,90; p=0,001) y los que habían consumido alcohol alguna vez en la vida (Rpa:0,44; IC_{95%}: 0,37-0,52; p<0,001).

Conclusión. La depresión fue muy elevada, sobre todo cuando se acompañaba de riesgo suicida, aunque disminuyó cuando se había desaprobado una asignatura o consumido alcohol alguna vez. En las universidades deben diseñarse intervenciones para mitigar este problema de salud pública, pues afecta a los futuros médicos de la sociedad.

Palabras clave: América Latina; depresión; estudiantes de medicina; estudio multicéntrico; suicidio.

Referencias

1. Vargas M, Talledo-Ulfe L, Heredia P, Quispe-Colquepisco S, Mejía CR. Influencia de los hábitos en la depresión del estudiante de medicina peruano: estudio en siete departamentos. *Rev Colomb Psiquiatr.* 2018;47:32–6. doi: <https://doi.org/10.1016/j.rcp.2017.01.008>
2. Serrano FT, Salguero-Sánchez J, Ayala-Fernández J, García-Torres MF, Meza JC, Mejía CR. Síndrome de Burnout en estudiantes de seis facultades de medicina de Colombia, 2016-1: estudio multicéntrico. *CIMEL.* 2016;21:29-34.
3. Zeng W, Chen R, Wang X, Zhang Q, Deng W. Prevalence of mental health problems among medical students in China: a meta-analysis. *Medicine (Baltimore).* 2019;98):e15337. <https://doi.org/10.1097/MD.0000000000015337>
4. Rotenstein LS, Ramos MA, Torre M, Bradley Segal J, Peluso MJ, Guille C, *et al.* Prevalence of depression, depressive symptoms, and suicidal ideation among medical students: a systematic review and meta-analysis. *JAMA.* 2016;316:2214–36. <https://doi.org/10.1001/jama.2016.17324>

Exceso de mortalidad por enfermedades cardiovasculares en el contexto de la pandemia de COVID-19

Luis Eduardo Bravo^{1,2}, Elvia Karina Grillo^{1,3}, Paola Collazos¹, Luz Stella García¹, Erquinovaldo Millán⁵, Patricia Mera⁴, Jorge Holguín^{4,5}

¹. Registro Poblacional de Cáncer de Cali, Cali, Colombia

². Departamento de Patología, Facultad de Salud, Universidad del Valle, Cali, Colombia

³. Doctorado en Salud, Universidad del Valle, Cali, Colombia

⁴. Secretaría de Salud Pública Municipal de Cali, Cali, Colombia

⁵. Doctorado en Ciencias Biomédicas, Universidad del Valle, Cali, Colombia

Introducción. La vigilancia del exceso de la mortalidad por todas las causas es una estrategia útil en el seguimiento del impacto de la pandemia de COVID-19.

Objetivo. Medir el impacto de la pandemia sobre la mortalidad por enfermedades cardiovasculares en Cali.

Materiales y métodos. Se analizaron las defunciones por enfermedades cardiovasculares durante la pandemia de COVID-19. El exceso de mortalidad se definió como el número notificado de muertes en los periodos marzo-diciembre/2020 y enero-julio10/2021 menos el número esperado de muertes para el mismo periodo definido a partir del promedio de los datos históricos.

Resultados. En Cali se registraron 24.669 muertes, 7.054 más de las esperadas, lo que representa un exceso del 40,0 %. La cifra incluye un 29,5 % de muertes con diagnóstico confirmado de infección por SARS-CoV-2. El número de muertes por enfermedades cardiovasculares fue 25 %, más alto comparado con los valores de las mismas semanas de años previos (2015-2019). Las enfermedades cardiovasculares en su conjunto (hipertensión, aterosclerosis, enfermedad obstructiva crónica, infarto agudo de miocardio y enfermedad cardíaca hipertensiva con insuficiencia cardíaca) representaron el 18,1 y el 15,6 % en hombres; y el 20,7 y 17,5 % en mujeres en el 2020 y el 2021, respectivamente.

Conclusiones. Un exceso de mortalidad se presentó en Cali en 16 meses de pandemia. El exceso estuvo determinado por un aumento significativo del número de muertes por enfermedades cardiovasculares.

Palabras clave: pandemia; COVID-19; enfermedades crónicas; exceso de mortalidad.

Referencias

1. World Health Organization. WHO Coronavirus (COVID-19) Dashboard global data table, 2021. Fecha de consulta: 30 de agosto de 2021. Disponible en: <https://covid19.who.int/>
2. Instituto Nacional de Salud. COVID-19 en Colombia. Fecha de consulta: 30 de agosto de 2021. Disponible en: <https://www.ins.gov.co/Noticias/Paginas/Coronavirus.aspx>
3. Bravo-Ocaña LE, Collazos P, Grillo-Ardila EK, García LS, Millán E, Mera P, *et al.* Mortality from respiratory infections and chronic non-communicable diseases before the COVID-19 pandemic in Cali, Colombia. *Colomb Med.* 2020;1–10.
4. Dale B, Stylianou N. Coronavirus: What is the true death toll of the pandemic? Fecha de consulta: 30 de agosto de 2021. Disponible en: <https://www.bbc.com/news/world-53073046>
5. World Health Organization. Public Health Surveillance for COVID-19: Interim guidance. Fecha de consulta: 30 de agosto de 2021. Disponible en <https://www.who.int/publications/i/item/who-2019-nCoV-surveillanceguidance-2020.7>

Efectividad de la erradicación de la infección por *Helicobacter pylori* como estrategia de prevención del cáncer gástrico: revisión sistemática y metaanálisis

Carlos Fernando Grillo, Andrea Elena García, Steffany Lorena Villate, Carlos Hernán Calderón
Instituto Nacional de Cancerología E.S.E., Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Cada año mueren en el mundo cerca de 850.000 personas por cáncer gástrico. La asociación entre la infección por *H. pylori* y el desarrollo de este cáncer está bien establecida.

Objetivo. Determinar la efectividad y la seguridad de la erradicación de la infección por *H. pylori* para prevenir la aparición de cáncer gástrico.

Materiales y métodos. Se hizo una revisión sistemática con metaanálisis mediante una búsqueda sistemática en las bases de datos PubMed/MEDLINE, Embase, CENTRAL y LILACS. Se seleccionaron ensayos clínicos aleatorios (ECA) que evaluaran la efectividad de la erradicación de la infección por *H. pylori* como estrategia de prevención del cáncer gástrico. Se evaluaron de forma independiente los estudios, se extrajeron los datos y se evaluó el riesgo de sesgo. Se calculó el efecto y se graduó la calidad de la evidencia con la metodología GRADE. Se estableció el riesgo relativo (RR) y un intervalo de confianza del 95 %.

Resultado. Diez ECA (10.393 participantes) cumplieron con los criterios de selección. La evidencia de suficiente calidad sugiere que la erradicación de *H. pylori* se asocia con una menor incidencia del riesgo de cáncer gástrico (RR: 0,66; IC_{95%}: 0,51 – 0,85), sin que el análisis de subgrupos sugiriera que el efecto de la intervención variara según el tipo de población (pacientes sin lesiones pre-neoplásicas Vs. aquellos con metaplasia intestinal/gastritis atrófica/displasia (p=0,51 para el análisis de subgrupos).

Conclusión. La evidencia de moderada calidad sugiere que erradicar la infección por *H. pylori* en pacientes con o sin lesiones preneoplásicas reduce la incidencia de cáncer gástrico.

Palabras claves: *Helicobacter pylori*, neoplasias gástricas; lesiones precancerosas; revisión sistemática.

Referencias

1. Ford AC, Forman D, Hunt R, Yuan Y, Moayyedi P. *Helicobacter pylori* eradication for the prevention of gastric neoplasia. Cochrane Database Syst Rev. 2015;Cd005583.
2. Seta T, Takahashi Y, Noguchi Y, Shikata S, Sakai T, Sakai K, *et al.* Effectiveness of *Helicobacter pylori* eradication in the prevention of primary gastric cancer in healthy asymptomatic people: A systematic review and meta-analysis comparing risk ratio with risk difference. PLoS One. 2017;12:e0183321.
3. Lee YC, Chiang TH, Liou JM, Chen HH, Wu MS, Graham DY. Mass Eradication of *Helicobacter pylori* to Prevent Gastric Cancer: Theoretical and Practical Considerations. Gut Liver. 2016;10:12-26.
4. Correa P, Fontham ET, Bravo JC, Bravo LE, Ruiz B, Zarama G, *et al.* Chemoprevention of gastric dysplasia: randomized trial of antioxidant supplements and anti-*Helicobacter pylori* therapy. J Natl Cancer Inst. 2000;92:1881-8.

Asociación entre la hiperglucemia en el embarazo y el sobrepeso y la obesidad en niños y adolescentes: una revisión sistemática

Eulalia María Amador¹, Priscille Cota², Karen Jimarez³, Ángela Peralta⁴, Roberto Carlos Rebolledo¹, Leslie Piedad Montealegre¹

¹. Universidad Libre de Colombia, Barranquilla, Colombia

². Universidad de Sonora, Sonora, México

³. Benemérita Universidad Autónoma de Puebla, Puebla, México

⁴. Universidad de Guadalajara, Guadalajara, México

Introducción. La hiperglucemia en el embarazo afecta entre 2 y 14 % de las mujeres gestantes. Diferentes autores la consideran un factor de riesgo de obesidad y sobrepeso en períodos posteriores de la vida de los niños nacidos de madres con hiperglucemia.

Objetivo. Establecer la asociación de la hiperglucemia en el embarazo con la obesidad y el sobrepeso en niños y adolescentes.

Materiales y métodos. Se hizo una revisión exhaustiva de la literatura entre el 7 y 18 julio del 2020 en las bases de datos PubMed, Science Direct, Epistemonikos y Scielo usando los términos: “child”, “adolescent”, “obesity”, “mother”, “gestational diabetes”, “hyperglycemia in pregnancy” y “overweight”. La calidad metodológica de los estudios se evaluó con las herramientas PRISMA y STROBE dependiendo del diseño de los estudios y el nivel de evidencia y el grado de recomendación se determinaron siguiendo a Sackett.

Resultados. Se seleccionaron seis 6 estudios sobre la relación existente entre hiperglucemia materna y el riesgo de tolerancia anormal a la glucosa y la obesidad en los descendientes (OR: 1,59; IC: 0,97-2,59, p: 0,003); en algunos estudios se comprobó un riesgo moderado de complicaciones metabólicas a largo plazo como la obesidad.

Conclusiones. La hiperglucemia en el embarazo es un marcador de riesgo para la obesidad en la adolescencia. Es importante seguir avanzando en la investigación sobre el tema y promover el seguimiento del embarazo para reducir las tasas de sobrepeso y obesidad infantil asociadas a la hiperglucemia del embarazo.

Palabras claves: diabetes gestacional; diabetes; obesidad; enfermedad crónica; hiperglucemia.

Referencias

1. Organización Mundial De La Salud. Obesidad y sobrepeso. Fecha de consulta: 15 de julio de 2020. Disponible en: <https://www.who.int/Es/News-Room/Fact-Sheets/Detail/Obesity-And-Overweight>
2. Tam W, Ma R, Ozaki R, Li A, Chan M, Yuen L Et Al. In Utero Exposure To Maternal Hyperglycemia Increases Childhood Cardiometabolic Risk In Offspring. *Diabetes Care*. 2017;40:679-86.
3. Burguet A. Long-Term Outcome In Children Of Mothers With Gestational Diabetes. *Diabetes & Metabolism*. 2010;36:682-94.
4. Franzago M, Fraticelli F, Stuppia L, Vitacolonna E. Nutrigenetics, Epigenetics And Gestational Diabetes: Consequences In Mother And Child. *Epigenetics*. 2019;14:215-35. <https://doi.org/10.1080/15592294.2019.1582277>
5. Kawasaki M, Arata N, Miyazaki C, Mori R, Kikuchi T, Ogawa Y, et al. Obesity And Abnormal Glucose Tolerance In Offspring Of Diabetic Mothers: A Systematic Review And Meta-Analysis. *Plos One*. 2018;13:1-19. <https://doi.org/10.1371/Journal.Pone.0190676>

Rehabilitación pulmonar en adultos mayores con enfermedad pulmonar obstructiva crónica

Flor Angela Umbacía¹, Laura Jimena Silva², Diana Milena Díaz³, Camilo Alberto Camargo⁴, María del Pilar Rojas⁴

¹. Universidad de Boyacá, Tunja, Colombia

². Secretaría de Salud, Tunja, Colombia

³. Universidad de San Buenaventura, Cartagena, Colombia

⁴. Universidad de Boyacá, Tunja, Colombia

Introducción. La rehabilitación pulmonar se constituye en un tratamiento no farmacológico esencial en el manejo de los pacientes con enfermedad pulmonar obstructiva crónica (EPOC).

Objetivo. Determinar la eficacia de esta intervención en rehabilitación pulmonar en adultos mayores con EPOC.

Materiales y métodos. Se trató de un estudio experimental clínico aleatorizado en 32 pacientes distribuidos en un grupo intervención y otro de control.

Resultados. Tanto en el grupo de intervención como en el de control participaron 11 mujeres (68 %; IC_{95%}: 51-84) y 5 hombres (32 %; IC_{95%}: 15-48). La edad mínima fue de 60 años y la máxima de 84; en los dos grupos se emplearon pruebas de evaluación inicial, sin embargo, después de la intervención no se evidenciaron cambios significativos excepto en las variables de “fuerza muscular respiratoria,” “metros recorridos” y “consumo de oxígeno indirecto,” con un valor de $p < 0,05$, es decir, estadísticamente significativos; la comparación entre grupos no mostró diferencias significativas, lo que sugiere que cualquier intervención podría tener efectos similares.

Conclusiones. La rehabilitación pulmonar continúa generando efectos positivos. El estudio permitió establecer que la frecuencia con la que se realiza la intervención es fundamental en el tratamiento y su elección debe adecuarse a los objetivos que se quieren alcanzar con el paciente.

Palabras claves: medicina física y rehabilitación; efectividad; intervención; tratamiento; entrenamiento; investigación en rehabilitación.

Referencias

1. Garvey C, Paternostro M, Hamm L, Hill K, Holland A, Limberg TM, et al. Pulmonary Rehabilitation Exercise Prescription in Chronic Obstructive Pulmonary Disease: Review of Selected Guidelines. *J Cardiopulm Rehabil Prev.* 2016;36:75-83. <https://doi.org/10.1097/HCR.0000000000000171>
2. Spruit M, Pitta F, McAuley E, ZuWallack R, Nici L. Pulmonary Rehabilitation and Physical Activity in Patients with Chronic Obstructive Pulmonary Disease. *Am J Respir Crit Care Med.* 2015;192:924-33. <https://doi.org/10.1164/rccm.201505-0929CI>
3. Molina J, Roa M, Corredor S, Polanía A, Rojas M. Tratamiento farmacológico y no farmacológico de la enfermedad pulmonar obstructiva crónica. *Revista Investigación en Salud.* 2018;5:295-322. <https://doi.org/10.24267/23897325.345>
4. Wouters E, Wouters B, Augustin I, Houben S, Vanfleteren L, Franssen F. Personalised pulmonary rehabilitation in COPD. *Eur Respir Rev.* 2018;27; 1-8 <https://doi.org/10.1183/16000617.0125-2017>

Vigilancia epidemiológica del cáncer de mama y cuello uterino, Casanare, 2016-2019

Anly Fragozo Casalins¹, Lilibian Patricia Zuleta^{1,2}, Oneida Castañeda¹

¹ Oficina de Vigilancia en Salud Pública, Secretaría de Salud de Casanare, Yopal, Colombia

² Laboratorio de Entomología, Secretaría de Salud de Casanare, Yopal, Colombia

Introducción. Desde el 2016 Colombia hace la vigilancia en salud pública de cáncer de mama y de cuello uterino (CM/CCU) para identificar casos positivos diagnosticados y captados por primera vez y dar seguimiento a la oportunidad del inicio del tratamiento.

Objetivo: Describir epidemiológicamente la notificación entre 01/06/2016 y 31/12/2019 de esta condición en el departamento de Casanare.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo transversal retrospectivo mediante el análisis de las variables consignadas en la ficha de notificación de los casos de CM/CCU procedentes de los 19 municipios después de depurar la base de datos. Se analizaron las circunstancias de tiempo/lugar/persona con estadística descriptiva; se calculó de la tasa de incidencia (TI) y la mortalidad (TM)/100.000 en mujeres de más de 18 años, la oportunidad de la toma y entrega de resultados de la biopsia (OER), la confirmación diagnóstica (OCD) y el tratamiento (OIT).

Resultados. De los 207 registros, 48 (23,2 %) se descartaron y 159 (76,8 %) se analizaron; se notificaron dos (1,3 %) casos de hombres entre 2017 y 2019; 157 (98,7 %) mujeres; 20 (12,7 %) casos de CM; 78 (49,7 %) de CCU y 59 (37,6 %) de CM/CCU. En el 2016, 4 (2,5 %); 30 (19,1 %) en el 2017; 61 (38,8 %) en el 2018 y 62 (39,5 %) en el 2019. La edad promedio fue de 49,3 ($\pm 13,4$), rango de 24-88 años. Las TI promedio de CM, CCU y CM-CCU fueron 10,76, 12,45, y 22,36, respectivamente y las TM en 2016 de CM fue 1,71; en 2017 la de CM fue 1,71 y la de CCU de 0,08; en 2018 la de CM fue 0,83 y de CCU, 3,34, y en 2019 la de CM fue 1,63 y la de CCU, 4,08. El promedio de días OER para CM fue 9,8 ($\pm 12,8$), rango: 0-72; para CCU, 36,4 ($\pm 121,0$), rango: 0-1,104; la OCD fue 26 (50,9 %), alta; 18 (35,3 %), media, y 7 (13,7 %), baja para CM; 35 (33,0 %), alta; 27 (25,5 %), media, y 44 (41,5 %), baja para CCU. La OIT fue del 23,5 % (12/51) para CM, con 172,7 ($\pm 230,9$, rango: 0-845 días y con 2 (16,7 %), es decir, alta y media, respectivamente, y con 8 (66,7 %), baja; y para el 37,7 % (40/106) de CCU un promedio de 71,1 ($\pm 143,3$), rango: 0-776 días; 23 (57,5 %), alta; 2 (5,0 %), media, y 15 (37,5 %), baja.

Conclusiones. La mayor proporción de OIT para CM fue baja, en tanto que para CCU fue alta. La vigilancia epidemiológica permitió detectar la demora en el inicio del tratamiento para así generar acciones de mejoramiento en la atención de las usuarias.

Palabras clave: cáncer de mama; cáncer de cuello uterino; neoplasias del cuello uterino; neoplasias de la mama; vigilancia epidemiológica; Colombia,

Referencias

1. Instituto Nacional de Salud. Protocolo de Vigilancia en Salud Pública. Cáncer de mama y cuello uterino. Bogotá. D.C.: INS; 2016. p. 39.
2. Instituto Nacional de Salud. Protocolo de Vigilancia en Salud Pública Integrada de Cáncer de mama y cuello uterino. Código 155. Bogotá, D.C.: INS; 2017. p. 14.
3. Gerónimo N, Castañeda O, Reyes Y, Morón LS, Segura O, Robayo PH. Prevalencia de cáncer de cuello uterino y cáncer de seno en Yopal, Casanare, Colombia. *Revista Investigaciones Andina*. 2011;13:162-76.
4. Castañeda O, Gerónimo N, Reyes Y, Segura O, Morón L. Conocimientos, actitudes y prácticas en salud sexual y reproductiva, Yopal, Casanare, Colombia, 2009. *Investigaciones Andinas*. 2009;11:31-48.
5. Muñoz F, López-Acuña D, Halverson P, Guerra de Macedo C, Hanna W, Larriue M, *et al*. Las funciones esenciales de la salud pública: un tema emergente en las reformas del sector salud. *Rev Panam Salud Pública*. 2000;8:126-34.

Hemocromatosis hereditaria con hiperbilirrubinemia indirecta en el Hospital Militar Central de Bogotá

Jhon Fredy Ortiz¹, Juan José Avendaño^{1,2}, Julián David Ortiz¹, Carlos Parga-Lozano^{3,4}, Nohemi Santodomingo^{3,4}

¹ Hospital Militar Central, Bogotá, D.C., Colombia

² Universidad Libre, Barranquilla, Colombia

³ Grupo de Investigación de Biomembranas, Universidad Libre, Barranquilla, Colombia

⁴ Centro de Investigación e Innovación en Salud-CIIS, Salud Social I.P.S, Barranquilla, Colombia

Introducción. La hemocromatosis hereditaria es una enfermedad autosómica recesiva del gen *HFE* resultado de un error congénito del metabolismo del hierro que provoca sobrecarga y depósitos progresivos en múltiples órganos incluidos el hígado, el páncreas y el corazón, con el consecuente deterioro estructural y funcional.

Objetivo. Presentar la evolución de un caso de hemocromatosis hereditaria en el Hospital Militar Central de Bogotá, 2019.

Materiales y métodos. Se describió la evolución de un caso de hemocromatosis hereditaria después de obtener el consentimiento informado voluntario del paciente, un colombiano de 61 años de edad que consultó con ictericia leve, dolor leve a la palpación en hipocondrio derecho y esplenomegalia.

Resultados. El paciente tuvo resultados paraclínicos compatibles con anemia hemolítica; los niveles de hemoglobina fueron normales, pero se registró reticulocitosis e hiperbilirrubinemia indirecta; la deshidrogenasa láctica y las transaminasas fueron normales. Luego de los estudios correspondientes, se evidenciaron signos de hepatoesplenomegalia e hiperesplenismo con depósitos de hierro secundarios, hipertensión portal y ausencia de varices, hiperbilirrubinemia de predominio eritroide que, conjuntamente con la saturación de transferrina elevada e hiperferritinemia, hizo sospechar de una posible hemocromatosis, por lo que se realizó un estudio genético para la confirmación del diagnóstico, el cual detectó la mutación en el gen *HFE* con la mutación en estado heterocigoto Cys282Tyr. El paciente se sometió a flebotomías.

Conclusión. El diagnóstico de hemocromatosis hereditaria es complejo, se trata de una enfermedad poco prevalente y de baja incidencia que se diagnostica por exclusión. Cuando no se diagnostica y trata tempranamente, puede generar problemas cardiovasculares, hepáticos, endocrinológicos y articulares que comprometen la vida del paciente.

Palabras clave: anemia; esplenomegalia; hemocromatosis; hiperesplenismo; ictericia.

Referencias

1. Kowdley KV, Brown KE, Ahn J, Sundaram V. ACG Clinical Guideline: Hereditary Hemochromatosis. *Am J Gastroenterol*. 2019;114:1202-18. <https://doi.org/10.14309/ajg.0000000000000315>
2. Bacon BR, Adams PC, Kowdley KV, Powell LW, Tavill AS, American Association for the Study of Liver Diseases. Diagnosis and management of hemochromatosis: 2011 practice guideline by the American Association for the Study of Liver Diseases. *Hepatology*. 2011;54:328-43. <https://doi.org/10.1002/hep.24330>
3. McLaren CE, Emond MJ, Subramaniam VN, Phatak PD, Barton JC, Adams PC, *et al*. Exome sequencing in *HFE* C282Y homozygous men with extreme phenotypes identifies a GNPAT variant associated with severe iron overload. *Hepatology*. 2015;62:429-39. <https://doi.org/10.1002/hep.27711>
4. Powell LW, Dixon JL, Ramm GA, Purdie DM, Lincoln DJ, Anderson GJ, *et al*. Screening for hemochromatosis in asymptomatic subjects with or without a family history. *Archives of Internal Medicine*. 2006;166:294-301. <https://doi.org/10.1001/archinte.166.3.294>

Hipercolesterolemia familiar: informe sobre el conocimiento de esta enfermedad por parte del personal médico en Colombia

Luisa Fernanda Del Río¹, Greizy López¹, Luz Mery Bernal², Nancy Yaneth Gelvez¹, Claudia Marcela Saboga², Martha Tamayo¹

¹ Instituto de Genética Humana, Pontificia Universidad Javeriana, Bogotá, D.C., Colombia

² Escuela de Ciencias de la Salud, Universidad Nacional Abierta y a Distancia, Bogotá, D. C., Colombia

Introducción. La hipercolesterolemia familiar (HF) es un desorden genético que afecta a una de cada 250 personas a nivel mundial y es la enfermedad genética más común en Colombia. Su presencia incrementa el riesgo de la enfermedad coronaria a temprana edad. Pese a ser una prioridad en salud pública, nueve de cada diez personas no se diagnostican ni se tratan adecuadamente.

Objetivo. Determinar el grado de conocimiento del personal médico sobre la HF en Colombia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte transversal. Se aplicó una encuesta de 20 preguntas relacionadas con criterios diagnósticos, manejo farmacológico, y posibles complicaciones a 141 médicos generales y especialistas de Colombia.

Resultados. El 56,0 % de los participantes era médico especialista y el 44,0 %, médicos generales, con una mediana de 17 años (RIC: 6-28 años) ejerciendo la profesión. El 42,9 % no había atendido pacientes con HF, pero la mayoría (n=68; 44,0 %) reportó estar familiarizada con la HF, lo que se evidenció por el conocimiento de la definición de la enfermedad, de opciones diagnósticas y de manejo. La mayoría no conocía la prevalencia (n=73; 52,1 %), los criterios de diagnóstico (n=91; 65,0 %), el riesgo de recurrencia (n=50; 35,5 %), el riesgo de enfermedad coronaria (n=39; 27,9 %), ni la edad de aparición de la enfermedad coronaria temprana.

Conclusiones. Los encuestados conocían las generalidades de la HF (enfoque de pacientes, manejo, tamización), pero no conocían los datos necesarios para establecer el diagnóstico y la enfermedad coronaria temprana. Es importante hacer campañas de sensibilización del personal médico en torno a la HF a nivel de salud pública.

Palabras clave: hipercolesterolemia familiar; Colombia; conocimiento; cuerpo médico.

Referencias

1. Wilemon KA, Patel J, Aguilar-Salinas C, Ahmed CD, Alkhnifawi M, Almahmeed W, *et al.* Reducing the Clinical and Public Health Burden of Familial Hypercholesterolemia: A Global Call to Action. *JAMA Cardiology.* 2020;5:217-29.
2. McGowan MP, Hosseini Dehkordi SH, Moriarty PM, Duell PB. Diagnosis and Treatment of Heterozygous Familial Hypercholesterolemia. *J Am Heart Assoc.* 2019;8:e013225-e.
3. Vallejo-Vaz AJ, Ray KK. Epidemiology of familial hypercholesterolaemia: Community and clinical. *Atherosclerosis.* 2018;277:289-97.
4. Sturm AC, Knowles JW, Gidding SS, Ahmad ZS, Ahmed CD, Ballantyne CM, *et al.* Clinical Genetic Testing for Familial Hypercholesterolemia: JACC Scientific Expert Panel. *Journal of the American College of Cardiology.* 2018;72:662-80.
5. Shah NP, Ahmed HM, Wilson Tang WH. Familial hypercholesterolemia: Detect, treat, and ask about family. *Cleveland Clinic Journal of Medicine.* 2020;87:109-20.

Factores de riesgo cardiovascular en pacientes con esclerosis sistémica en Colombia

Jesús Giovanni Ballesteros-Muñoz¹, Jhyld Carolaind Camacho-Barbosa², Wilmer Gerardo Rojas-Zuleta², Catalina Orozco-González², Jorge Hernando Donado-Gomez², Natalia Andrea Duque-Zapata²

¹ Medicarte S.A.S, Bogotá, D.C., Colombia

² Medicarte S.A.S, Medellín, Colombia

Introducción. La afectación cardíaca clínicamente evidente en la esclerosis sistémica (SSc) se asocia con un mal pronóstico y hasta un 70 % de mortalidad a 5 años. Aproximadamente el 25 % de las muertes relacionadas con la SSc se debe a causas cardíacas. El curso del tiempo y la dinámica de estos estados patológicos son poco conocidos y no hay pautas para su detección o tratamiento.

Objetivo. Determinar la relación entre los factores de riesgo cardiovascular (CV) y el tiempo de evolución en pacientes con SSc.

Materiales y métodos. Se analizó una cohorte de pacientes con SSc en una institución especializada multicéntrica de Colombia. Se utilizaron estadísticas descriptivas y estratificadas de factores de riesgo cardiovascular por sexo y tiempo de evolución de la enfermedad (<5; 5 a 9; ≥10 años); las comparaciones se hicieron mediante pruebas de ji al cuadrado.

Resultado. De los 172 pacientes con SSc, el 95,93 % correspondió a mujeres; la mediana de edad fue de 55 años (RIC: 46-63,5); la mediana de evolución de la enfermedad fue de 6,4 años (RIC: 3,4-11,4), la edad en el momento del diagnóstico fue de 46,8 años (RIC: 37,3-54,6), y el tiempo del tratamiento actual de 3,1 años (RIC: 1,2-6,4). No se encontraron diferencias estadísticamente significativas en cuanto al sexo o el tiempo de evolución de enfermedad y la relación con la hipertensión arterial (20 %), la diabetes (13 %), el sobrepeso o la obesidad (40 %), el tabaquismo (5 %) y el alcoholismo (8 %) ($p>0,05$). No se observó hiperlipidemia.

Conclusión. A pesar de estos resultados, se sabe que estos pacientes tienen mayor riesgo de complicaciones cardiovasculares que la población general, por lo que se recomienda un seguimiento estrecho para un control óptimo de la enfermedad y la detección y tratamiento temprano de factores de riesgo modificables para prevenir la ECV.

Palabras clave: esclerodermia sistémica; enfermedades cardiovasculares; factores de riesgo; pronóstico; enfermedades autoinmunitarias; enfermedad crónica.

Referencias

1. Kurmann RD, Sandhu AS, Crowson CS, Matteson EL, Osborn TG, Warrington KJ, *et al.* Cardiovascular risk factors and atherosclerotic cardiovascular events among incident cases of systemic sclerosis: results from a population-based cohort (1980-2016). *Mayo Clin Proc.* 2020;95:1369–78. <https://doi.org/10.1016/j.mayocp.2019.12.015>
2. Cen X, Feng S, Wei S, Yan L, Sun L. Systemic sclerosis and risk of cardiovascular disease. *Medicine (Baltimore).* 2020;99:e23009. <https://doi.org/10.1097/MD.00000000000023009>
3. Ungprasert P, Sanguankeo A, Upala S. Risk of ischemic stroke in patients with systemic sclerosis: A systematic review and meta-analysis. *Mod Rheumatol.* 2016;26:128–31. <https://doi.org/10.3109/14397595.2015.1056931>
4. Ali H, Ng KR, Low AHL. A qualitative systematic review of the prevalence of coronary artery disease in systemic sclerosis. *Int J Rheum Dis.* 2015;18:276–86. <https://doi.org/10.1111/1756-185X.12566>

Estudio de los antioxidantes y oxidantes en pacientes con nefropatía diabética antes del inicio de la diálisis peritoneal

Anakaren Cruz Rosales¹, Juan Carlos Contreras², Patricia Valdez Caballero¹, María Esther Ocharán Hernández³, Juan Manuel Gallardo¹

¹. Unidad de Investigación Médica en Enfermedades Nefrológicas, Hospital de Especialidades Centro Médico Nacional Siglo XXI, Instituto Mexicano del Seguro Social, Ciudad de México, México

². Hospital General de Zona No. 27, Torreón Coah, México

³. Sección de Estudios de Posgrado e Investigación, Escuela Superior de Medicina, Instituto Politécnico Nacional, Ciudad de México, México

Introducción. La nefropatía diabética (ND) es un problema de salud pública cada vez mayor en todo el mundo cuya incidencia y prevalencia van en aumento y que la mayoría de las veces se detecta en estadios tardíos. Se sabe que el incremento del estrés oxidativo contribuye de forma importante en la patogenia multisistémica de la diabetes mellitus.

Objetivo. Determinar el estado de oxidación en pacientes con nefropatía diabética a punto de iniciar su tratamiento con diálisis peritoneal y compararlos con un grupo de pacientes con nefropatías no diabéticas y un grupo de control (sanos).

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal, observacional, analítico y comparativo, con un total de 118 sujetos (57,6 % mujeres y 42,3 % hombres). El 53,3 % tenía diagnóstico de ND en estadio 5, el 12,7 % no era diabético pero tenían nefropatías en estadio 5. En las muestras sanguíneas se midieron los antioxidantes VC, SOD, y GSH y los oxidantes NOx, MDA, AGE y AOPPs con espectrofotometría.

Resultados. No hubo diferencias en el VC ($p=0,2594$) ni el SOD ($p=0,7470$). La actividad del GSH fue mayor en los sanos ($p<0,0001$) que en los ND. Los biomarcadores de oxidación como NOx y MDA no registraron diferencias $p=0,5924$ y $p=0,5134$, respectivamente. Los AGE presentaron diferencias ($p=0,0043$), con mayor concentración en los ND que en las personas sanas. También hubo cambios ($p<0,0001$) en la AOPP, la cual fue mayor en la ND.

Conclusiones. Los biomarcadores antioxidantes se encontraron disminuidos en los pacientes con nefropatía diabética y no diabética y los oxidativos estaban incrementados.

Palabras clave: nefropatía diabética; estrés oxidativo; biomarcadores; antioxidantes; oxidantes.

Referencias

1. Yamagishi S, Matsui T. Advanced glycation end products, oxidative stress and diabetic nephropathy. *Oxidative Medicine and Cellular Longevity*. 2010;3:101-8.
2. Lindblom R, Higgins G, Coughlan M, B de Haan J. Targeting mitochondria-and reactive oxygen species-driven pathogenesis in diabetic nephropathy. *The Review of Diabetic Studies*. 2010;12:134-52.
3. Jha J, Banal C, Chow B, Cooper M, Jandeleit K. Diabetes and kidney disease: Role of Oxidative Stress. *Discoveries*. 2016;25:657-84.
4. Guo J, Zheng HJ, Zhang W, Lou W, Xia C, Han XT, *et al*. Accelerated kidney aging in diabetes mellitus. *Oxid Med Cell Longev*. 2020;2020:1234059. <https://doi.org/10.1155/2020/1234059>

Características sociodemográficas, individuales, clínicas y de atención de pacientes con cáncer gástrico atendidos en el Instituto Nacional de Cancerología, Bogotá, Colombia

Sandra Milena Manrique¹, Devi Nereida Puerto²

¹ Grupo de Prevención y Detección Temprana de Cáncer, Instituto Nacional de Cancerología, Bogotá, D.C., Colombia

² Grupo del Área de Salud Pública, Instituto Nacional de Cancerología, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. El cáncer gástrico tiene altas tasas de mortalidad en el país, siendo uno de los más prevalentes, y la mayoría de los casos se detectan en estados avanzados. Es una enfermedad multifactorial que involucra la presencia de *Helicobacter pylori*, factores medioambientales y factores genéticos. Se han descrito otros factores como el nivel educativo y socioeconómico y el lugar de residencia determinantes de la exposición al riesgo y el acceso a la atención sanitaria.

Objetivo. Determinar las características sociodemográficas, individuales, clínicas y de atención de pacientes con cáncer gástrico atendidos en el Instituto Nacional de Cancerología en Bogotá durante el 2019 y el 2020.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, analítico, de corte transversal. Se utilizaron estadísticos descriptivos, pruebas de ji al cuadrado (χ^2) y análisis de correspondencias múltiples.

Resultados. Participaron 139 pacientes con adenocarcinoma gástrico. Se encontró una asociación estadísticamente significativa ($p < 0,05$) entre el nivel educativo y el consumo de bebidas alcohólicas, la actividad física, el conocimiento de los factores de riesgo y el estadio diagnóstico, así como entre el nivel socioeconómico, el consumo de bebidas alcohólicas, el conocimiento de los factores de riesgo, las barreras económicas y el estadio diagnóstico.

Conclusiones. Los resultados señalan la importancia de factores determinantes como la posición socioeconómica y el nivel educativo tanto en la exposición y acumulación de algunos factores de riesgo como en el proceso de atención sanitaria y la obtención de un diagnóstico temprano o tardío.

Palabras clave: neoplasias gástricas; factores sociales determinantes de la salud; accesibilidad a los servicios de salud; diagnóstico precoz.

Referencias

1. IARC. International Agency for Research on Cancer. The Global Cancer Observatory. Globocan. Colombia. Lyon: IARC; 2021. Fecha de consulta: 14 de junio de 2021. Disponible en: <https://gco.iarc.fr/today/data/factsheets/populations/170-colombia-fact-sheets.pdf>
2. Otero W, Gómez M, Castro D. Carcinogénesis gástrica. Rev Col Gastroenterol. 2009;24:314-29.
3. Oliveros R, Pinilla-Morales R, Facundo-Navia H, Sánchez-Pedraza R. Cáncer gástrico: una enfermedad prevenible. Estrategias para intervención en la historia natural. Rev Col Gastroenterol. 2019;34:177-89. <https://doi.org/10.22516/25007440.394>
4. Amado AM, Mantilla L, Ospina D, Maturana D, Uribe C. Barreras para la atención en salud durante el diagnóstico y el tratamiento del cáncer gástrico. MedUnab. 2017;19:211-20.
5. IARC. International Agency for Research on Cancer. Reducing social inequalities in cancer: evidence and priorities for research. Lyon: IARC; 2019. Fecha de consulta: 23 de julio de 2021. Disponible en: <https://publications.iarc.fr/Book-And-Report-Series/Iarc-Scientific-Publications/Reducing-Social-Inequalities-In-Cancer-Evidence-And-Priorities-For-Research-2019>

Evaluación del índice internacional de calidad de la dieta en pacientes con litiasis urinaria de Yucatán

Keily Noriyouky Ix-Ruiz¹, Alfredo Geovanny Pech-Aguilar¹, Delia Sansores-España^{1,2}, Isabel Medina-Vera³, Azalia Ávila-Nava¹

¹. Hospital Regional de Alta Especialidad de la Península de Yucatán, Mérida, México

². Escuela de Salud, Universidad Modelo, Mérida, México

³. Departamento de Metodología, Instituto Nacional de Pediatría, Ciudad de México, México

Introducción. La litiasis urinaria (LU) es un problema de salud pública, es la segunda causa de enfermedad renal crónica y responsable del 50 % de las nefrectomías realizadas en Yucatán. La LU es una patología multifactorial con factores de riesgo como el estilo de vida, especialmente la alimentación. Una de las herramientas para el análisis de la alimentación es el índice internacional de la calidad de la dieta (ICD) orientado a evaluar la dieta completa y no un solo nutriente o alimento. Hasta ahora, no existe evidencia sobre el uso de este índice en pacientes con LU.

Objetivo. Evaluar el ICD en población adulta con LU en Yucatán.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal descriptivo en pacientes con LU en quienes se evaluó el ICD. Se realizó una prueba t de una muestra Vs. los puntajes máximos de cada categoría.

Resultados. Se evaluaron 27 pacientes con una edad promedio de $41,4 \pm 8,5$ años, de los cuales el 58,3 % correspondía a hombres y el 72,4 % presentaba exceso de peso. El puntaje total del ICD fue significativamente bajo ($59,3 \pm 16,9$ Vs. 100, $p < 0,0001$), así como el puntaje de sus categorías: variedad ($15,4 \pm 4,7$ Vs. 20), adecuación ($22,8 \pm 8,7$ Vs. 40), moderación ($19,5 \pm 6,4$ Vs. 30) y balance general ($1,7 \pm 2,3$ Vs. 10) ($p < 0,0001$).

Conclusión. Los pacientes con LU presentan un puntaje bajo en el ICD, así como en sus cuatro grandes categorías, observándose una calidad deficiente de la dieta.

Palabras clave: litiasis urinaria; calidad; dieta; Yucatán.

Referencias

1. Medina-Escobedo M, Martín-Soberanis G. Nefrolitiasis como indicación de nefrectomía. Estudio multicéntrico. Rev Med Inst Mex Seguro Soc. 2009;47:29-32.
2. Siener R. Nutrition and Kidney Stone Disease. Nutrients. 2021;13:1917. <https://doi.org/10.3390/nu13061917>
3. Bilbao-Reboredo T, García-Castañón LF, Ortega-González JA, Fernández de Gamboa-Orrego AA, Vélez-Pliego M. Sobre el empleo del Índice Internacional de Calidad de la Dieta en la calificación de los ingresos dietéticos de las alumnas de la Licenciatura en Nutrición Clínica de una universidad mexicana. Rev Cubana Aliment Nutr. 2020;30:1-22.
4. Kim S, Haines PS, Siega-Riz AM, Popkin BM. The Diet Quality Index-International (DQI-I) provides an effective tool for cross-national comparison of diet quality as illustrated by China and the United States. J Nutr. 2003;133:3476-384. <https://doi.org/10.1093/jn/133.11.3476>

Síndrome de *burnout* y depresión en estudiantes de una escuela médica colombiana, 2018

Felipe Serrano^{1,2}, Laura Tatiana Calderón², Carlos Andrés Gualdrón^{1,2}, Jesús Daniel Mogollón², Christian Mejía³

¹. Grupo de Investigación ACEMED-UPTC, Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia, Tunja, Colombia

². Asociación Científica de Estudiantes de Medicina de la UPTC-ACEMED UPTC, Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia, Tunja, Colombia

³. Universidad Continental, Lima, Perú

Introducción. El síndrome de burnout (SB) no se ha evaluado en muchas poblaciones de estudiantes de medicina y menos aún en su relación con la depresión.

Objetivo. Determinar la frecuencia del SB en estudiantes de medicina de la Universidad Pedagógica y Tecnológica de Colombia (UPTC) de Tunja, así como su asociación con la depresión y otros factores sociales, económicos, demográficos y académicos.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional, analítico de corte transversal en 182 estudiantes de medicina durante el 2018. Se les aplicó la prueba *Maslach Burnout Inventory-Student Survey* (MBI-SS), que tiene tres componentes para determinar si hay SB. Los resultados se cruzaron en el programa Stata 15 con la depresión y otras variables sociales, económicas, demográficas y académicas utilizando los modelos lineales generalizados (GLM).

Resultados. De 182 encuestados, el 51,4 % correspondía a mujeres; la mediana de edad era de 21 años (20-23 años). El 14 % tenía SB, y de este porcentaje, el 48 % tenía depresión. En la regresión múltiple se asoció significativamente el SB con una mayor frecuencia de depresión (RPa: 5,54; IC_{95%}: 2,36-13,02; p<0,001) y sentir que el dinero no les alcanzaba (RPa: 4,37; IC_{95%}: 1,95-9,83; p<0,001), en tanto que hubo asociación negativa con el tabaquismo (RPa: 0,13; IC_{95%}: 0,06-0,30; p<0,001) y ser mujer (RPa: 0,32; IC_{95%}: 0,12-0,82; p:0,018). La edad de inicio de consumo de marihuana no fue significativa.

Conclusiones. El SB mostró una alta asociación con el incremento de la depresión y sentir que el dinero no alcanzaba hasta fin de mes, pero hubo una asociación negativa con el consumo de tabaco y ser mujer. Se deben detectar los estudiantes afectados para brindarles un apoyo académico adecuado.

Palabras clave: agotamiento psicológico; Colombia; depresión; estudiantes de medicina; síndrome de burnout.

Referencias

1. Arango A, Castaño C, Henao R, Jiménez A, López H, Páez C. Síndrome de Burnout y factores asociados en estudiantes de I a X semestre de la facultad de Medicina de la Universidad de Manizales (Colombia). Arch Med. 2010;10:110-26. <https://doi.org/10.30554/archmed.10.2.1291.2010>
2. Shi M, Wang X, Bian Y, Wang L. The mediating role of resilience in the relationship between stress and life satisfaction among Chinese medical students: a cross-sectional study. BMC Med Educ. 2015;15:16. <https://doi.org/10.1186/s12909-015-0297-2>
3. Brazeau C, Shanafelt T, Durning S, Massie F, Eacker A, Moutier C, et al. Distress among matriculating medical students relative to the general population. Acad Med. 2014;89:1520-5. <https://doi.org/10.1097/acm.0000000000000482>
4. O'Neill L, Wallstedt B, Eika B, Hartvigsen J. Factors associated with dropout in medical education: a literature review. Med Educ. 2011;45:440-54. <https://doi.org/10.1111/j.1365-2923.2010.03898.x>
5. Caballero C, Bresó E, Gutiérrez O. Burnout en estudiantes universitarios. Psicol Caribe. 2015;32:424-41. <https://doi.org/10.14482/psdc.32.3.6217>

Presentación de caso: cetoacidosis grave en un lactante de 14 meses

Cindy Viviana Rodríguez¹, Daniel Eduardo Gutiérrez¹, Juan Pablo López²

¹ Clínica Infantil Colsubsidio, Bogotá D.C., Colombia

² Universidad de Salamanca, Salamanca, España

Introducción. La diabetes mellitus tipo 1 es una patología frecuente en pediatría, aunque su presentación en lactantes no lo es tanto; la mortalidad suele ser relativamente alta cuando se asocia con cetoacidosis diabética. En esta población los síntomas clásicos de la cetoacidosis son inusuales, por lo que el diagnóstico es difícil y en muchas ocasiones se confunde con cuadros infecciosos. Se presenta un caso clínico de diabetes mellitus tipo 1 con cetoacidosis diabética grave en una lactante mayor de 14 meses.

Objetivo. Realizar una revisión de la literatura sobre cetoacidosis diabética en lactantes partiendo de la presentación del caso de una lactante mayor con cetoacidosis grave asociada a síntomas respiratorios altos que requirió manejo en la unidad de cuidados intensivos (UCI).

Materiales y métodos. Se presenta un caso clínico de una paciente de 14 meses con cetoacidosis diabética grave. Se hizo en el análisis del caso clínico y una revisión de la literatura enfocada en el diagnóstico diferencial y etiológico de la cetoacidosis en esta población.

Resultados. La cetoacidosis diabética debe considerarse como diagnóstico diferencial en pacientes lactantes con alteraciones respiratorias y compromiso general, con el fin de establecer tempranamente el manejo terapéutico adecuado.

Conclusión. Este caso se informa dada la baja incidencia de cetoacidosis diabética en el grupo etario de lactantes. Es relevante considerar el diagnóstico durante procesos respiratorios frecuentes en esta población para instaurar un manejo adecuado y oportuno, especialmente en el marco de la pandemia de COVID-19.

Palabras clave: cetoacidosis diabética; diabetes mellitus tipo 1; lactante.

Referencias

1. Katte JC, Djoumessi R, Njindam G, Fetse GT, Dehayem M, Kengne AP. Newly-onset diabetic ketoacidosis in a 13-months old African toddler: a case report. *Pan Afr Med J.* 2015;22:293. <https://doi.org/10.11604/pamj.2015.22.293.7581>
2. Soliman AT, Al-Amri M, Alleethy K, Alaaraj N, Hamed N, De Sanctis V. Newly-onset type 1 diabetes mellitus precipitated by COVID-19 in an 8-month-old infant. *Acta Biomed.* 2020;91:e2020046. <https://doi.org/10.23750/abm.v91i3.10074>
3. Wolfsdorf J, Glaser N, Sperling MA. Diabetic ketoacidosis in infants, children, and adolescents: a consensus statement from the American Diabetes Association. *Diabetes Care.* 2006 May;29:1150–9
4. Daneman D, Frank M, Perlman K, Wittenberg J. The infant and toddler with diabetes: Challenges of diagnosis and management. *Paediatrics & Child Health.* 1999;4:57–63.

Análisis de los factores determinantes de la mortalidad materna en Cundinamarca, 2016-2019

Karol Tatiana Colorado^{1,2}, Tatiana Eugenia Díaz³, Richard Andrés Cabrera⁴

¹. Gobernación de Risaralda, Pereira, Colombia

². Universidad del Tolima, Ibagué, Colombia

³. Ministerio de Salud y Protección Social, Bogotá, D.C., Colombia

⁴. Cruz Roja Risaralda, Pereira, Risaralda

Introducción. La salud materna es una prioridad a nivel mundial, pues es un indicador del grado de desarrollo de un país, y está incluida en los objetivos de desarrollo del milenio. Sus índices miden la importancia que un país le da a la salud de materna y perinatal.

Objetivo. Determinar los aspectos que caracterizan la mortalidad materna en Cundinamarca, así como las causas que pueden estar influyendo en ella.

Materiales y métodos. Se establecieron frecuencias absolutas y relativas que caracterizan este tipo de mortalidad. Se hizo un análisis bivariado y se calcularon los indicadores con base en las variables de los factores determinantes extraídos del Sistema de Vigilancia de la Mortalidad Materna Basada en la Web (SVEMMBW).

Resultados. En el 2019 la razón más alta de muerte materna por edad se presentó en mujeres >40 años y la más baja en mujeres entre los 30 y 34 años; la razón de mortalidad materna aumentó con la edad. En el 2016 las mujeres con nivel de educación primaria tuvieron un mayor riesgo de mortalidad materna (RR: 1,56; IC_{95%}: 1,27-1,92); en el 2017 se evidenció que el riesgo de que una mujer con educación primaria muriera por una casusa relacionada con la gestación fue 5,8 veces mayor que en las mujeres con educación de nivel técnico. En el 2018 el riesgo descendió, pero siguió siendo estadísticamente significativo (80 % más riesgo). Las mujeres dadas de alta de manera inadecuada constituyen un indicador presente en casi una cuarta parte de los casos.

Conclusiones. El indicador de muerte materna es altamente sensible a condiciones de inequidad. Los determinantes estructurales de las desigualdades en salud influyen en la mortalidad materna de las mujeres del departamento.

Palabras clave: mortalidad materna; vigilancia en salud pública; factores sociales determinantes en salud; razón de mortalidad; sistema de vigilancia de la mortalidad; epidemiología.

Referencias

1. Documento Conpes Social 140, Consejo Nacional de Política Económica y Social. Bogotá, D.C.: Departamento Nacional de Planeación; 2011.
2. Departamento Administrativo Nacional de Estadística (DANE). Estadísticas vitales (defunciones y nacimientos). Muertes maternas notificadas a Sivigila del 2015. Bogotá, D.C.: DANE; 2015.
3. Instituto Nacional de Salud. Protocolos de vigilancia en salud pública. Obtenido de Protocolo Mortalidad Materna. Fecha de consulta: 14 de agosto de 2019. Disponible en: https://www.ins.gov.co/buscador-eventos/Lineamientos/PRO%20Mortalidad%20materna_.pdf
4. Departamento Nacional de Planeación. Informe de seguimiento de los Objetivos de Desarrollo del Milenio. Bogotá, D.C.: DNP; 2014.

Factores asociados con la violencia de género e intrafamiliar en habitantes de la comuna 1 de Bucaramanga entre 2018 y 2021

Carolina Becerra¹, Azucena Marín¹, Rafael Enrique Esquiaqui²

¹ Vigilancia Epidemiológica, Secretaría de Salud y Ambiente de Bucaramanga, Bucaramanga, Colombia

² Oficina TICs, Alcaldía de Bucaramanga, Bucaramanga, Colombia

Introducción. Las relaciones de género reflejan las desigualdades frente al poder expresadas en el dominio que los hombres ejercen en las mujeres. Estas también se ven influidas por la etnia, la orientación sexual o la identidad de género, lo cual acrecienta la vulnerabilidad de estos grupos.

Objetivo. Determinar factores asociados con la violencia sexual notificados durante 2018-2021 en la comuna 1 de Bucaramanga.

Materiales y métodos. Las variables cuantitativas y cualitativas se resumieron en medidas de tendencia central y de dispersión y frecuencias, respectivamente. Se empleó la regresión logística y se tomó un valor de $p < 0,05$ para establecer diferencias estadísticamente significativas. La variable dependiente fue el episodio de violencia sexual evaluado con respecto a algunas variables independientes.

Resultados. Las víctimas tenían un promedio de edad de 17 ± 14 años y el agresor de 39 ± 13 años y en la mayoría de los casos no había parentesco entre unas y otros; la violencia física fue la más frecuente (39 %). En los jóvenes (OR: 10,8; IC_{95%}: 2,2-54,1) y adultos (OR: 10,8; IC_{95%}: 4,7-359,6) fue más frecuente encontrar víctimas de violencia sexual, así como en los hombres (OR: 2,7; IC_{95%}: 1,3-5,7) que convivían con el agresor (OR: 4,3; IC_{95%}: 2,2-8,4), y personas con antecedentes de violencia (OR: 7,2; IC_{95%}: 1,5-33,7).

Conclusión. Las acciones de acompañamiento y seguimiento en los hogares son claves para manejar la violencia de género intrafamiliar en la comuna 1 de Bucaramanga. El trabajo comunitario para reconocer los actos violentos, especialmente en los grupos vulnerables, puede orientar las consultas y las denuncias, con el fin de evitar la reincidencia.

Palabras clave: violencia de género; agresión; delitos sexuales.

Referencias

1. Instituto Nacional de Salud. Protocolo de Vigilancia en Salud Pública. Violencia de género e intrafamiliar. Fecha de consulta: julio 28 de 2021. Disponible en: https://www.ins.gov.co/buscadoreventos/Lineamientos/Pro_violencia%20genero.pdf
2. Puente MA, Ubillos LS, Echeburúa E, Páez RD. Factores de riesgo asociados a la violencia sufrida por la mujer en la pareja: una revisión de metaanálisis y estudios recientes. *Anales de Psicología*. 2016;32:295-306. <https://doi.org/10.6018/analesps.32.1.189161>
3. Ministerio de Salud Pública y Bienestar Social Paraguay. Violencia intrafamiliar y de género. Fecha de consulta: agosto 24 de 2021. Disponible en: <https://data.miraquetemiro.org/sites/default/files/documentos/31%20Manual%20Atencion%20Violencia%20Intrafamiliar%20y%20de%20Genero.pdf>
4. Instituto Nacional de Salud. Informe del evento de violencia de género en Colombia. Fecha de consulta: agosto 10 de 2021. Disponible en: <https://www.minsalud.gov.co/sites/rid/Lists/BibliotecaDigital/RIDE/IA/INS/informe-violencia-genero-2015.pdf>

Factores de riesgo y efectos asociados a la hiperglucemia en mujeres en etapa preconcepcional, embarazo y posparto. Revisión sistemática

Leslie Piedad Montealegre, Laura Vanesa Cabarcas, Marisleisis Estrada, Tammy Irina Pulido, Eulalia María Amador

Universidad Libre, Barranquilla, Colombia

Introducción. La hiperglucemia en el embarazo ha ido en aumento y constituye la causa de la mayoría de las complicaciones en este periodo.

Objetivo. Determinar los factores de riesgo y los efectos asociados a la hiperglucemia en mujeres en etapa preconcepcional, en embarazo y en el posparto.

Materiales y métodos. Se buscaron en bases de datos estudios observacionales y ensayos clínicos utilizando descriptores del Mesh y los Decs. Los artículos hallados se organizaron en tablas por autores y se agruparon según la relación con los factores de riesgos o los efectos asociados a la hiperglucemia en el embarazo; posteriormente se analizaron los resultados de cada artículo y se compararon para llegar a las conclusiones.

Resultados. Se encontraron inicialmente 168 artículos y finalmente se incluyeron 24 ajustados a los criterios de inclusión. Se encontró que la hiperglucemia y la resistencia a la insulina pre-gestacional son factores de riesgo para el desarrollo de diabetes gestacional. No se encontraron efectos asociados en el neonato hijo de madre con antecedentes de hiperglucemia.

Conclusión. La hiperglucemia es prevenible y puede ser controlada y detectada antes del comienzo de la gestación. El control prenatal y los cambios en el estilo de vida son el primer paso, pues su diagnóstico o tamizaje oportunos mejora el pronóstico del bienestar materno y fetal. Si se mejoran estas condiciones, la tasa de complicaciones en el embarazo disminuiría y las repercusiones sistémicas serían nulas.

Palabras claves: preconcepción; embarazo; posparto; hiperglucemia.

Referencias

1. Miao ZR, Wu HH, Zhang YZ, Sun WJ, Lu DF, Yang HX, *et al.* Evaluation of the gestational diabetes mellitus diagnostic criteria recommended by the international association of diabetes and pregnancy study group for long-term maternal postpartum outcomes in mainland China. *Medicine.* 2020;99:e19242.
2. Salehi-Pourmehr H, Mohammad-Alizadeh S, Jafarilar-Agdam N, Rafiee S, Farshbaf-Khalili A. The association between pre-pregnancy obesity and screening results of depression for all trimesters of pregnancy, postpartum and 1 year after birth: a cohort study. *J Perinat Med.* 2018;46:87-95
3. Pérez-Ferre N, Del Valle L, Torrejón M, Barca I, Calvo M, Matía P, *et al.* Diabetes mellitus and abnormal glucose tolerance development after gestational diabetes: A three-year, prospective, randomized, clinical-based, Mediterranean lifestyle interventional study with parallel groups. *Clinical Nutrition.* 2015;34:579-85.
4. O'Dea A, Tierney M, Danyliv A, Glynn L, McGuire B, Carmody L, *et al.* Screening for gestational diabetes mellitus in primary versus secondary care: The clinical outcomes of a randomised controlled trial. *Diabetes Research and Clinical Practice.* 2016;117:55-63.

Modelo de agrupación mediante redes neuronales artificiales de una cohorte colombiana de pacientes con artritis reumatoide

Kevin Julian Franco-Cuervo¹, Luis Fernando Niño², Gerardo Quintana³

¹ Maestría en Ingeniería Biomédica, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

² Departamento de Ingeniería de Sistemas e Industrial, Facultad de Ingeniería, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

³ Departamento de Medicina Interna, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La artritis reumatoide es una enfermedad crónica que se caracteriza por inflamación y dolor articular. En su manejo clínico es usual recurrir a múltiples variables de diferente naturaleza para determinar así el estado de la enfermedad, el perfil de riesgo y el posterior tratamiento.

Objetivo. Determinar las variables más influyentes a partir de una apropiada agrupación multivariable de una cohorte de pacientes con artritis reumatoide.

Materiales y métodos. En una cohorte de 1.277 pacientes mayores de 18 años diagnosticados con artritis reumatoide en la Fundación Santa Fe de Bogotá y datos recopilados entre el 2013 y el 2020, se implementó un modelo de agrupación (mapa autoorganizado de Kohonen – SOM), aplicando esta red neuronal a la base de datos previamente procesada. El modelo se aplicó a 23 variables (17 continuas y 6 discretas) y 14.811 registros. Las variables consideradas fueron los índices clinimétricos (DAS28, CDAI, SDAI), serológicos y del estado del paciente. Al generar la agrupación se hizo el análisis del peso y la influencia de estas sobre la red neuronal.

Resultados. La disimilitud entre grupos fue muy baja al tomar solo las variables continuas y aumentó al contemplar todas las variables. En la formación de los grupos se confirmó la influencia del factor reumatoide y los CCP; además, los anticuerpos antinucleares (ANA) también tuvieron gran influencia, especialmente aquellos con resultado negativo para ANA o positivo con un patrón homogéneo.

Conclusión. Se hizo una apropiada agrupación multivariada usando el SOM y se visualizaron los grupos, su disimilitud y los pesos e influencia de las variables al generar los grupos.

Palabras clave: artritis reumatoide; aprendizaje automático; redes neuronales artificiales.

Referencias

1. Aletaha D, Neogi T, Silman AJ, Funovits J, Felson DT, Bingham CO, *et al.* 2010 Rheumatoid Arthritis Classification Criteria. *Arthritis & Rheumatism*. 2010;62:2569–81
2. Hellmann D, Imboden JB. Trastornos reumatológicos, inmunitarios y alérgicos. Diagnóstico clínico y tratamiento. 1. New York, EEUU: McGraw.Hill; 2017.
3. Rovenský J, Payer J. Dictionary of Rheumatology. 2nd ed. Rovenský J, Payer J, editors. Switzerland: Springer International; 2016.
4. Smolen JS, Aletaha D, McInnes IB. Rheumatoid arthritis. *Lancet*. 2016;388:2023–38. [https://doi.org/10.1016/S0140-6736\(16\)30173-8](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(16)30173-8)
5. Aletaha D, Martínez-Ávila J, Kvien TK, Smolen JS. Definition of treatment response in rheumatoid arthritis based on the simplified and the clinical disease activity index. *Annals of the Rheumatic Diseases*. 2012;71:1190–6.

Evaluación y seguimiento de la condición física en mujeres con hiperglucemia o en riesgo de adquirirla en las etapas de preconcepción, gestación y posparto: revisión sistemática

Tammy Irina Pulido, Cristian Javier Del Risco, Leslie Piedad Montealegre, Eulalia María Amador
Universidad Libre, Barranquilla, Colombia

Introducción. La actividad física evitaría muchas consecuencias para la madre y el feto, ya que una condición física deficiente y un mal control de la hiperglucemia en las mujeres gestantes podrían ocasionar complicaciones para ambos, por lo que es importante conocer los métodos, pruebas e instrumentos indicados para evaluar y hacer seguimiento de la condición física en la mujer con hiperglucemia o en riesgo de adquirirla durante la preconcepción, la gestación y el postparto.

Objetivo. Determinar mediante una revisión sistemática los instrumentos o pruebas indicadas en la evaluación y seguimiento de la actividad física y la condición física de mujeres embarazadas con hiperglucemia o en riesgo de adquirirla.

Materiales y métodos. Se hizo una búsqueda sistemática y exhaustiva en las bases de datos electrónicas Scientific Electronic library online (SCIELO), Redalyc, Pubmed y Elseiver (enero 2011 a diciembre 2019). Se utilizaron términos Mesh y Decs, además de una síntesis temática para analizar los datos.

Resultados. Se encontraron 16 investigaciones: cinco revisiones sistemáticas, seis estudios observacionales y cinco ensayos clínicos que cumplieron con los criterios de inclusión. En los artículos se confirmó que una evaluación temprana de la condición física ayuda a prevenir la preeclampsia y el nacimiento prematuro, así como a disminuir la diabetes gestacional.

Conclusiones. Entre los métodos encontrados están el SWEP, el cuestionario *Paffenbarger Physical Activity Questionnaire*, la *International Fitness Scale*, la prueba de caminata de 6 minutos, el test del habla y el *Pregnancy Physical Activity Questionnaire*.

Palabras clave: diabetes gestacional; condición física y embarazo; diagnóstico de condición física en el embarazo.

Referencias

1. Cordero Y, Peláez M, De Miguel M, Perales M, Barakat R. ¿Puede el ejercicio físico moderado durante el embarazo actuar como un factor de prevención de la diabetes gestacional? RICYDE. Revista Internacional de Ciencias del Deporte. 2012;VIII:3-19.
2. Márquez JJ, García V, Ardila R. Ejercicio y prevención de obesidad y diabetes mellitus gestacional. Rev Chil Obstet Ginecol. 2012;775:401-6.
3. Leppe J, Besomi M, Olsen C, Mena MJ, Roa S. Nivel de actividad física según GPAQ en mujeres embarazadas y postparto que asisten a un centro de salud familiar. Rev Chil Obstet Ginecol. 2013;78:425-31. <https://doi.org/10.4067/S0717-75262013000600004>
4. Harrison CL, Thompson RG, Teede HJ, Lombard CB. Measuring physical activity during pregnancy. Int J Behav Nutr Phys Act. 2011;19. <https://doi.org/10.1186/1479-5868-8-19>

Prevalencia de cuerpo extraño en córnea y factores asociados a la queratitis en Cali, Colombia. Estudio transversal

Diego Andrés Guarí¹, Francisco Javier Bonilla^{1,2,3}, Omar Fernando Salamanca^{1,4}, Alexander Maximiliano Martínez¹, Gerson López^{5,6}

¹ Grupo de Investigación en Visión y Salud Ocular (VISOC), Servicio de Oftalmología, Universidad del Valle, Cali, Colombia

² Department of Ophthalmology, School of Medicine, University of Pittsburgh, USA

³ Fundación Somos Ciencia al Servicio de la Comunidad, SCISCO, Cali, Colombia

⁴ Orbis International, NY, USA

⁵ Clínica Oftalmológica de Cali, Cali, Colombia

⁶ Universidad del Valle, Cali, Colombia

Introducción. Los cuerpos extraños en la córnea (CEC) son un motivo de consulta de urgencias frecuente en oftalmología. Pueden generar secuelas irreversibles si no son tratados a tiempo o adecuadamente y generan altos costos a los pacientes y al sistema de salud.

Objetivo. Caracterizar la población con CEC en un centro de referencia oftalmológico del suroccidente colombiano entre 2018 y 2019.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal de pacientes con diagnóstico de CEC. La información se recolectó de las historias clínicas. Se hicieron el análisis univariado, el bivariado y el multivariado de las variables del estudio.

Resultados. Se analizaron 387 casos, de los cuales el 94,57 % correspondía a hombres. La edad promedio fue 41,04 ±15,61. La lesión ocurrió de forma no intencional en el 99 % de los casos. Los síntomas más frecuentes fueron la sensación de cuerpo extraño (76,26 %) y el ojo rojo (43,67 %). Los pacientes desarrollaron queratitis en un 25,85 %, lo que se relacionó en el modelo variado y multivariado ($p<0,05$) con hallazgos de células/*flare*, infiltrados, sensación de cuerpo extraño y la localización del CEC en la periferia de la córnea.

Conclusiones. Este es el primer estudio que describe las características clínicas y sociodemográficas de pacientes con CEC en Cali, Colombia. Encontramos una prevalencia alta de queratitis asociada, aunque es necesario realizar nuevos estudios para establecer la relación causal.

Palabras clave: cuerpo extraño; córnea; queratitis.

Referencias

1. Maloba V, Nday F, Mwamba B, Tambwe H, Senda F, Ktanga L, *et al*. Ocular foreign bodies: Epidemiological, clinical and therapeutic aspects in Lubumbashi: About 98 cases. *J Fr Ophthalmol.* 2020;43:704-9
2. Agrawal C, Girgis S, Sethi A, Sethi V, Konale M, Lokwani P, *et al*. Etiological causes and epidemiological characteristics of patients with occupational corneal foreign bodies: A prospective study in a hospital-based setting in India. *Indian J Ophthalmol.* 2020;68:54-7.
3. Ahmed F, House RJ, Feldman BH. Corneal Abrasions and Corneal Foreign Bodies. *Prim Care.* 2015;42:363-75
4. Brissette A, Mednick Z, Baxter S. Evaluating the need for close follow-up after removal of a noncomplicated corneal foreign body. *Cornea.* 2014;33:1193-6.

Manejo integral del tratamiento en pacientes con enfermedad pulmonar obstructiva crónica (EPOC) estable en la provincia Sugamuxi del departamento de Boyacá

Marcela América Roa, María del Pilar Rojas, Sandra Patricia Corredor, Alba Yanira Polanía
Universidad de Boyacá, Tunja, Colombia

Introducción. La enfermedad pulmonar obstructiva crónica (EPOC) es una de las enfermedades respiratorias que se ubica dentro de las primeras diez causas de muerte a nivel mundial y en Colombia. Desde la década de los 50, el consumo de cigarrillo se ha establecido como el factor de riesgo más importante, aunque hay prevalencia de EPOC en no fumadores debido a la polución ambiental, la exposición laboral y la biomasa. El manejo del paciente con EPOC debe ser integral para prevenir su progresión, aliviar síntomas, aumentar la tolerancia al ejercicio y mejorar la calidad de vida, preservando la función pulmonar, disminuyendo la frecuencia y gravedad de las exacerbaciones y la mortalidad.

Objetivo. Determinar el manejo integral del tratamiento de los pacientes con EPOC en la provincia de Sugamuxi, Boyacá.

Materiales y métodos. Se hizo una investigación transversal con diseño descriptivo correlacional en una muestra de 323 pacientes de la provincia de Sugamuxi. Se analizaron sus características sociodemográficas, los factores de exposición, y el tratamiento farmacológico y no farmacológico.

Resultados. El manejo de la EPOC se basó en el diagnóstico clínico y no en la prueba de espirometría forzada. Los factores asociados de mayor riesgo fueron el tabaquismo y la exposición laboral.

Conclusión. Deben establecerse estrategias de manejo e intervención desde la óptica clínica y la aplicación de pruebas funcionales estándar que permitan determinar un diagnóstico confiable y establecer el tratamiento de acuerdo a la gravedad.

Palabras clave: diagnóstico; enfermedad pulmonar obstructiva crónica; espirometría; calidad de vida; tratamiento farmacológico; tabaquismo.

Referencias

1. Lozano R, Naghavi M, Foreman K, Lim S, Shibuya K, Aboyans V, *et al.* Global and regional mortality from 235 causes of death for 20 age groups in 1990 and 2010: a systematic analysis for the Global Burden of Disease Study 2010. *Lancet Lond Engl.* 2012;380:2095–128.
2. Fletcher C, Peto R. The natural history of chronic airflow obstruction. *Br Med J.* 1977;1:1645–8.
3. Ashley F, Kannel WB, Sorlie PD, Masson R. Pulmonary function: relation to aging, cigarette habit, and mortality. *Ann Intern Med.* 1975;82:739–45.
4. Caballero A, Torres-Duque CA, Jaramillo C, Bolívar F, Sanabria F, Osorio P, *et al.* Prevalence of COPD in five Colombian cities situated at low, medium, and high altitude (PREPOCOL study). *Chest.* 2008;133:343–9.

Estudio de cuasicohortes sobre la evolución de la obesidad en adultos en Colombia

Paula Andrea Castro^{1,2}, Jeroen Spijker¹, Joaquín Recaño³

¹ Centro de Estudios Demográficos, Universidad Autónoma de Barcelona, Barcelona, España

² Salud Poblacional, Fundación Santa Fe de Bogotá, Bogotá, D.C., Colombia

³ Departamento de Geografía Humana, Centro de Estudios Demográficos, Universidad Autónoma de Barcelona, Barcelona, España

Introducción. Según la Encuesta de Situación Nutricional (ENSIN), la obesidad en adultos en Colombia en los últimos años ha ido en aumento, pasando del 13,7 % en el 2005 al 18,7 % en el 2015.

Objetivo. Determinar la evolución de la obesidad en adultos mayores de 20 años en Colombia en diferentes períodos de tiempo marcados por cambios socioeconómicos y políticos en el país.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo y bivariado de cuasicohorte con base en la información socioeconómica, demográfica y del estado nutricional por antropometría en adultos mayores de 20 años de las encuestas ENSIN del 2005, 2010 y 2015. La muestra incluyó 213.240 personas clasificadas por sexo, quinquenio de nacimiento y edad en años.

Resultados. Los primeros resultados revelaron que entre el 2005 y el 2015 el promedio de peso en hombres adultos aumentó de 69,7 Kg a 73,2 Kg y en mujeres de 62,3 Kg a 65,9 Kg, lo cual es estadísticamente significativo. El promedio de peso en hombres aumentó en las cuasicohortes de nacidos entre 1955 y 1990, específicamente en la de 1975 a 1979. En mujeres dicho aumento se presentó en las cuasicohortes de nacidas entre 1955 y 1994, particularmente en la de 1970 a 1974.

Conclusiones. Preliminarmente puede decirse que el incremento del peso en Colombia se concentró en las cuasicohortes de nacidos entre 1975 y 1979 en hombres y 1970 y 1974 en mujeres, es decir, entre los 25 y 49 años. Estas son personas nacidas en períodos de conflicto armado del país y actualmente participan de manera importante en el sector laboral y productivo del país.

Palabras clave: obesidad; demografía; sobrepeso/obesidad; tendencias; peso corporal.

Referencias

1. Cámara AD, Spijker J. Super size Spain. A cross sectional quasi-cohort trend analysis of adult overweight and obesity in accelerated transition country. J Biosoc Sci. 2010, 42
2. DANE. Censo Nacional de Población y Vivienda. 2021. Fecha de consulta: 18 de octubre de 2021. Disponible en: <https://www.dane.gov.co/index.php/estadisticas-por-tema/demografia-y-poblacion/censo-nacional-de-poblacion-y-vivienda-2018>
3. WHO. Obesity and overweight. 2021. Fecha de consulta: 18 de octubre de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/news-room/fact-sheets/detail/obesity-and-overweight>
4. Llamas VM, Ovejero Me, Salgado BL. Obesity - A risk factor for psoriasis and COVID - 19. Actas Dermosifiliogr. 2021;112: 489-94.

Perfiles del intento de suicidio en niños y adolescentes en el departamento del Cauca, 2016-2019

Diana Marcela Muñoz, Alicia Andrea Ortega, Claudia Patricia Guzmán, Ginna Paola Cabra
Departamento de Pediatría, Universidad del Cauca, Popayán, Colombia

Introducción. La conducta suicida es un problema de salud pública, especialmente entre los 15 y 19 años. Cauca tiene una tasa de intento de suicidio mayor al promedio nacional.

Objetivo. Determinar los perfiles del intento de suicidio en niños y adolescentes del Cauca.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte transversal que incluyó la totalidad de los registros del evento-356 "Intento de suicidio" del Sivigila en menores de 18 años entre el 2016 y el 2019. Se excluyeron las observaciones repetidas y las personas no residentes en el departamento. Se describieron las variables y se hizo un análisis de correspondencia múltiple usando el método Burt para evaluar las relaciones entre las categorías y establecer los posibles perfiles. El estudio fue aprobado por el Comité de Ética de la Universidad del Cauca.

Resultados. En el periodo de estudio se registraron 977 intentos de suicidio. El sexo femenino correspondió al 72,4 %, los adolescentes al 97,1 %, los mestizos al 74,4 % y los indígenas al 19,3 %; estaba afiliados al régimen subsidiado de salud el 78,0 %, residía en municipios en conflicto armado el 45,3 %, manifestó intentos previos el 32,3 % e ideación e intentos previos el 15,5 %. En el análisis de correspondencia se establecieron dos perfiles principales: 1) Han tenido intentos previos de suicidio los mestizos procedentes de área urbana de municipios no expuestos al conflicto armado con antecedente de enfermedad mental, y 2) Presentaron un primer intento de suicidio las adolescentes residentes en municipios expuestos al conflicto armado, sin antecedentes o información de alguna enfermedad mental.

Conclusión. Las mujeres tuvieron más conductas suicidas, especialmente las residentes en municipios expuestos al conflicto armado.

Palabras clave: intento de suicidio; niño; adolescente; conflicto armado.

Referencias

1. Dávila-Cervantes CA, Luna-Contreras M. Suicide attempt in teenagers: Associated factors. *Rev Chil Pediatr* 2019;90:606–16. <https://doi.org/10.32641/rchped.v90i6.1012>
2. Castellví P, Lucas-Romero E, Miranda-Mendizábal A, Parés-Badell O, Almenara J, Alonso I, *et al.* Longitudinal association between self-injurious thoughts and behaviors and suicidal behavior in adolescents and young adults: A systematic review with meta-analysis. *J Affect Disord*. 2017;215:37–48. <https://doi.org/10.1016/j.jad.2017.03.035>
3. King CA, Grupp-Phelan J, Brent D, Dean JM, Webb M, Bridge JA, *et al.* Predicting 3-month risk for adolescent suicide attempts among pediatric emergency department patients. *J Child Psychol Psychiatry Allied Discip*. 2019;60:1055–64. <https://doi.org/10.1111/jcpp.13087>
4. Zygo M, Pawłowska B, Potembska E, Dreher P, Kapka-Skrzypczak L. Prevalence and selected risk factors of suicidal ideation, suicidal tendencies and suicide attempts in young people aged 13–19 years. *Ann Agric Environ Med*. 2019;26:329–36. <https://doi.org/10.26444/aaem/93817>

Lesión directa en cardiomiocitos ventriculares aislados de cobayo (*Cavia porcellus*) inducida por doxorubicina

Leidy Yohana Domínguez^{1,2}, Jhon Jairo Osorio^{1,3}, Luis Alberto Gómez^{1,4}

¹ Grupo de Fisiología Molecular, Subdirección de Investigación Científica y Tecnológica, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

² Doctorado en Biotecnología, Facultad de Ciencias, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá D.C., Colombia

³ Maestría en Bioquímica, Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá D.C., Colombia

⁴ Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. La doxorubicina (DOX) es un quimioterapéutico de primera línea empleado en el tratamiento de varios tipos de cáncer, pero tiene efectos cardiotóxicos que limitan su utilidad clínica. En la actualidad poco se sabe sobre los efectos de la DOX sobre cardiomiocitos de cobayo.

Objetivo. Evaluar el efecto de la DOX sobre la longitud, los niveles de ROS y calcio y el potencial de membrana mitocondrial de cardiomiocitos ventriculares de cobayo.

Materiales y métodos. La longitud de los cardiomiocitos de cobayo (*Cavia porcellus*) expuestos a 10 μM de DOX se midió durante 48 horas y se calculó el acortamiento como el porcentaje de la longitud inicial. La producción de ROS se evaluó utilizando el reactivo dihidroetidum (DHE), los niveles de calcio utilizando la sonda FLUO 4AM y el potencial de membrana mitocondrial por medio del reactivo JC1.

Resultados. La exposición de cardiomiocitos a 10 μM de DOX durante 36 y 48 horas acortó a 72,8 % y 50,6 % la longitud inicial de los cardiomiocitos, favoreció la producción de ROS a las 12, 24 y 30 horas, aumentó los niveles de calcio intracelular e indujo la despolarización de la membrana mitocondrial a las 30 horas.

Conclusión. Los resultados sugieren una lesión directa sobre los cardiomiocitos ventriculares aislados de cobayo (*C. porcellus*) inducida por doxorubicina que se manifestó por una disminución en la longitud, la generación de ROS, la despolarización de la membrana mitocondrial y el aumento de los niveles de calcio intracelular, confirmando así el efecto cardiotóxico de la doxorubicina.

Palabras clave: doxorubicina; lesión; cardiomiocito; calcio; ROS; potencial de membrana mitocondrial.

Referencias

1. Carvalho FS, Burgeiro A, Garcia R, Moreno AJ, Carvalho RA, Oliveira PJ, Doxorubicin-Induced Cardiotoxicity: From Bioenergetic Failure and Cell Death to Cardiomyopathy. *Med Res Rev.* 2014;34:106-35. <https://doi.org/10.1002/med.21280>
2. Zhang S, Liu X, Bawa-Khalfe T, Lu L-S, Lyu YL, Liu LF, *et al.* Identification of the molecular basis of doxorubicin-induced cardiotoxicity. *Nat Med.* 2012;18:1639–42.
3. Khan M, Varadharaj S, Shobha JC, Naidu MU, Parinandi NL, Kutala VK, *et al.* C-phycoyanin ameliorates doxorubicin-induced oxidative stress and apoptosis in adult rat cardiomyocytes. *J Cardiovasc Pharmacol.* 2006;47:9–20.
4. Kim SY, Kim SJ, Kim BJ, Rah SY, Sung MC, Im MJ, *et al.* Doxorubicin-induced reactive oxygen species generation and intracellular Ca^{2+} increase are reciprocally modulated in rat cardiomyocytes. *Exp Mol Med.* 2006;38:535–45.

Galectina-3 es secretada y asociada a vesículas extracelulares obtenidas de células de melanoma A375 y de cáncer de seno MDA-MB-231 y MCF7 tratadas con doxorubicina

Sandra Susana Novoa¹, Jhon Jairo Osorio^{1,2}, Luis Alberto Gómez^{1,3}

¹ Grupo de Fisiología Molecular, Subdirección de Investigación Científica y Tecnológica, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

² Programa de Maestría en Bioquímica, Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá D.C., Colombia

³ Departamento de Ciencias Fisiológicas, Facultad de Medicina, Universidad Nacional de Colombia, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. La galectina-3 (Gal-3) es una lectina implicada en la metástasis, la adhesión célula-célula y célula-matriz extracelular, la promoción de la angiogénesis, la proliferación celular y la resistencia a la apoptosis en varios tipos de cáncer. A pesar de su amplio espectro funcional, la expresión y secreción de Gal-3 asociada a vesículas extracelulares de células de melanoma (A375) y de cáncer de seno (MDA-MB-231 y MCF7) no han sido completamente dilucidadas.

Objetivo. Determinar la expresión y el perfil de secreción de Gal-3 en células de melanoma (A375) y de cáncer de seno (MDA-MB-231 y MCF7) expuestas a doxorubicina.

Materiales y métodos. Se concentraron medios condicionados por células de melanoma humano A375 y de cáncer de seno MDA-MB-231 y MCF7 tratadas o no con doxorubicina (10 y 20 μM) por ultrafiltración (<0,2 μm , >10 kDa). El perfil de expresión y secreción de Gal-3 se evaluó mediante *Western Blot*. Las posibles interacciones proteicas de Gal-3 se analizaron con herramientas de biología computacional.

Resultados. Se observó un cambio en el perfil de secreción de Gal-3 con respecto al monómero expresado intracelularmente (31 kDa), caracterizado por múltiples bandas coincidentes con trímeros (93 kDa) y pentámeros (155 kDa) de Gal-3 según la línea celular. Se establecieron potenciales interacciones con proteínas del espacio extracelular y con vesículas extracelulares, incluidos exosomas.

Conclusión. Los resultados sugieren que las células estudiadas expresan y secretan Gal-3 en complejos proteicos (pentámeros y trímeros) específicos del tipo celular, que podrían estar asociados a vesículas extracelulares y explicar en parte los grados de progresión tumoral y respuesta a la doxorubicina.

Palabras clave: vesículas extracelulares; exosomas, cáncer; galectina 3; *Western Blotting*; biología computacional.

Referencias

- Jiang XN, Dang YF, Gong FL, Guo XL. Role and regulation mechanism of Gal-3 in non-small cell lung cancer and its potential clinical therapeutic significance. *Chem Biol Interact.* 2019;309:108724. <https://doi.org/10.1016/j.cbi.2019.108724>
- Lin, CI, Whang EE, Abramson MA, Donner DB, Bertagnolli MM, Moore FD, *et al.* Galectin-3 regulates apoptosis and doxorubicin chemoresistance in papillary thyroid cancer cells. *Biochem Biophys Res Commun.* 2009;379:626-31. <https://doi.org/10.1016/j.bbrc.2008.12.153>
- Zhang M, Liu L, Lin X, Wang Y, Li Y, Guo Q, *et al.* A Translocation Pathway for Vesicle-Mediated Unconventional Protein Secretion. *Cell.* 2020;181:637-52.e15. <https://doi.org/10.1016/j.cell.2020.03.031>
- Popa SJ, Stewart SE, Moreau K. Unconventional secretion of annexins and galectins. *Semin Cell Dev Biol.* 2018;83:42-50. <https://doi.org/10.1016/j.semcdb.2018.02.022>
- Wang M, Tian F, Ying W, Qian X. Quantitative proteomics reveal the anti-tumour mechanism of the carbohydrate recognition domain of galectin-3 in hepatocellular carcinoma. *Sci Rep.* 2017;7:5189. <https://doi.org/10.1038/s41598-017-05419-5>

Epidemiología de la violencia de género como evento de interés en salud pública, Casanare, Colombia, 2015-2017

Liliana Domínguez, Oneida Castañeda
Secretaría de Salud de Casanare, Yopal, Colombia

Introducción. Desde el 2012 el departamento de Casanare (Orinoquía colombiana) notifica al Sistema Nacional de Vigilancia (Sivigila) los casos de violencia de género como evento de interés en salud pública.

Objetivo. Describir el comportamiento epidemiológico de la violencia de género a partir de la notificación obligatoria entre 2015-2017.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo, previa depuración de la base de datos excluyendo el grupo de mujeres gestantes. Se analizaron las variables de la ficha de notificación de tiempo, lugar y persona mediante estadística descriptiva con Epi-Info-7.2.2.2™. Se calcularon las tasas de incidencia (TI), de hospitalización (TH) y de mortalidad (TM)/100.000 habitantes

Resultados. De 9.267 registros, 929 (10,0 %) se depuraron; 8.338 (90,0 %) correspondían a Casanare, 2.608 (31,3 %) a mujeres gestantes y 5.730 (68,7 %) fueron objeto de análisis y notificados por los 19 municipios. El promedio anual de casos notificados fue de 1.146 ($\pm 158,8$) ($r=941$, 2019 - 363, 2015); 70,1 % fue de origen urbano, 71,1 % correspondió a mujeres, la edad media fue de 14,7 ($\pm 16,7$) $r=0-99$ años; en cuanto a la modalidad, 4.475 (78,1 %) fueron casos no sexuales y 1.255 (21,9 %), sexuales. La TI general promedio fue de 310,6, la urbana mde 91,1, la rural de 368,1, la femenina de 447,4, la masculina de 177,3, de <1 año, 3.517,9; la TH general fue de 85,04, la femenina de 109,7, la masculina de 61,0, y de <1 año, 872,7; la TM general promedio fue de 1,1, la urbana de 0,9, la rural de 1,4, la femenina de 0,9, la masculina de 1,4, y de <1 año de 40,4. La edad media del agresor fue de 28,9 ($\pm 11,6$) años, 49,3 % correspondió a mujeres y en el 44,2 % el parentesco de los casos fue la madre. El mecanismo utilizado en el 67,4 % de los casos fue armas contundentes o cortocontundentes. En el 75,2 % los casos se dieron en la vivienda. El contexto de atención en salud fue la profilaxis de HIV en el 33,1 % de los casos, de hepatitis B en el 33,3 %, otra en el 30,7 %, la anticoncepción de emergencia en el 17,8 %, y en orientación el 19,2 %. En el 53,7 % de los casos se remitió a salud mental, en el 19,9 % a protección, en el 27,5 % se informó a las autoridades y en el 6 % se recolectó evidencia médico-legal.

Conclusiones. La violencia no sexual concentró la mayor notificación de casos y las mujeres y los menores de un año fueron los más afectados. La madre fue la agresora más frecuente. Conocer la magnitud de la violencia permite orientar la búsqueda de posibles formas de prevenirla. El comportamiento violento y sus consecuencias pueden prevenirse.

Palabras clave: violencia de género; vigilancia epidemiológica; Colombia.

Referencias

1. Castañeda-Porras O, Segura O. Carga de enfermedad por lesiones de causa externa en Casanare-Colombia, 2008-2012. *Revista de Salud Pública*. 2018;20(2):163-70.
2. Domínguez-Serrano CL, Rodríguez-González MC, Castañeda-Porras O. Vigilancia epidemiológica de la violencia contra la mujer-violencia intrafamiliar-violencia sexual, Casanare-Colombia, 2012–2014. *RevSalJal*. 2019;6:88-96.
3. Colombia, El Congreso de la República. Ley por medio de la cual se expiden normas para la prevención de la violencia sexual y atención integral de los niños, niñas y adolescentes abusados sexualmente. Ley 1146 de 2007 (julio 10) 2007.
4. Cortés-Molano NP. Violencia en gestantes en Colombia: evidencia de la vigilancia de la violencia de género, 2012-2017. *IQEN*. 2018;23(7):70-84.

..... ✕

Innovación en salud pública y tecnologías en salud

Genosensores como dispositivos médicos para la rápida detección de *Escherichia coli*, *Aspergillus niger* y *Salmonella typhi* en agua

Blanca Estela Chávez-Sandoval^{1,4}, Paulina Abrica-González^{2,4}, Lilian Milena Barandica-Cañón^{3,4}, Francisco García-Franco^{1,4}

¹ Universidad Autónoma Metropolitana, Unidad Cuajimalpa, Ciudad de México, México

² Universidad Nacional Autónoma de México, Ciudad de México, México

³ Universidad de Cartagena, Cartagena, Colombia

⁴ Grupo de Investigación de la Asociación Mexicana Transdisciplinaria de Nanociencia y Nanotecnología, Ciudad de México, México

Introducción. La integración de la nanotecnología con la biología molecular y la electroquímica ha generado nuevas formas de detección de ácidos nucleicos fundamentadas en nanomateriales mediante técnicas de genómica, farmacogenética, patología, criminología, seguridad alimentaria y monitoreo ambiental; estos dispositivos se conocen como genosensores y por su alta sensibilidad y potencial miniaturización sirven para el diagnóstico rápido al distinguir diferentes cepas de un patógeno.

Objetivos. Diseñar genosensores para *Escherichia coli*, *Aspergillus niger* y *Salmonella typhi*, tres microorganismos de gran interés en salud pública, mediante detección electroquímica.

Materiales y métodos. Las cepas de *E. coli* y *S. typhi* fueron donadas y la de *A. niger* se obtuvo de muestras ambientales. Se aislaron muestras de compost con aceite automotriz y se identificaron mediante PCR, secuenciación y bioinformática. Para la comparación de las secuencias se utilizó la base de datos Genbank. Las sondas específicas se diseñaron con el programa Primer-Blast y luego se sintetizaron para utilizarlas en los genosensores nanoestructurados con nanopartículas de oro (AuNP) como marca; las sondas se funcionalizaron con las AuNP mediante el sistema estreptavidina-biotina y la hibridación se detectó electroquímicamente.

Resultados. Se diseñaron genosensores que proporcionaron una señal electrónica directa que facilita la inmovilización de secuencias de sonda de ADN monocatenario (ssDNA) en un electrodo; además, la señal disminuyó cuando se produjo menos complementariedad en las bases de la sonda.

Conclusiones. Los genosensores desarrollados ofrecen portabilidad, sensibilidad, y detección rápida útil para el monitoreo, la prevención y el control ambiental en una plataforma sencilla, precisa y económica.

Palabras clave: detección rápida; microorganismos patógenos; agua; genosensor; *Escherichia coli*, *Aspergillus niger*, *Salmonella typhi*.

Referencias

1. Arcos Pulido MP, Ávila de Navia SL, Torres Estupiñán SM. Indicadores microbiológicos de contaminación de las fuentes de agua. NOVA. 2005;3:69-79.
2. Castañeda MT, Alegret S, Merkoçi A. Electrochemical Sensing of DNA Using Gold Nanoparticles. Electroanalysis. 2007;19:743-53.
3. Carralero V. Preparación de biosensores enzimáticos e inmunosensores basados en electrodos modificados con nanopartículas de oro. Tesis. Madrid: Universidad Complutense de Madrid; 2009. p. 8-17, 80-4.
4. Chávez-Sandoval BE, Flores-Mendoza N, Chávez-Recio A, Balderas-López JA, García-Franco F. Biosynthesis of gold nanoparticles (AuNPs) and reducing agents in the process. Mundo Nano. 2021;14:1e-12. <https://doi.org/10.22201/ceiich.24485691e>

Entrenamiento facilitado por la colaboración interinstitucional y la telemedicina: una alternativa para mejorar los resultados en el espectro de la placenta accreta

Albaro José Nieto-Calvache¹, José Miguel Palacios-Jaraquemada², Lina María Vergara-Galliadi³, Stiven Sinisterra³, Alejandro Solo Nieto-Calvache^{4,5}, María Andrea Zambrano⁶, Juliana Maya⁷, Nathalia Cruz Albán⁷, Laura Ordóñez⁷, Valentina Cabrera⁷, Juan Manuel Burgos-Luna¹

¹ Clínica de Espectro de Acretismo Placentario, Fundación Valle del Lili, Cali, Colombia

² Hospital Universitario CEMIC, Buenos Aires, Argentina

³ Centro de Investigaciones Clínicas, Fundación Valle del Lili, Cali, Colombia

⁴ Universidad Santiago de Cali, Cali, Colombia

⁵ Universidad Nacional Abierta y a Distancia, Bogotá, D.C., Colombia

⁶ Facultad de Ciencias de la Salud, Postgrado en Ginecología y Obstetricia, Universidad Icesi, Cali, Colombia

⁷ Facultad de Ciencias de la Salud, Programa de Medicina, Universidad Icesi, Cali, Colombia

Introducción. El espectro de acretismo placentario (EAP) es una afección grave que requiere la participación de un grupo interdisciplinario capacitado. Sin embargo, lograr esa formación específica es difícil sin programas académicos u hospitales dedicados a enseñar habilidades para su manejo.

Objetivos. Describir el proceso de colaboración interinstitucional centrado en la mejora del tratamiento del EAP facilitado por la telemedicina.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo retrospectivo en pacientes con EAP tratados durante 10 años en un hospital local de un país de ingresos medios bajos. Se evaluaron los resultados clínicos y el impacto de la colaboración interinstitucional con un grupo de expertos de EAP de otro país de ingresos. Se utilizaron estrategias virtuales de comunicación continua entre el hospital local y el grupo de expertos como la telemedicina, la telerradiología y la telepresencia durante las cirugías.

Resultados. Se incluyeron 89 pacientes con EAP. Se observó una mejora progresiva en los resultados clínicos (sangrado operatorio, frecuencia de transfusión, duración de la hospitalización posoperatoria y frecuencia de complicaciones) a medida que el grupo interdisciplinario fijo del hospital local ganó experiencia al tratar más casos bajo la supervisión del grupo de expertos. Los factores más importantes en dicha mejoría en los últimos años de observación fueron la conformación del equipo interdisciplinario fijo en el hospital local y la colaboración con el grupo de expertos.

Conclusiones. La colaboración interinstitucional (facilitada por telemedicina y supervisión remota) y la formación de equipos interdisciplinarios se asociaron con mejores resultados clínicos en el manejo del EAP.

Palabras clave: placenta accreta; telemedicina; salud móvil (*mHealth*); cibermedicina (*eHealth*).

Referencias

1. Shamsirsaz AA, Fox KA, Erfani H, Clark SL, Salமான B, Baker W, *et al.* Multidisciplinary team learning in the management of the morbidly adherent placenta: outcome improvements over time. *Am J Obstet Gynecol.* 2017;216:612.e1-5.
2. Nieto-Calvache AJ, Palacios-Jaraquemada JM, Osanan G, Cortés-Charry R, Aryananda RA, Bangal VB, *et al.* Lack of experience is a main cause of maternal death in placenta accreta spectrum patients. *Acta Obstet Gynecol Scand.* 2021. <https://doi.org/10.1111/aogs.14163>
3. Tuckson RV, Edmunds M, Hodgkins ML. Telehealth. *N Engl J Med.* 2017;377:1585-92.
4. Mann S, McKay K, Brown H. The Maternal Health Compact. *N Engl J Med.* 2017;376:1304-5.

Muertes por accidente de tránsito en el Decenio de Acción de la Seguridad Vial, Colombia, 2011-2020

Diana Carolina Urrego, Jorge Martín Rodríguez
Programa de Epidemiología de Campo FETP, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia
Instituto de Salud Pública, Pontificia Universidad Javeriana, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Cada año mueren 1,3 millones de personas por accidentes de tránsito y 20 a 50 millones resultan lesionadas. Para reducirlas en un 50 %, la OMS y la ONU adoptaron el Plan Mundial para el Decenio de Acción para la Seguridad Vial (DASV 2011-2020) al cual Colombia no se adhirió, aunque propuso reducirlas en 25 %.

Objetivo. Analizar los resultados de la prevención y control de las lesiones causadas por el tránsito (LCT) entre 2011 y 2020 en Colombia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional retrospectivo con base en los datos del Instituto Nacional de Medicina Legal y del DANE. Para estimar el resultado, se calcularon los estadísticos delta entre el número de casos anuales esperados y los reportados y las diferencias porcentuales ajustadas a $p < 0,05$.

Resultados. Se evidenció un incremento en las muertes por LCT entre el 2010 y el 2016 (4,3 %), cifra que se estabilizó en los años siguientes y se redujo en el 2020 por efecto de la pandemia. Las muertes ocurrieron principalmente en motociclistas (49,6 %), peatones (20,9 %), y ciclistas (6,1 %). Si Colombia hubiera implementado las estrategias del DASV hubiera reducido las muertes aproximadamente en un 50 % anual (17.000). Los resultados mostraron incrementos significativos ($p > 0.05$), principalmente en los grupos mencionados.

Conclusión. Se deben priorizar y promover políticas con el enfoque seguro y “visión cero” para estos grupos especialmente vulnerables frente a los accidentes de tránsito, quienes suman más del 75 % de las muertes. Deben promoverse diseños de vías donde prime la lentificación del tránsito, el control de velocidad, la incorporación de vehículos seguros, la aplicación de la legislación existente y la adopción de políticas soportadas en experiencias internacionales para reducir esta problemática.

Palabras clave: lesiones; muertes; seguridad vial; tráfico; Colombia; accidentes de tránsito.

Referencias

1. Departamento Administrativo Nacional de Estadísticas. Defunciones no fatales, 2020. Fecha de consulta: 3 de septiembre de 2021. Disponible en <https://www.dane.gov.co/index.php/estadisticas-por-tema/salud/nacimientos-y-defunciones/defunciones-no-fatales/defunciones-no-fatales-2020>
2. Instituto Nacional de Medicina Legal y Ciencias Forenses. Forensis. Fecha de consulta: 8 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.medicinalegal.gov.co/cifras-estadisticas/forensis>
3. Organización Mundial de la Salud. Plan Mundial para el Decenio de la Seguridad Vial 2011-2020. Fecha de consulta: 1 de septiembre de 2021. Disponible en: https://www.who.int/roadsafety/decade_of_action/plan/spanish.pdf
4. Organización Mundial de la Salud. Traumatismos causados por tránsito. Fecha de consulta: 8 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/es/news-room/fact-sheets/detail/road-traffic-injuries>

Paso a paso en la construcción de material educativo en salud para un curso virtual respaldado por el trabajo colaborativo

Karol Tatiana Colorado^{1,2}, Jhon Gerardo Moreno¹, Richard Andrés Cabrera³

¹. Gobernación de Risaralda, Pereira, Colombia

². Universidad del Tolima, Pereira, Colombia

³. Cruz Roja seccional Risaralda, Pereira, Colombia

Introducción. La articulación entre la educación para la salud y las tecnologías de la información y la comunicación (TIC) ha venido en aumento en los últimos años por la necesidad de actualización constante de los profesionales en este campo.

Objetivo. Determinar la ruta de creación de material educativo para un curso virtual mediante el trabajo colaborativo enfocado en el temario y articulado con los aportes de personal experto.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio descriptivo de cohorte retrospectivo con estudiantes del curso virtual de ITS en Risaralda y los expertos que apoyaron la creación del material educativo en salud.

Resultados. Con base en la información tabulada, el líder educativo definió las necesidades de personal experto en las temáticas priorizadas y su rol; se entregó una guía sobre el método educativo que sirvió para la creación de material explicativo de calidad profesional.

Conclusiones. Es clave elegir un líder del trabajo colaborativo con un alto nivel de conocimiento de la temática central para poder articular, caracterizar y priorizar la información aportada por los estudiantes y los expertos. La asignación de roles a los expertos debe tener cuenta su conocimiento y formación profesional para garantizar la calidad del material educativo. Los aportes de los estudiantes son claves y proporcionan información relevante en las fases de creación del material educativo.

Palabras clave: investigación de servicios de salud; salud pública; tecnologías de la información; educación; prospección educacional; educación virtual.

Referencias

1. Jiménez KG. Propuesta estratégica y metodológica para la gestión del trabajo colaborativo. *Revista Educación*. 2009;33:95-107.
2. Maldonado MP. Aprendizaje basado en proyectos colaborativos. Una experiencia en educación superior. *Laurus*. 2008;14:158-80.
3. Organización Panamericana de Salud. Guía para el diseño, utilización y evaluación de materiales educativos de salud. Washington, D.C.: OPS;1984.
4. Colorado-Barrios KT. Estrategia de educación virtual en salud para la promoción de una atención humanizada en la ESE Hospital Mario Gaitán Yanguas de Cundinamarca. Tesis. Medellín: Universidad de Antioquia; 2020.
5. Suárez, CG. Estructura didáctica virtual para Moodle. *Didáctica, Innovación y Multimedia*. 2009; 12.

Elaboración de un andamio de quitosano, nanohidroxiapatita, gelatina o alginato modificado con plasma rico en fibrina para su uso en la regeneración de tejido óseo en cavidad bucal

Dabeiba Adriana García, Lina María Anaya

Centro de Investigaciones Odontológicas, Facultad de Odontología, Pontificia Universidad Javeriana, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La enfermedad periodontal involucra estados degenerativos e inflamatorios en los tejidos de soporte del diente y es la causa principal de su pérdida. En la regeneración de los tejidos perdidos se ha buscado la construcción de un andamio ideal con materiales biocompatibles como la nanohidroxiapatita, el quitosano, la gelatina y el alginato para generar un ambiente propicio a la adhesión y el crecimiento de células. Por otra parte, la adición de factores de crecimiento como el plasma rico en fibrina (PRF) favorecería el crecimiento y la proliferación celular.

Objetivo. Comparar andamios compuestos de quitosano, nanohidroxiapatita, gelatina y alginato modificado o no con PRF en la biocompatibilidad de células madre pulpaes.

Materiales y métodos. En la primera etapa se sintetizaron los andamios de tipo hidrogel en diferentes combinaciones. Luego se obtuvieron los perfiles de degradación e hinchamiento y se realizó la caracterización mediante microscopía electrónica de barrido (MEB) y EDX. En la segunda etapa se evaluó la citotoxicidad y adhesión celular mediante espectrofotometría y microscopía confocal de las células.

Resultados. Los andamios presentaron un hinchamiento similar a las 24 horas. En la MEB todos los andamios presentaron poros interconectados. Asimismo, los andamios no fueron citotóxicos para las células. El ensayo con microscopía confocal evidenció que en los andamios con PRF y alginato las células se adherían y presentaban viabilidad al contrario de los que no tenían PRF.

Conclusión. El andamio compuesto de nanohidroxiapatita, quitosano, gelatina, alginato y PRF mostró las características más prometedoras para la regeneración tisular de la cavidad bucal.

Palabras clave: periodontitis; regeneración; biomateriales; PRF; viabilidad; citotoxicidad.

Referencias

1. Leretter, MJ. Advanced Biomaterials and Techniques for Oral Tissue Engineering and Regeneration—A Review. *Materials* (Basel). 2020;13:5303. <https://doi.org/10.3390/ma13225303>
2. Maji, K, Dasgupta S, Pramanik K, Bissoyi AJ. Preparation and evaluation of gelatin-chitosan-nanobioglass 3D porous scaffold for bone tissue engineering. *Int J Biomater*. 2016;2016:9825659. <https://doi.org/10.1155/2016/9825659>
3. Matichescu A, Ardelean LC, Rusu LC, Craciun D, Bratu EA, Babucea M, *et al*. Advanced Biomaterials and Techniques for Oral Tissue Engineering and Regeneration—A Review. *Materials* (Basel). 2020;13:5303. <https://doi.org/10.3390/ma13225303>
4. Miron RJ, Fujioka-Kobayashi M, Hernández M, Kandalam U, Zhang Y, Ghanaati S, *et al*. Injectable platelet rich fibrin (i-PRF): opportunities in regenerative dentistry? *Clin Oral Investig*. 2017;21:2619-27. <https://doi.org/10.1007/s00784-017-2063-9>
5. Osorio R, Alfonso-Rodríguez CA, Osorio E, Medina-Castillo AL, Alaminos M, Toledano-Osorio, M, *et al*. Novel potential scaffold for periodontal tissue engineering. *Clin Oral Investig*. 2017;21:2695-707. <https://doi.org/10.1007/s00784-017-2072-8>

Efectividad de la telemedicina en comparación con la asistencia presencial en el seguimiento y control de pacientes con diabetes mellitus tipo 2: revisión sistemática

Leslie Piedad Montealegre¹, Paula Lucía Ledesma², Carlos Miguel Cabrera³, Alma Gabriela Rivera³, Eulalia Amador¹

¹ Universidad Libre, Barranquilla, Colombia

² Universidad de Guadalajara, Guadalajara, México

³ Benemérita Universidad Autónoma de Puebla, México

Introducción. La telemedicina parece ser una respuesta a las necesidades de seguimiento y control de los pacientes con diabetes mellitus tipo 2 que requieren un monitoreo constante que puede verse afectado por la inasistencia a los controles presenciales.

Objetivo. Determinar la efectividad de la telemedicina en comparación con la asistencia presencial en el seguimiento y control de pacientes con diabetes mellitus tipo 2 mediante la revisión de la evidencia científica.

Métodos. Se hizo una búsqueda sistemática en ocho bases de datos de estudios analíticos publicados entre el 2015 y julio del 2021. Los artículos incluidos fueron evaluados con las guías STROBE y CONSORT.

Resultados. Se incluyeron 14 artículos sobre estudios en 1.958 participantes distribuidos aleatoriamente entre grupo de control y de intervención y seguimientos con una media de 7,85 meses. Las intervenciones de telesalud produjeron una mejoría significativa de 0,821 % en los niveles de HbA1C en 10 estudios en comparación con la asistencia presencial, en tanto que en cuatro estudios no se encontraron cambios significativos. El efecto se observó en las intervenciones telefónicas, mensajes de texto, páginas web, aplicaciones móviles, y videos educativos, así como en el sistema de monitoreo de glucosa en sangre.

Conclusiones. Las intervenciones a través de la telemedicina suponen la adaptación del paciente y un seguimiento personalizado. Deben implementarse programas a gran escala para tener un resultado más exacto y facilitar la adaptación a ellos. La telemedicina comparada con la asistencia presencial ha demostrado ser efectiva cuando las intervenciones tecnológicas son diarias o semanales.

Palabra clave: diabetes mellitus tipo 2; telemedicina; telesalud.

Referencias

1. Jha S, Dogra S, Yadav A, Siddiqui S, Panda M, Srivastava K, *et al.* A prospective observational study to assess the effectiveness of an electronic health (E-health) and mobile health (M-health) platform versus conventional care for the management of diabetes mellitus. *International Journal of Diabetes in Developing Countries.* 2016;36:529-34.
2. Bellido V, Bellido D, Tejera C, Carral F, Goicolea I, Soto A, *et al.* Effect of telephone-delivered interventions on glycemic control in type 2 diabetes treated with glargine insulin. *Telemedicine and e-Health.* 2019;25:471-6.
3. Rasmussen OW, Lauszus FF, Loekke M. Telemedicine compared with standard care in type 2 diabetes mellitus: a randomized trial in an outpatient clinic. *Journal of Telemedicine and Telecare.* 2016;22:363-8.
4. Von Storch K, Graaf E, Wunderlich M, Rietz C, Polidori MC, Woopen C. Telemedicine-assisted self-management program for type 2 diabetes patients. *Diabetes Technology & Therapeutics.* 2019;21:514-21.

Termografía diagnóstica para la detección temprana de anomalías en la mama femenina: construcción de un banco de imágenes termográficas

Steve Rodríguez¹, Luis Alberto Reyes², Luis Alberto Olave², Saul Díaz ²

¹ Universidad Nacional Abierta y a Distancia, Cali, Colombia

² Hospital San Juan de Dios, Cali, Colombia

Introducción. Como apoyo en la detección temprana de anomalías en la mama femenina se viene empleando la termografía. Esta técnica permite inspeccionar el calor radiado por el área superficial de la mama femenina sin tener que entrar en contacto con ella. En los estudios en otros países se han registrado valores de sensibilidad y especificidad mayores al 80 %, pero en Colombia aún no se han hecho, por lo que deben comprobarse la validez y el alcance de esta técnica en el contexto nacional con miras a brindar apoyo a mujeres entre los 35 y los 50 años con una alternativa de detección temprana más económica y portable.

Objetivo. Construir un banco de imágenes termográficas de la mama femenina.

Materiales y métodos. Se desarrollaron tres fases: la identificación y selección de pacientes, la determinación y selección del protocolo de captura y las capturas.

Resultado. Se construyó un banco de imágenes termográficas de la zona mamaria femenina con 200 imágenes de capturas en las posiciones anterior, oblicua izquierda y oblicua derecha y registros de video de 8 minutos.

Conclusiones. Se consolidó un grupo de imágenes termográficas para su posterior análisis.

Palabras claves: termografía mamaria; termografía para diagnóstico por imagen de mama; cáncer de mama; imagen térmica infrarroja digital (DITI).

Referencias

1. Etehadtavakol MN. Breast thermography as a potential non-contact method in the early detection of cancer: A review. *Journal of Mechanics in Medicine and Biology*. 2013;13. <https://doi.org/10.1142/S0219519413300019>
2. da Silva L, Saade D, Sequeiros Olivera G, Silva A, Paiva A, Bravo R, *et al.* A New Database for Breast Research with Infrared Image. *Journal of Medical Imaging and Health Informatics*. 2014; 4:92-100. <https://doi.org/10.1166/jmih.2014.1226>
3. Ammer K. The Glamorgan Protocol for recording and evaluation of thermal images of the human body. *Thermology International*. 2008;18:125-9.

Análisis de tópicos en la conversación pública en Twitter sobre la COVID-19 en Colombia (2020)

Nicolás Yáñez^{1,2}, Laura Fernanda Cely¹, Diana Higuera¹, Catalina González¹

¹ Universidad de los Andes, Bogotá, D.C., Colombia

² Universidad de Chicago, Chicago, Estados Unidos

Introducción. Desde el inicio de la pandemia de COVID-19 las redes sociales se han consolidado como un espacio esencial para la comunicación, propagación y consumo de información en todas las escalas geográficas.

Objetivo. Establecer de manera sistemática las estructuras semánticas subyacentes en la conversación pública en Twitter sobre la COVID-19 en Colombia desde el 1 de diciembre de 2019 hasta el 31 de diciembre de 2020.

Materiales y métodos. Se hizo una búsqueda de archivo completo utilizando una lista ajustada de palabras claves relacionadas con la COVID-19. El texto de cada tweet se procesó con una tubería de Spark-NLP para detección de oraciones, tokenización, limpieza de caracteres, eliminación de palabras vacías, derivación y lematización. Se calcularon sus representaciones vectoriales usando los transformadores BERT y USE y se hizo un modelamiento de tópicos con aglomeración jerárquica utilizando la librería top2vec y LDA.

Resultados. Se encontraron 42 tópicos reducidos relacionados con 12 entidades temáticas distintas. Se crearon múltiples visualizaciones para las palabras, *hashtags*, menciones y usuarios más frecuentes por tópico. Los tópicos más frecuentes se relacionaron con: 1) medidas de bioseguridad, aislamiento y confinamiento, 2) vacunas y vacunación, y 3) opiniones personales con respecto a políticas públicas e individuos específicos, entre otros.

Conclusión. Existe una gran diversidad de temas en las conversaciones en redes sociales que son de interés para los responsables de tomar decisiones. Es importante reconocer estas plataformas como herramientas indispensables para entender las opiniones de la ciudadanía y dar respuesta oportuna a sus dudas, inquietudes y preocupaciones en contextos de crisis.

Palabras clave: red social; aprendizaje automático; procesamiento de lenguaje natural; salud pública.

Referencias

1. Boyd DM, Ellison NB. Social network sites: definition, history, and scholarship. *Journal of Computer-Mediated Communication*. 2007;13:210-30.
2. González-Bailón S, Wang N. Networked discontent: The anatomy of protest campaigns in social media. *Social Networks*. 2016;44:95-104.
3. Lukamto W, Carson A. POLITWEETS: social media as a platform for political engagement between Victorian politicians and citizens. *Communication Research and Practice*. 2016;2:191-212.
4. Recuero R, Zago G, Soares F. Using Social Network Analysis and Social Capital to Identify User Roles on Polarized Political Conversations on Twitter. *Social Media + Society*. 2019;5:2056305119848745.
5. Yoon S, Kleinman M, Mertz J, Brannick M. Is social network site usage related to depression? A meta-analysis of Facebook-depression relations. *J Affect Disord*. 2019;248:65-72.
6. Zhang D, Wang Y, Zhang Z. Identifying and quantifying potential super-spreaders in social networks. *Scientific Reports*. 2019;9:14811.

Las aguas residuales como herramienta de monitoreo epidemiológico y alerta temprana en la determinación del SARS-CoV-2

Diana C. Rodríguez¹, Nancy J. Pino¹, Francisco Molina¹, María Cristina Navas², Jahir Orozco Holguín³

¹ Grupo de Investigación en Diagnóstico y Control de la Contaminación, Escuela Ambiental, Facultad de Ingeniería, Sede de Investigaciones Universitarias, Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

² Grupo de Gastrohepatología, Facultad de Medicina, Sede de Investigaciones Universitarias, Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

³ Grupo Tándem Max Planck en Nanobioingeniería, Vicerrectoría de Investigación, Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

Introducción. La detección del SARS-CoV-2 en las poblaciones o municipios con baja incidencia de la enfermedad es fundamental para la gestión de salud pública. Su detección en las aguas residuales indica que circula en la población y ello permite alertar tempranamente a las autoridades para llevar a cabo acciones que ayuden a detener la propagación del virus.

Objetivo. Evaluar la presencia del SARS-CoV-2 en aguas residuales como herramienta de alerta temprana del inicio de la circulación del virus en municipios “No-COVID” o con baja incidencia, y seguimiento de su circulación en municipios “COVID” en Antioquia.

Materiales y métodos. Se llevó a cabo el monitoreo en las aguas residuales de las plantas de tratamiento de los municipios de Granada, Marinilla y San Vicente Ferrer en el oriente antioqueño. Se hicieron muestreos compuestos semanales durante 5 horas con toma de alícuotas cada hora entre las 7:00 y 11:00 am, correspondientes a las horas de mayor uso del agua, entre diciembre del 2020 y septiembre del 2021. Para la detección del virus se empleó qPCR, metodología previamente validada.

Resultados. Los resultados permitieron establecer correlaciones entre la presencia del virus y los casos activos reportados en Marinilla y San Vicente Ferrer, pero no en Granada.

Conclusiones. En Granada, considerado un municipio de baja incidencia, se encontró que la cantidad de partículas virales en el agua residual no se correlacionaba con los casos reportados, pues fue mayor. Ello representa un reto para las autoridades sanitarias por la posible presencia de casos asintomáticos no reportados.

Palabras Clave: aguas residuales; epidemiología; salud pública; virus.

Referencias

1. Hemalatha M, Kiran U, Kuncha SK, Kopperi H, Gokulan CG, Mohan SV, *et al.* Surveillance of SARS-CoV-2 spread using wastewater-based epidemiology: Comprehensive study. *Sci Total Environ.* 2021;768:144704. <https://doi.org/10.1016/j.scitotenv.2020.144704>
2. Pino N, Rodríguez D.C, Castrillón L, Rodríguez A. Detection of SARS-CoV-2 in wastewater is influenced by sampling time, concentration method, and target analyzed. *J Water Health.* 2021. <https://doi.org/10.2166/wh.2021.133>
3. Mandal P, Gupta AK, Dubey BK. A review on presence, survival, disinfection/removal methods of coronavirus in wastewater and progress of wastewater-based epidemiology. *Journal of Environmental Chemical Engineering.* 2020;8. <https://doi.org/10.1016/j.jece.2020.104317>

Hacia una arquitectura de soluciones para una plataforma tecnológica de vigilancia en salud pública

Fernán Alonso Villa, John Willian Branch
Universidad Nacional de Colombia, Medellín, Colombia

Introducción. La vigilancia en salud pública (VSP) es una competencia esencial del Ministerio de Salud y Protección Social de Colombia (MSPS). Su objetivo es la protección de la salud de la población y para ello se requieren procesos sistemáticos de adquisición, análisis y divulgación de información relacionada con la salud de la población como apoyo en la toma de decisiones y el fortalecimiento de la planificación, ejecución y evaluación de políticas y prácticas. Se carece de una plataforma tecnológica integrada y holística que responda adecuadamente a las situaciones epidemiológicas o eventos adversos como la pandemia de COVID-19. En este contexto han proliferado las aplicaciones móviles y de internet que solo capturan información y no permiten un análisis integral del problema.

Objetivo. Discutir una arquitectura de soluciones óptima, integral y con interoperabilidad que satisfaga las características deseables de un sistema de información para la vigilancia.

Materiales y métodos. Una arquitectura de soluciones es un modelo del cual es posible derivar una plataforma tecnológica para un fin determinado.

Resultados. El estudio está en una etapa muy temprana y su objetivo es diseñar e implementar una plataforma tecnológica, sistémica y sistemática viable que permita a los entes territoriales o cualquier otro interesado modelar, automatizar, analizar y simular procesos de vigilancia en salud pública de manera fácil, eficiente y eficaz a un bajo costo.

Conclusión. La utilidad de esta plataforma tecnológica inmersa en una arquitectura de soluciones se podrá ver reflejada en estrategias de promoción, prevención y seguimiento de enfermedades que además ayude a establecer patrones epidemiológicos, ambientales y sociales.

Palabras clave: sistemas de información; vigilancia epidemiológica; salud pública; tecnología y aplicaciones de software; modelos teóricos; análisis de situación de salud.

Referencias

1. Álvarez-Estupiñán M. La promoción y prevención: pilares para salud y la calidad de vida. *Correo Científico Médico*. 2013;17:79-82.
2. McSweeney A. Introduction to Solution Architecture. Independently published; 2019. p. 540.
3. Ministerio de Salud y Protección Social. Decreto 780 de 2016. *Diario Oficial* No. 49.865 de 6 de mayo de 2016. Por medio del cual se expide el Decreto Único Reglamentario del Sector Salud y Protección. Bogotá, D.C.: Minsalud; 2016.
4. Olarte RS, Suárez R, Zamora S, Conte G, Olarte M. Sistematización de las experiencias desarrolladas en el país de atención primaria de salud -APS- y redes integradas de servicios de salud -RISS- en los niveles territoriales. Bogotá, D.C.: Organización Panamericana de la Salud - Ministerio de Salud y Protección Social; 2016

Desarrollo de una herramienta de simulación como apoyo académico durante la pandemia de COVID-19. Caso específico de interoperabilidad a partir de historias clínicas

Luis Fernando Gómez, Leonardo Emilio Yunda, Myriam Leonor Torres, Claudio Camilo González
Universidad Nacional Abierta y a Distancia, Cali, Colombia

Introducción. Con la llegada de la pandemia de COVID-19 a Colombia, muchas instituciones educativas tuvieron que trasladar el contenido de sus programas académicos a plataformas virtuales para cumplir con los compromisos de formación adquiridos con sus estudiantes. En ese contexto se diseñó un simulador denominado InterOp 0.1. que se está utilizando en varios cursos de la Escuela de Ciencias de la Salud de la UNAD.

Objetivo. Diseñar y construir un simulador (*software*) para dinamizar las prácticas de temas relacionados con interoperabilidad de datos e historia clínica electrónica en el marco de la pandemia de COVID-19.

Materiales y métodos. Se utilizaron lenguajes de programación y bases de datos embebidas; se utilizó el modelo de ciclo de vida clásico dividido en las etapas de análisis, diseño, desarrollo, implementación y pruebas.

Resultados. Se desarrolló un simulador que está siendo utilizado por estudiantes en los cursos pertinentes, con lo que se avanzó mucho en el reconocimiento de estándares de interoperabilidad y el marco normativo de la historia clínica en Colombia.

Conclusión. Con el desarrollo del proyecto se logró beneficiar a un número importante de estudiantes que no tienen los medios para desplazarse a las prácticas presenciales, ofreciéndoles una solución tecnológica que se adapta a situaciones de limitación de *hardware*, pues puede operarse casi en cualquier plataforma.

Palabras clave: interoperabilidad de la información en salud; estándar HL7; registros electrónicos de salud; sistemas de información en salud; educación en salud.

Referencias

1. Tabatabai S. COVID-19 impact and virtual medical education. *J Adv Med Educ Prof.* 2020;8:140-3.
2. Dev P, Schleyer T. Digital Technology in Health Science Education. En: Shortliffe EH, Cimino JJ, editores. *Biomedical Informatics: Computer Applications in Health Care and Biomedicine.* Cham: Springer International Publishing; 2021. p. 841-65. https://doi.org/10.1007/978-3-030-58721-5_25
3. Kiely DJ, Posner GD, Sansregret A. Health Care Team Training and Simulation-Based Education in Obstetrics During the COVID-19 Pandemic. *Journal of Obstetrics and Gynaecology Canada.* 2020;42:1017-20.
4. Bourquard K, Berler A. Health Information Exchange: The Overarching Role of Integrating the Healthcare Enterprise (IHE). En: Hussey P, Kennedy MA, editores. *Introduction to Nursing Informatics [Internet].* Cham: Springer International Publishing; 2021. p. 101-37. https://doi.org/10.1007/978-3-030-58740-6_5
5. Alves Bastos e Castro M, Lucchetti G. Simulation in Healthcare Education During and After the COVID-19 Pandemic. *Simulation in Healthcare.* 2020;15:298-9.

Formación de la comunidad y del talento humano en salud para la atención de pacientes con SARS-CoV-2, un caso exitoso

Carolina Cataño, David Carmona, Laura Betancur, Juan Camilo Díaz, Nelson Javier Fonseca
Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. La infección por SARS-CoV-2 se extendió rápidamente por todo el mundo y obligó a los proveedores de servicios de salud a capacitar al recurso humano para ofrecer una atención oportuna y de calidad a los pacientes. Asimismo, la comunidad en general debió prepararse para prevenir la infección, reconocer signos y síntomas tempranos y obtener la información necesaria para cuidar a los familiares.

Objetivos. Capacitar al personal asistencial, al personal de otras áreas y a la comunidad en general sobre las generalidades del manejo del paciente con COVID-19.

Materiales y métodos. Se desarrollaron siete cursos virtuales sobre la atención de pacientes con COVID-19 adaptados a las respectivas especializaciones y al público. El curso orientado a la comunidad general se ajustó a un lenguaje que facilitara la difusión y comprensión del mensaje. Los contenidos fueron elaborados por docentes de la Universidad CES a lo largo de tres meses y posteriormente se ofrecieron a través de la plataforma de educación virtual de la universidad (CES VIRTUAL).

Resultados. Los siete cursos virtuales tuvieron una participación total de 25.313 personas distribuidas así: en el curso para médicos generales se inscribieron 6.885 profesionales; en el de enfermería, 3.162; en el de fisioterapia y terapia respiratoria, 1.914; en el de auxiliares de enfermería, 5.584; en el dirigido a personal de otras áreas, 849, y en el destinado a la comunidad general, 5.354.

Conclusión. Se observó una elevada participación de profesionales de la salud y de la comunidad en general en los cursos de formación en la atención de pacientes con COVID-19 en Medellín durante la fase inicial del inicio de pandemia.

Palabras claves: COVID-19; SARS-CoV-2; educación en salud; educación profesional; educación continua.

Referencias

1. Pan American Health Organization, World Health Organization. La OMS caracteriza a COVID-19 como una pandemia. 2020. Fecha de consulta: 10 de noviembre de 2021. Disponible en: https://www3.paho.org/hq/index.php?option=com_content&view=article&id=15756:who-characterizes-covid-19-as-a-pandemic&Itemid=1926&lang=es
2. Congreso de la República. Ley 1164 del 3 de octubre de 2007. Fecha de consulta: 10 de noviembre de 2021. Disponible en: https://www.mineducacion.gov.co/1621/articles-146171_archivo_pdf.unknown
3. Hernández-Sarmiento JM, Jaramillo-Jaramillo LI, Villegas-Alzate JD, Álvarez-Hernández LF, Roldán-Tabares MD, Ruiz-Mejía C, *et al.* La educación en salud como una importante estrategia de promoción y prevención. Arch Med Col. 2020;20:490-504.



Salud ambiental y laboral

Niveles de trihalometanos y ácidos haloacéticos en aguas de piscinas y su asociación con parámetros de calidad del agua

William-Alexander Hernández¹, Olga-Inés Vallejo-Vargas¹, Edwin Alzate¹, Carlos-Humberto Montoya-Navarrete¹, Leonardo Beltrán-Angarita^{1,2,3}

¹ Universidad Tecnológica de Pereira, Pereira, Colombia

² Unidad Central del Valle del Cauca, Tuluá, Colombia

³ Fundación Universitaria Autónoma de las Américas, Pereira, Colombia

Introducción. La desinfección del agua con cloro genera subproductos como los trihalometanos y los ácidos haloacéticos (THM y HAA), algunos cancerígenos y con potencial efecto adverso en el sistema reproductivo.

Objetivo. Determinar los niveles de THM y HAA en aguas de piscinas y su asociación con parámetros de calidad del agua.

Materiales y métodos. Se midieron el tiempo de adsorción, la temperatura de adsorción y desorción, la agitación de la muestra y la adición de NaCl. Se analizaron los niveles de THM y HAA en 25 muestras de agua de tres piscinas. Los parámetros de calidad del agua se determinaron siguiendo el *Standard Methods* Ed23 y los análisis de correlación con el SPSSv23.

Resultados. El método fue estandarizado en un rango de 5-200 µg/L con un nivel de desarrollo (LOD) en el rango de 3,8 a 7,8 µg/L. El promedio de la concentración de THM y HAA encontrado fue de 41,61±21,5 µg/L y 12675±7320 µg/L, respectivamente. Los compuestos con mayores niveles fueron el cloroformo (21,5±5 µg/L), el ácido tricloroacético (7188 ± 2670 µg/L) y el ácido bromocloroacético (5296±3661 µg/L). La absorbancia ultravioleta específica (SUVA) se asoció con los niveles de THM (coeficiente 0,36, p=0,03).

Conclusión. Los niveles de ácidos haloacéticos fueron superiores a los reportados en Estados Unidos, Italia, Alemania, Canadá y Francia y en ciudades colombianas como Medellín. Las concentraciones encontradas en las muestras evaluadas indican la necesidad de más estudios para prevenir su formación y de incorporar un límite máximo permitido en la normatividad nacional, así como establecer un algoritmo predictivo de formación.

Palabras clave: THM; subproductos de cloración; HAA.

Referencias

1. Roumigières A, Kinani A, Bouchonnet S, Kinani S. Development and validation of a multiclass method for the determination of organohalogen disinfectant by-products in water samples using solid phase extraction and gas chromatography-tandem mass spectrometry. *J Chromatogr A*. 2018;1579:89–98.
2. Florentin A, Hautemanière A, Hartemann P. Health effects of disinfection by-products in chlorinated swimming pools. *Int J Hyg Environ Health*. 2011;214:461-9.
3. Vallejo-Vargas BL, Franco P, Montoya-Navarrete CH, Alzate- Rodríguez EJ, Reyes H. Determinación de trihalometanos en aguas de consumo humano por microextracción en fase sólida-cromatografía de gases en Pereira, Colombia. *Rev Colomb Química*. 2015;1:23-9.
4. Teo TL, Coleman HM, Khan SJ. Chemical contaminants in swimming pools: Occurrence, implications and control. *Environ Int*. 2015;76:16-3.

Comercialización de antibióticos sin receta médica en tiendas de dos municipios de Guatemala después de entrar en vigencia la normativa que regula su venta

Neudy Carolina Rojop¹, María Purificación Moreno^{2,3}, Laura María Grajeda², Juan Carlos Romero², Celia cordón-Rosales², Douglas Call⁴, Brooke Monroe Ramay^{2,3,4}

¹ Departamento de Epidemiología, Facultad de Ciencias y Humanidades, Universidad del Valle de Guatemala, Ciudad de Guatemala, Guatemala

² Centro de Estudios en Salud, Universidad del Valle de Guatemala, Ciudad de Guatemala, Guatemala

³ Departamento de Química Farmacéutica, Facultad de Ciencias y Humanidades, Universidad del Valle de Guatemala, Ciudad de Guatemala, Guatemala

⁴ Paul G. Allen School for Global Animal Health, Washington State University, Pullman, WA, Estados Unidos de América

Introducción. El uso indebido y excesivo de los antimicrobianos es el principal factor que determina la aparición de patógenos farmacorresistentes. En el 2019 se encontró que el 67 % de las tiendas en municipios de Guatemala tenían disponibles antibióticos. En agosto del 2019 en el país se aprobó la normativa 181-2019 que regula la venta de antimicrobianos bajo prescripción médica.

Objetivo: Establecer la disponibilidad de antibióticos en tiendas en dos municipios de Guatemala después de entrar en vigencia la normativa 181-2019.

Materiales y métodos: Se hizo un estudio transversal descriptivo en el 2021. Se recolectaron datos en tiendas de dos municipios de Guatemala. La información se obtuvo mediante un cuestionario sobre la disponibilidad de antibióticos y si era necesario o no receta médica para su compra. Se comparó la disponibilidad antes y después de la entrada en vigencia de la normativa y se contrastó el precio de los antibióticos con los de referencia internacional (*International Reference Prize*).

Resultados. En el 62 % (185/297) de las tiendas había disponibilidad de antibióticos. Los más comunes fueron la amoxicilina (70 %; 129/185) y la tetraciclina (49 %; 90/185). En el 97 % (180/185) de las tiendas no se solicitaba receta médica para su venta. El precio individual de la amoxicilina fue cuatro veces más alto que el IRP.

Conclusión. A dos años de la adopción de la normativa 181-2019, no hubo una diferencia significativa en la disponibilidad de antibióticos en las tiendas de dos municipios de Guatemala y un alto porcentaje de estas continuaba vendiendo antibióticos sin necesidad de prescripción médica.

Palabras claves: antibióticos; normativa 181-2019; disponibilidad; tiendas de barrio.

Referencias

1. PAHO. Resistencia a los antimicrobianos. 2020. Fecha de consulta: 13 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.who.int/es/news-room/factsheets/detail/antimicrobial-resistance>
2. Moreno P, Cerón A, Sosa K, Morales M, Grajeda LM, López MR, et al.
3. Availability of over-the-counter antibiotics in Guatemalan corner stores. PLOS One. 2020;15:e0239873.
4. Ministerio de Salud Pública y Asistencia Social. Normativa para la regulación de medicamentos de prescripción médica, antimicrobianos (antibióticos de vía oral y parenteral) y esteroides oftálmicos. 2019. Fecha de consulta: 13 de septiembre de 2021. Disponible en: <https://www.mspas.gob.gt/images/files/acuerdosministeriales/2019/AM1812019.pdf>

Comparación del efecto de diferentes sistemas de tratamiento de aguas residuales municipales en la dinámica de bacilos Gram negativos de importancia clínica resistentes a antibióticos betalactámicos

Sara Morales, Nancy Johanna Pino, Diana Catalina Rodríguez, Judy Natalia Jiménez, Gustavo Antonio Peñuela

Universidad de Antioquia, Medellín, Colombia

Introducción. Las plantas de tratamiento de aguas residuales son uno de los reservorios más importantes de resistencia antibiótica en los entornos urbanos, sin embargo, la vigilancia e información disponible de este fenómeno en Colombia es escasa.

Objetivo. Caracterizar la presencia de bacilos Gram negativos resistentes en plantas con diferentes sistemas biológicos para el tratamiento de aguas residuales urbanas.

Materiales y métodos. Se hicieron cinco muestreos entre el 2019 y el 2020 en dos plantas de tratamiento de aguas residuales (PTAR) de diferentes municipios de Antioquia. Los microorganismos detectados fueron identificados y caracterizados mediante métodos fenotípicos y moleculares.

Resultados. Se detectó la carbapenemasa KPC en tres aislamientos de la PTAR-1 y en siete de la PTAR-2. *Escherichia coli* fue el microorganismo más frecuente (87 % en PTAR-1 y 67 % en PTAR-2.). De las 77 bacterias aisladas en la PTAR-1, el 75 % fue positivo para al menos una betalactamasa, mientras que en la PTAR-2 la prevalencia fue del 100 % (n=74). La blaCTX-M-1 fue la enzima más frecuente en ambas PTAR (mayor al 30 %). Se encontró una alta frecuencia de microorganismos multirresistentes en el afluente de la PTAR-2 (48 %) en comparación con la PTAR-1 (7 %), no obstante, fue en la PTAR-2 donde se presentó una prevalencia menor de multirresistencia en el efluente (27 % en PTAR-2, 50 % en PTAR-1).

Conclusión. Se demarcaron diferencias entre los afluentes de las PTAR de dos municipios, lo que podría reflejar la disparidad del impacto antropogénico de comunidades con diferente densidad poblacional y actividad económica; asimismo se pudo explorar qué tipo de tratamiento podría tener un mayor impacto en la reducción de bacterias resistentes.

Palabras clave: planta de tratamiento de aguas residuales; resistencia a betalactámicos; farmacorresistencia bacteriana múltiple; betalactamasas.

Referencias

1. Aristizábal-Hoyos AM, Rodríguez EA, Arias L, Jiménez JN. High clonal diversity of multi-drug-resistant and extended spectrum beta-lactamase-producing *Escherichia coli* in a wastewater treatment plant. *J Environ Manage.* 2019;245:37-47. <https://doi.org/10.1016/j.jenvman.2019.05.073>
2. Hassoun-Kheir N, Stabholz Y, Kreft JU, de la Cruz R, Romalde JL, Nesme J, *et al.* Comparison of antibiotic-resistant bacteria and antibiotic resistance genes abundance in hospital and community wastewater: A systematic review. *Sci Total Environ.* 2020;743:140804. <https://doi.org/10.1016/j.scitotenv.2020.140804>
3. Manaia CM, Rocha J, Scaccia N, Marano R, Radu E, Biancullo F, *et al.* Antibiotic resistance in wastewater treatment plants: Tackling the black box. *Environment International.* 2018;115:312-24. <https://doi.org/10.1016/j.envint.2018.03.044>
4. Pazda M, Kumirska J, Stepnowski P, Mulkiewicz E. Antibiotic resistance genes identified in wastewater treatment plant systems – A review. *Sci Total Environ.* 2019;697:134023. <https://doi.org/10.1016/j.scitotenv.2019.134023>

Factores determinantes de la exposición a fenoles, ftalatos, parabenos y triclosán en mujeres en periodo gestacional

Carlos Alberto Gómez¹, Albino Barraza², Ángela Segura¹, Catalina Arango¹, Gregory Mejía³

¹ Grupo de Investigación de Epidemiología y Bioestadística, Universidad CES, Medellín, Colombia

² Grupo de Salud y Epidemiología Ambiental, Instituto Nacional de Salud de México, México

³ Grupo de Investigación INCA-CES, Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. Los fenoles, ftalatos, parabenos y el triclosán son disruptores endocrinos a lo que los seres humanos están expuestos a diario por contacto dérmico, el agua, los alimentos y el aire. Estos compuestos se miden en orina.

Objetivo. Determinar las fuentes de exposición a fenoles, ftalatos, parabenos y triclosán en mujeres embarazadas.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio transversal, observacional y descriptivo en 400 mujeres con ≤ 12 semanas de embarazo de dos instituciones de Medellín. Se indagó sobre las características demográficas, nutricionales y de exposición ambiental y se cuantificó en 37 de ellas los metabolitos en orina en el *Norwegian Institute of Public Health* (NIPH) mediante cromatografía líquida de ultra alta resolución acoplada a espectrometría de masas en tándem (UPLC-MS-MS) y corrección de la dilución por gravedad específica. En la prueba t-Student se observaron diferencias en las medidas geométricas según los determinantes de exposición.

Resultados. Se encontraron diferencias significativas en las medias geométricas del propilparabene (PRPA) según el producto para limpieza de pisos (sí: 7,94 ng/mL; IC_{95%}: 4,70-13,43; no: 18,76 ng/mL; IC_{95%}: 9,21-38,21); del mono-isobutil ftalato (MiBP) por exposición a tabaco de segunda mano (sí: 12,56 ng/mL; IC_{95%}: 10,00-15,78; no: 19,94 ng/mL; IC_{95%}: 14,86-26,76) y por exposición al uso de cosméticos, las MG de algunos ftalatos fueron: mono-4-metil-7-oxo octil ftalato (oxo-MiNP) (sí: 3,03 ng/mL; IC_{95%}: 2,35-3,92; no: 5,58 ng/mL; IC_{95%}: 2,28-13,67), mono-4-metil-7-carboxi octil-ftalato (cx-MiNP) (sí: 7,08 ng/mL; IC_{95%}: 6,24-8,05; no: 11,28 ng/mL; IC_{95%}: 5,57-23,26), 6-hidroxi-mono propil-heptil-ftalato(OH-MPHP) (sí: 1,68 ng/mL; IC_{95%}: 1,51-1,86; no: 2,18 ng/mL; IC_{95%}: 1,39-3,41).

Conclusiones. Los factores determinantes de la exposición a fenoles, ftalatos, parabenos y triclosán en las mujeres embarazadas del estudio fueron el uso de productos de limpieza de pisos, el tabaco de segunda mano y el uso de cosméticos.

Palabras clave: fenoles; parabenos; triclosán; disruptores endocrinos; orina.

Referencias

- García-Mayor RV, Vidal AL, Caamano MF, Giménez AL. Disruptores endocrinos y obesidad: obesógenos. *Endocrinol Nutr.* 2012;59:261–7.
- Yasar Yildiz S, Kuru P, Toksoy Oner E, Agirbasli M. Functional stability of plasminogen activator inhibitor-1. *Sci World J.* 2014;2014:858293. <https://doi.org/10.1155/2014/858293>
- Nolasco M, Salcedo M, Vázquez G. Activación del sistema plasminógeno-plasmina y el papel de PAI-1 en patologías humanas. *Cancerología.* 2007;2:171–83.
- Braun JM, Smith KW, Williams PL, Calafat AM, Berry K, Ehrlich S, et al. Variability of urinary phthalate metabolite and bisphenol A concentrations before and during pregnancy. *Environ Health Perspect.* 2012;120:739–45.
- Hauser R, Duty S, Godfrey-Bailey L, Calafat AM. Medications as a source of human exposure to phthalates. *Environ Health Perspect.* 2004;112:751–3.
- Needham LL, Barr DB, Calafat AM. Characterizing children's exposures: beyond NHANES. *Neurotoxicology.* 2005;26:547–53.

Violencia en el lugar de trabajo contra el personal de salud. Cuando el psicólogo es la víctima. Reporte de caso

Diana Patricia Restrepo¹, María Adelaida Tamayo²

¹ Clínica CardioVID, Universidad CES, Medellín, Colombia

² Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. La violencia laboral es un problema que viene en aumento en el sector de la salud.

Objetivo. Presentar el reporte de un caso a partir de la experiencia de una psicóloga clínica amenazada de muerte por la madre de un paciente y los efectos de estas amenazas en la salud mental y la vida del profesional.

Materiales y métodos. Se hizo un reporte de caso y una breve revisión de la literatura. Se obtuvo el consentimiento informado y la aprobación del comité de ética institucional. Se tuvo en cuenta la Guía Care para la redacción del reporte.

Resultados. Se presenta el caso de una psicóloga clínica con más de 20 años de experiencia que fue amenazada de muerte por la madre de un paciente. Se describieron las consecuencias para la salud mental de esta profesional de la salud.

Conclusiones. Debe prestarse mayor atención al tema de la violencia laboral que es frecuente pero poco reportado o estudiado. A partir de la revisión de la literatura se presentaron recomendaciones para la prevención y la apropiada intervención en este tipo de situaciones.

Palabras clave: violencia laboral; trastornos por estrés postraumático; salud laboral; salud mental; psicología.

Referencias

1. Behnam M, Tillotson RD, Davis SM, Hobbs GR. Violence in the Emergency Department: A National Survey of Emergency Medicine Residents and Attending Physicians. *Journal of Emergency Medicine*. 2011;40:565-79. <https://doi.org/10.1016/j.jemermed.2009.11.007>
2. Gillespie GL, Bresler S, Gates DM, Succop P. Posttraumatic Stress Symptomatology among Emergency Department Workers following Workplace Aggression. *Workplace Health & Safety*. 2013;61:247-54. <https://doi.org/10.1177/216507991306100603>
3. Liu W, Zhao S, Shi L, Zhang Z, Liu X, Li L, *et al*. Workplace violence, job satisfaction, burnout, perceived organizational support and their effects on turnover intention among Chinese nurses in tertiary hospitals: A cross-sectional study. *BMJ Open*. 2018;8:e019525. <https://doi.org/10.1136/bmjopen-2017-019525>
4. Luna-García JE, Urrego-Mendoza Z, Gutiérrez-Robayo M, Martínez-Durán L. Violencia en el trabajo del sector público de la salud: una visión desde las personas trabajadoras. Bogotá, Colombia. 2011-2012. *Revista de la Facultad de Medicina*. 2015;63:407-17. <https://doi.org/10.15446/revfacmed.v63n3.51027>

Impacto ambiental de la implementación de SIHEVI-INS® en la recolección y uso de sangre en Colombia

Anderson-Steve Pardo-Flórez¹, Michel-Andrés García-Otálora^{1,2}, Andrea-Magally Herrera-Hernández¹, María Isabel Bermúdez-Forero¹

¹. Coordinación de Red Nacional Bancos de Sangre y Servicios de Transfusión, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

². Unidad de Fisiología, Escuela de Medicina y Ciencias de la Salud, Universidad del Rosario, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. En el 2018 se implementó en Colombia el Sistema Nacional de Hemovigilancia (SIHEVI-INS©) y desde entonces se ha restringido la donación de sangre de personas con antecedentes de riesgo, así como la generación de residuos.

Objetivos. Cuantificar la cantidad de residuos asociados con la recolección y el uso de sangre en el país después del primer año de implementación del SIHEVI-INS©.

Materiales y métodos. Se calculó la generación de residuos por donación y por hemocomponentes durante el 2018. Los costos de incineración se obtuvieron al multiplicar el total de residuos biológicos por el precio de incinerar un kg en tres zonas distintas de Colombia (expresado en dólares estadounidenses). Los gases producidos se determinaron empleando los factores de emisión del Ministerio para la transición ecológica y el reto demográfico de España.

Resultados. En el 2018 la Red Nacional registró 858.890 donaciones sanguíneas y 334.503 pacientes recibieron transfusión. La aceptación de donantes generó 61,0 megagramos/año de residuos (73,4 % biológicos) con un costo de incineración de \$33.418 (± 26.087) y una emisión de 25,8 megagramos de gases (99,2 % CO₂ y 0,6 % NO-NO₂ y CO) por incineración. El procesamiento y uso de hemocomponentes generó 349,5 megagramos/año ($\pm 99,5$), equivalentes a \$258.880 (± 99.709) y 201,4 megagramos de gases. El SIHEVI-INS evitó la producción de 55,1 megagramos/año ($\pm 19,1$), con un ahorro de \$40.805 (± 18098) y 31,8 megagramos de gases.

Conclusión. La Red Nacional generó ~350 megagramos de residuos y ~200 megagramos de gases asociados con la recolección y el uso de sangre, con un costo ~\$300.000. La implementación del SIHEVI-INS© impidió la producción de un 14 % de residuos y gases emitidos.

Palabras clave: residuos sanitarios; bancos de sangre; contaminación ambiental.

Referencias

1. Instituto Nacional de Salud. Manual de Gestión Integral de Residuos. Bogotá, D.C.: INS; 2010. <https://www.minsalud.gov.co/sites/rid/Lists/BibliotecaDigital/RIDE/IA/INS/manual-gestion-integral-residuos.pdf>
2. Far RM, Rad FS, Abdolazimi Z, Kohan MM. Determination of rate and causes of wastage of blood and blood products in Iranian hospitals. Turk J Haematol. 2014;31:161-7.
3. Bermúdez-Forero MI. Informe Ejecutivo de la Red Nacional Bancos de Sangre. Colombia, 2018. Bogotá, D.C.: INS; 2018. <https://www.ins.gov.co/Direcciones/RedesSaludPublica/DonacionSangre/AreasEstrategicas/informe-ejecutivo-bancos-de-sangre-colombia-2018.pdf>; INSTITUTO NACIONAL DE SALUD; 2019. p. 34.

La huella de carbono y el gasto hídrico asociados con el consumo de alimentos en Colombia, análisis a partir de la encuesta poblacional del 2015

Ana Yibby Forero, Luis Carlos Forero

Grupo de Nutrición, Instituto Nacional de Salud, Bogotá D.C., Colombia

Introducción. Uno de los principales causantes del cambio climático es el aumento de las emisiones de gases de efecto invernadero (GEI), los cuales regulan la temperatura terrestre. La medida de las emisiones de GEI es la huella de carbono, y los alimentos son responsables del 26 % de ellas.

Objetivo. Analizar la relación entre consumo alimentario y emisión de gases de efecto invernadero en Colombia y su efecto en el cambio climático.

Materiales y métodos. Se hizo un análisis descriptivo analítico de datos secundarios de ingesta alimentaria de la Encuesta Nacional de la Situación Nutricional en Colombia, ENSIN 2015, y se calcularon los kilogramos equivalentes de dióxido de carbono (kgCO₂eq) según el consumo alimentario y el efecto en la huella de carbono y el gasto hídrico.

Resultados. Los alimentos que más GEI generaron fueron la carne de res, de cerdo y de pollo, y el arroz y la leche, con valores entre 2,779 y 176 kgCO₂eq, en tanto que las frutas y verduras oscilaron entre 1 y 34. Los alimentos asociados con un mayor gasto hídrico fueron la carne de res y de cerdo, el queso, el arroz y el pescado, con el gasto más alto en la carne de res, con 39.542 y el más bajo en la cebolla, con un litro.

Conclusión. Los resultados concordaron con el patrón alimentario y fueron directamente proporcionales al consumo y la mayor fuente de huella de carbono y huella hídrica fueron los alimentos de origen animal. Es necesario analizar estos resultados a la luz de los requerimientos de una dieta saludable.

Palabras clave: consumo de alimentos; cambio climático; gases de efecto invernadero; huella de carbono; huella hídrica.

Referencias

1. Althor G, Watson J, Fuller R. Global mismatch between greenhouse gas emissions and the burden of climate change. *Sci Rep.* 2016;6:1-6. <https://doi.org/10.1038/srep20281>
2. Drewnowski A, Rehm CD, Martin A, Verger EO, Voinnesson M, Imbert P. Energy and nutrient density of foods in relation to their carbon footprint. *Am J Clin Nutr.* 2015;101:184-91. <https://doi.org/10.3945/ajcn.114.092486>
3. Ritchie H, Roser M. Environmental impacts of food production. Fecha de consulta: 24 de agosto de 2021. Disponible en: <https://ourworldindata.org/environmental-impacts-of-food>
4. Minsalud, DPS, ICBF, INS, Universidad Nacional de Colombia. Encuesta nacional de la situación nutricional, ENSIN 2015. Fecha de consulta: 23 de agosto de 2021. Disponible en: <http://www.ensin.gov.co/Documents/Resultados-generales-ENSIN-2015-preliminar.pdf>
5. Poore J, Nemecek T. Reducing food's environmental impacts through producers and consumers. *Science.* 2018; 360:987-92. <https://doi.org/10.1126/science.aag0216>

La necesidad de estándares de seguridad vehicular en Colombia

Juan Camilo Mira, Diana Carolina Vivas, Nicolás Parra, Diana Carolina Urrego, Jorge Martín Rodríguez

Instituto de Salud Pública, Pontificia Universidad Javeriana, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Las lesiones y muertes por el tránsito son un problema de salud pública desde hace varios años. El Instituto de Medicina Legal de Colombia reportó 6.690 muertes por el tránsito en el 2019, muchas de ellas prevenibles con la implementación de medidas poblacionales costo-efectivas tales como los estándares de seguridad vehicular (ESV).

Objetivo. Caracterizar los ESV en las dinámicas del mercado desde la perspectiva de los consumidores en Bogotá y proponer medidas de política pública.

Materiales y métodos. Se hizo un análisis exploratorio cualitativo con entrevistas semiestructuradas en el sector automotriz, análisis de contenido y codificación de la información en categorías de emergencias cruzadas con las categorías preestablecidas.

Resultados. El carro seguirá siendo un elemento de estatus. Según los consumidores, el lujo es la categoría que más precio o valor le da a los vehículos, y la seguridad se concibe como un lujo que el consumidor considera en el precio de los vehículos. Se determinaron cuatro tendencias en el rumbo del mercado de vehículos: autonomía, conectividad, electrificación y movilidad compartida.

Conclusiones. La adopción de los ESV es una medida costo-efectiva que puede salvar vidas. Su implementación impactaría significativamente la reducción del problema de salud pública que implican los siniestros viales. Se requiere voluntad política para la adopción de estas medidas poblacionales. Es imprescindible mejorar el Subsistema Nacional de la Calidad – SICAL, lo que permitiría mejorar los ESV y los productos que los consumidores adquieren. Deben diseñarse e implementarse estrategias de educación de los consumidores sobre esta medida poblacional.

Palabras clave: lesiones causadas por el tránsito; siniestro automovilístico; violencia vial; bolsa de aire; cinturones de seguridad.

Referencias

1. Asociación Nacional de Centros de Diagnóstico Automotor – ASOCDA. Reglamentación Técnico Mecánica y de Emisiones Contaminantes para los Vehículos en Colombia. 2020. <https://www.asocda.org/wp-content/uploads/2020/08/PT-03-ASO-CDA-V3.pdf>
2. Barreto L, Arruda Filho E. Consumer preference on the use of the Ford SYNC system: A ethnographic study. *Rev Adm.* 2019;12:268-85.
3. Carranza JE, González AX. Estimación de la demanda de vehículos nuevos de los hogares colombianos entre 2001 y 2011. *Borradores de Economía.* 2014;824:32.
4. Centro de Innovación para Motocicletas. Ranking de seguridad de motocicletas de menos de 190 cc. Fecha de consulta: 1 de julio de 2021. Disponible en: <https://www.seguridadviallaboral.co/ranking-reg>: https://cc5c3d1a-88c3-47b7-8f06-016403e8a5c8.filesusr.com/ugd/ed94d5_1daebf168cbb44bc9b9ff1fcef0e86.pdf
5. DACIA. Nuevo Dacia Sandero, el coche ágil y robusto (2021). Fecha de consulta: 18 de agosto de 2021. Disponible en: <https://www.dacia.es/modelos/sandero.html>
6. Echeverría-Ríos OM, Medina-Quintero JM. Imagen de marca en la percepción de la calidad del consumidor de los vehículos compactos. *Investigación Administrativa.* 2016;45.
7. Vázquez-Vega D, Hernández-Jiménez JR, Fabela-Gallegos M, Flores-Centeno O, Sánchez-Vela L G, Molano-Clemente, M. (2017). Revisión de la normatividad sobre los requerimientos de seguridad en automóviles. *Publicación técnica no. 491, Instituto Mexicano del Transporte, Secretaría de Comunicaciones y Transportes.*

Adaptación de la herramienta para la evaluación semicuantitativa de riesgos laborales en tiempos de pandemia en Colombia

Angela Viviana García, Yuri Lilian González, Julieth Nataly Lesmes, Sonia Patricia Rangel, Luz Mery Bernal
UNAD, Duitama, Colombia

Introducción. Se adelantó un proyecto de investigación en el marco de la Red Internacional de Formación y Educación en Salud de la Universidad Nacional Abierta y a Distancia que permitió aportar una solución a la imposibilidad de la presencialidad en el sector productivo durante la pandemia.

Objetivo. Adaptar la herramienta para la evaluación semicuantitativa de riesgos laborales frente al nuevo coronavirus elaborada por el Consejo General de Profesionales de Seguridad y Salud en el Trabajo de España a la legislación colombiana.

Materiales y métodos. La metodología de la herramienta es de tipo cualitativo, se basa en el modelo de *control banding*, término inglés adoptado para denominar los métodos de evaluación del riesgo mediante la clasificación semicuantitativa de la peligrosidad de los agentes biológicos y de su exposición potencial, ofreciendo, según el grado de riesgo, una propuesta de medidas de control.

Resultados. La adaptación al contexto colombiano permite a las empresas detectar riesgos, evaluarlos y dar recomendaciones basadas en la legislación y procesos parametrizados en Colombia.

Conclusión. Se consolidó un instrumento amigable y gratuito para las empresas colombianas orientado al regreso al espacio físico laboral.

Palabras claves: gestión de riesgos; infecciones por coronavirus; salud laboral; economía.

Referencias

1. Asociación de Servicios de Prevención Ajenos de Andalucía. Protocolo evaluación de riesgos laborales frente al nuevo coronavirus (SARS-CoV-2) Per-Covid-19. 2020. <http://www.cgpsst.net/wp-content/uploads/2020/04/PROTOCOLO-EVALUACION-DE-RIESGO-EXPOSICION-CORONAVIRUS-2020-rev-pdf.pdf>
2. Instituto Nacional de Salud. Datos epidemiológicos actualizados. 2020. <https://www.ins.gov.co/Noticias/Paginas/Coronavirus.aspx>
3. Instituto Nacional de Salud. Orientaciones para la Vigilancia En Salud Pública del Covid19. 2020. [https://www.ins.gov.co/Noticias/Coronavirus/Estrategia%20VSP%20COVID-19%2\(02-05-2020\)-version1.pdf](https://www.ins.gov.co/Noticias/Coronavirus/Estrategia%20VSP%20COVID-19%2(02-05-2020)-version1.pdf)
4. Ministerio de Comercio, Industria y Turismo. Protocolos de seguridad. Mincomercio: 2020. <http://colombiasiguedelante.mincit.gov.co/protocolos-de-seguridad>

Bioseguridad comunitaria en la pandemia de COVID-19: experiencia en una población de recicladores, Bogotá, 2020-2021

Jairo Ernesto Luna-García¹, Marcela Peñuela¹, Catalina Becerra², Cristian Ayala¹, Sergio Castellanos¹, Kimberly Castro¹, Diego Niño¹, Cristian Porte¹

¹ Universidad Nacional de Colombia, Bogotá, D.C., Colombia

² Fundación Universitaria de Ciencias de la Salud, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. En Bogotá hay cerca de 24.000 recicladores de oficio que han continuado su labor en medio de la pandemia, pues se trata de una actividad que no está sujeta a confinamiento.

Objetivo. Contribuir al mejoramiento de las prácticas de bioseguridad comunitaria en una población de recicladores en la localidad de Engativá en Bogotá y caracterizar las condiciones de trabajo y los riesgos frente a la pandemia con un componente de diseño participativo orientado a la construcción de protocolos y elementos de bioseguridad con la comunidad recicladora y otro comunicativo encaminado a incorporar en el ciclo de manejo de los residuos domiciliarios y su recuperación medidas para el control del peligro frente a la pandemia.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio multimétodo con un componente cuantitativo mediante una encuesta a 153 recuperadores, y un componente cualitativo con la realización de 14 talleres. Los resultados se triangularon con revisión de fuentes secundarias.

Resultados. Se encontró que la labor de los recicladores tiene una gran importancia y poca visibilidad en el manejo de los residuos domiciliarios en la ciudad, por lo que la separación en la fuente es limitada, factor éste crítico en tiempos de pandemia. La caracterización socioeconómica permitió establecer que hay un grupo de recicladores de oficio organizados y otro que desarrolla esta actividad de manera informal como estrategia de supervivencia y, en ocasiones, en condiciones limítrofes con las de los habitantes de calle. En este grupo hay una presencia importante de migrantes venezolanos. Las condiciones de trabajo que implica el reciclaje son críticas en el manejo de la bioseguridad, y su mejoramiento requiere una separación de los residuos orgánicos, los residuos sólidos reciclables y los residuos peligrosos en los hogares. La incorporación de protocolos de bioseguridad, incluido el uso de elementos de protección personal, debe adecuarse a las prácticas del reciclaje y a las condiciones sociales, económicas y culturales de este valioso grupo humano.

Conclusiones. El proceso adelantado permitió reiterar la importancia de la participación de la comunidad en la respuesta a emergencias como la de pandemia de COVID-19 que incorpore no solo el cuidado individual sino acciones de cuidado colectivo. En este sentido, la bioseguridad comunitaria se puede definir como un conjunto de procedimientos anclados en las dinámicas productivas de un grupo, como el de los recicladores, entendiendo los requerimientos del ciclo de la actividad para así generar los mecanismos de protección. La sostenibilidad de la práctica de la bioseguridad comunitaria depende del apoyo y compromiso de los diferentes sectores: las instituciones gubernamentales, los hogares y la ciudadanía en general que se beneficia del reciclaje.

Palabras clave: bioseguridad; participación comunitaria; reciclaje; protocolos.

Referencias

1. Esparza-Rodríguez, S, Martínez-Arroyo J, Sánchez-Vargas A. Perfiles socioeconómicos y estructurales del sector informal en la pandemia de la COVID-19. *Nova*. 2021;13.
2. Leyva-Caballero R, Bonal-Ruiz R. Voluntad política e intersectorialidad para el enfrentamiento a la COVID-19 en Cuba. *Rev Haban Cienc Méd*. 2020;19.
3. Ticona E. COVID-19. Determinantes sociales de la salud y participación comunitaria en el estado actual de la pandemia COVID-19. *An Fac Med*. 2020;81:145-7.
<https://doi.org/10.15381/anales.v81i2.18470>
4. Zambrano-Mendoza J, Macías-Zambrano N. Estrategia defensiva de los vendedores ambulantes de la zona céntrica de Portoviejo en tiempos de la Covid-19. *Polo del Conocimiento*. 2021;6:1820-1842.

Transferencia de mercurio a niños lactantes en áreas de explotación aurífera del departamento de Antioquia, Colombia

Carlos Federico Molina¹, Catalina María Arango²

¹ Grupo BISMA, Tecnológico Antioquia, Medellín, Colombia

² Universidad CES, Medellín, Colombia

Introducción. La leche materna es esencial para el desarrollo humano, pero, paradójicamente, puede contener tóxicos derivados de la contaminación ambiental que ponen en peligro la salud de los niños.

Objetivo. Evaluar la concentración de mercurio total y los factores maternos, nutricionales, y ambientales que explican la transferencia de mercurio a niños lactantes de municipios de Antioquia donde hay explotación minera de oro.

Materiales y métodos. Estudio transversal de 150 madres y sus hijos lactantes en cuatro municipios de Antioquia con gran tradición minera (El Bagre, Remedios, Segovia y Zaragoza). Se hizo una encuesta a las madres sobre los factores sociodemográficos, nutricionales (lactancia) y ambientales relacionados con la exposición al mercurio. Además, se tomaron muestras de leche materna y de orina y cabello en los niños y madres para la determinación de mercurio.

Resultados. La mediana de mercurio en cabello en los niños fue de 0,91 (RIC: 1,16) y en el 45,3 % de ellas se detectaron concentraciones superiores al límite normal. Las características que se asociaron con el aumento de las concentraciones de mercurio en cabello en los niños fueron: consumo de pescado en la madre, tiempo de residencia en el sector, concentraciones de mercurio en cabello y orina de la madre.

Conclusiones. El estudio permitió una mejor comprensión de la forma en que se presenta la transferencia de mercurio en los lactantes en las zonas mineras, y de los factores ambientales y maternos que influyen en dicha transferencia.

Palabras claves: lactantes; mercurio; minería; oro; leche materna.

Referencias

1. Cordy P, Veiga MM, Salih I, Al-Saadi S, Console S, Garcia O, *et al.* Mercury contamination from artisanal gold mining in Antioquia, Colombia: The world's highest per capita mercury pollution. *Sci Total Environ.* 2011;410-411:154-60. <https://doi.org/10.1016/j.scitotenv.2011.09.006>
2. Esdaile LJ, Chalker JM. The mercury problem in artisanal and small-scale gold mining. *Chemistry.* 2018;24:6905-16. <https://doi:10.1002/chem.201704840>
3. Molina C F, Rarango C M, Sepúlveda H. Contaminación por mercurio de leche materna de madres lactantes de municipios de Antioquia con explotación minera de oro. *Biomédica.* 2018;38:19–29 <https://doi.org/10.7705/biomedica.v38i0.3609>
4. Bose-O'Reilly S, Lettmeier B, Shokoc D, Roeder G, Drasch G, Siebert U. Infants and mothers levels of mercury in breast milk, urine and hair, data T from an artisanal and small-scale gold mining area in Kadoma / Zimbabwe. *Environmental Research.* 2020;184:109266. <https://doi.org/10.1016/j.envres.2020.109266>

Los efectos de la COVID-19 en las preferencias y creencias de consumidores de carne de res en Colombia: una aproximación desde modelos logit

Óscar Eduardo Ramírez¹, Andrés Camilo Charry², Manuel Francisco Díaz², Karen Johanna Enciso², Daniela Mejía¹, Stefan Burkart²

Investigador independiente, Cali, Colombia

Alianza de Bioversity International y el Centro Internacional de Agricultura Tropical (CIAT), Cali, Colombia

Introducción. La COVID-19 ha tenido implicaciones sociales, económicas y sanitarias, entre ellas, cambios en los sistemas alimentarios. Según la FAO y la Celac, en el marco de la pandemia ha aumentado el hambre y se ha visto comprometida la seguridad alimentaria, pero también se considera una oportunidad para establecer un sistema alimentario más resiliente.

Objetivo. Analizar los factores sociodemográficos asociados con el cambio de preferencias y de creencias de consumidores de carne de res en el marco de la cuarentena en Colombia.

Materiales y métodos. Con información de 581 encuestas se estimaron modelos de elección discreta para cada variable de creencia y preferencia en función de las variables sociodemográficas.

Resultados. Hubo una reducción muy significativa de los ingresos, lo que influyó en la disminución de consumo de carne de res. No hubo diferencias marcadas por grupos de edad, nivel educativo o tamaño del hogar. Prevalció una alta valoración y poco cambio en las preferencias de las personas encuestadas, es decir, las preferencias no cambiaron a raíz de la pandemia sino a causa de una disminución en los ingresos.

Conclusiones. El cambio en las decisiones sobre el consumo de carne de res se asoció con los cambios en los niveles de ingreso y no con la pandemia, lo que indica que los niveles de ingreso inciden en las decisiones de consumo, lo que aunado al cambio en las creencias, podría implicar cambios en las interacciones de los sistemas alimentarios.

Palabras clave: COVID-19; preferencias del consumidor; creencias del consumidor; sistema alimentario: modelo logit.

Referencias

1. FAO y CELAC. Seguridad alimentaria bajo la pandemia de COVID-19. Santiago de Chile: FAO; 2020. <https://doi.org/10.4060/ca8873es>
2. Béné C. Resilience of local food systems and links to food security – A review of some important concepts in the context of COVID-19 and other shocks. *Food Security*. 2020;12:805-22. <https://doi.org/10.1007/s12571-020-01076-1>
3. Russo C, Simeone M, Demartini E, Marescotti ME, Gaviglio A. (2021). Psychological pressure and changes in food consumption: the effect of COVID-19 crisis. *Heliyon*. 2021;7:e06607. <https://doi.org/10.1016/j.heliyon.2021.e06607>
4. Vázquez-Martínez UJ, Morales-Mediano J, Leal-Rodríguez AL. The Impact of the COVID-19 Crisis on Consumer Purchasing Motivation and Behavior. *European Research on Management and Business Economics*. 2021;27:100166. <https://doi.org/10.1016/j.jedeen.2021.100166>

“Quédate en casa”: Los efectos de la cuarentena por la COVID-19 en el desperdicio de alimentos domésticos en Colombia

Daniela Mejía¹, Manuel Francisco Díaz², Andrés Camilo Charry², Karen Johanna Enciso², Óscar Eduardo Ramírez¹, Stefan Burkart²

¹ Investigador independiente, Cali, Colombia

² Alianza de Bioversity International y el Centro Internacional de Agricultura Tropical (CIAT), Cali, Colombia

Introducción. El desperdicio de alimentos representa un desafío para el desarrollo sostenible, pues afecta la economía de los consumidores, y genera pérdida de recursos naturales y gases de efecto invernadero. La COVID-19 provocó una de las crisis económicas más graves de las últimas décadas.

Objetivos. Analizar el comportamiento del desperdicio de alimentos durante la cuarentena en Colombia en el 2020 aplicando la teoría del comportamiento planificado (TPB).

Materiales y métodos. Se hizo una encuesta a 581 consumidores acerca de sus intenciones, normas subjetivas, predictores situacionales, inquietudes en torno a la COVID-19 y el control del comportamiento percibido frente al desperdicio de alimentos. Las respuestas se analizaron mediante bosques aleatorios y regresiones logísticas.

Resultados. La TPB predice la intención y, a través de ella, el comportamiento del desperdicio de alimentos. Para la intención, las variables más relevantes fueron las actitudes, las normas subjetivas, el control de la conducta percibida y las preocupaciones sobre la pandemia, y para el comportamiento, la intención, las actitudes financieras y el control del comportamiento percibido.

Conclusiones. Las consideraciones sobre el desperdicio de alimentos fueron elementos predictores relevantes, pero el factor diferencial entre la disposición a no desperdiciar y el no hacerlo radicó en los ingresos. Es necesario crear estrategias que consideren los niveles de ingresos, su reducción y los gastos provocados por la COVID-19. El miedo también constituyó un predictor importante. Es necesario comunicar asertivamente las situaciones inherentes a la COVID-19 para reducir los comportamientos de consumo impulsados por el pánico.

Palabras clave: COVID-19; desperdicio de alimentos; pandemia; comportamiento del consumidor; regresión logística; bosques aleatorios.

Referencias

1. Lobb AE, Mazzocchi M, Traill WB. Modelling risk perception and trust in food safety information within the theory of planned behaviour. *Food Qual Prefer.* 2007;18:384-95. <https://doi.org/10.1016/j.foodqual.2006.04.004>
2. Ruiz-Roso MB, Padilha PC, Mantilla-Escalante DC, Ulloa N, Brun P, Acevedo-Correa D, *et al.* Covid-19 confinement and changes of adolescent's dietary trends in Italy, Spain, Chile, Colombia, and Brazil. *Nutrients.* 2020;12:1807. <https://doi.org/10.3390/nu12061807>
3. Stefani G, Cavicchi A, Romano D, Lobb AE. Determinants of intention to purchase chicken in Italy: the role of consumer risk perception and trust in different information sources. *Agribusiness.* 2008;24:523-37. <https://doi.org/10.1002/agr.20177>
4. Vidal-Mones B, Barco H, Díaz-Ruiz R, Fernández-Zamudio MA. Citizens' Food Habit Behavior and Food Waste Consequences during the First COVID-19 Lockdown in Spain. *Sustainability.* 2021;13:3381. <https://doi.org/10.3390/su130633>

Perfil de accidentalidad laboral en obreros del Perú, 2015: exploración de una base de datos abierta

Reynaldo Mauricio Rodríguez¹, Nuria Rakel Reynaga²

¹ Investigador independiente, Bucaramanga, Colombia

² Investigador independiente, Cusco, Perú

Introducción. La accidentalidad laboral en Perú ha venido incrementando, sin embargo, el subregistro aún es preocupante. Las cifras señalan que las actividades informales son las más afectadas.

Objetivo. Caracterizar una base de datos abierta sobre accidentalidad laboral en obreros peruanos durante el 2015.

Materiales y métodos. Se hizo un análisis descriptivo de la base de datos de accidentes laborales durante el 2015 en Perú. La fuente de recolección fue el Sistema de Accidentes de Trabajo – SAT. La base de datos se descargó en Excel y luego se exportó a STATA.

Resultados. Se encontraron 1.184 registros de obreros afectados por accidentes laborales; la actividad económica más frecuente fue la explotación de minas (26 %) y la industria de la manufactura (24,1 %). La región con más reportes de accidentes fue Lima (72,2 %). Los accidentes más reportados fueron los golpes con objetos (21,9 %), la caída de objetos (10 %) y los esfuerzos físicos (8,8 %). En cuanto a la naturaleza de la lesión, las contusiones (29,9 %) y las heridas cortantes (13,7 %) fueron las más reportadas. En cuanto a las consecuencias, el 56 % correspondió a accidente total temporal y el 41 % a accidentes leves. Los meses del año con mayor reporte fueron enero (10,2 %) y marzo (10,1 %).

Conclusión. El personal obrero se expone a constantes accidentes en su trabajo, sobre todo en las actividades manuales. Es importante adoptar medidas preventivas en estos oficios, sobre todo para los informales.

Palabras clave: accidente laboral; salud laboral; salud ocupacional.

Referencias

1. Mejía CR, Cárdenas MM, Gomero-Cuadra R. Notificación de accidentes y enfermedades laborales al Ministerio de Trabajo. Perú 2010-2014. Revista Peruana de Medicina Experimental y Salud Pública. 2015;32:526-31.
2. Dumont-Díaz JR, Suárez-Mansilla SL, Santiago-Martínez RN, Bizarro-Huamán EM. Accidentes laborales en el Perú: análisis de la realidad a partir de datos estadísticos. Revista Venezolana de Gerencia. 2020;25:312-29.
3. Cano-Candiotti C, Francia-Romero J. Estado de avance de la salud de los trabajadores en Perú. Acta Médica Peruana. 2018;35:3-5.
4. Cárdenas MM, Cáceres-Del-Carpio J, Mejía CR. Factores de riesgo y causas de lesión en los accidentes laborales de ocho provincias peruanas. Revista Cubana de Investigaciones Biomédicas. 2020;39.

Estrategias preventivas de la exposición a humos de soldadura en Colombia: revisión de literatura

Diana Carolina Cuaspa¹, César Germán Lizarazo², David Roberto Olaya²

¹ Programa de Entrenamiento en Epidemiología de Campo-FETP, Instituto Nacional de Salud, Bogotá, D.C., Colombia

² Pontificia Universidad Javeriana, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. Aproximadamente el 3 % de la población económicamente activa en el mundo corresponde a trabajadores relacionados con la soldadura y expuestos a los humos metálicos tóxicos que esta genera, los cuales se catalogan como cancerígenos y se asocian con otras enfermedades.

Objetivo. Proponer estrategias preventivas de la exposición por humos de soldadura para promover la salud de los soldadores en Colombia.

Materiales y métodos. Se hizo una revisión rápida con los lineamientos propuestos por Cochrane para detectar alternativas preventivas de la exposición a los humos de soldadura documentadas en estudios cualitativos, cuantitativos o revisiones sistemáticas entre el 2010 y el 2020 en cinco bases de datos (Scopus, Public Health Database, PubMed, EEE Xplore y LILACS). Se analizaron las estrategias aplicables en Colombia.

Resultados. Se encontraron 23 estudios sobre alternativas preventivas: 50 % sobre sustitución de materiales y técnicas, 25 % sobre controles de ingeniería, 13 % sobre controles administrativos, 8 % sobre la eliminación y 4 % sobre controles para el trabajador. Estas contemplaban la implementación de robots colaborativos, sistemas ciberfísicos, cambio de técnicas operativas y de materiales, uso de cabinas, ventilación localizada y formación de los soldadores.

Conclusión. Colombia necesita un sistema de vigilancia en salud pública para enfermedades ocupacionales, especialmente el cáncer. A corto plazo, las estrategias que se ajustan al contexto económico y político del país son medidas *in situ* para el control de la exposición; a largo plazo se deben implementar políticas públicas que faciliten el acceso a nuevos materiales y tecnologías que eliminen la exposición y garanticen la salud de esta población en todos los sectores económicos.

Palabras clave: soldador; humos de soldadura; prevención y control; condiciones de trabajo; salud pública.

Referencias

1. Wang Q, Jiao W, Yu R, Johnson MT, Zhang Y. Modeling of Human Welders' Operations in Virtual Reality Human-Robot Interaction. *IEEE Robot Autom Lett.* 2019;4:2958-64. <https://doi.org/10.1016/j.matdes.2013.08.002>
2. Carpenter KR, Monaghan BJ, Cuiuri D, Norrish J. Optimising the welding conditions to determine the influence of shielding gas on fume formation rate and particle size distribution for gas metal arc welding. *Weld World.* 2017;61:473-81.
3. Cezar-Vaz MR, Bonow CA, Vaz JC. Risk communication concerning welding fumes for the primary preventive care of welding apprentices in southern Brazil. *Int J Environ Res Public Health.* 2015;12:986-1002. <https://doi.org/10.3390/ijerph120100986>
4. Vaughan N, Rajan-Sithamparanadarajah B, Atkinson R. Evaluation of RPE-Select: A Web-Based Respiratory Protective Equipment Selector Tool. *Ann Occup Hyg.* 2016;60:900-12.
5. Espina C, Porta M, Schüz J, Aguado IH, Percival R V., Dora C, *et al.* Environmental and occupational interventions for primary prevention of cancer: A cross-sectorial policy framework. *Environmental Health Perspectives.* 2013;21:420-6. <https://doi.org/10.1289/ehp.1205897>

Autorrealización en el equipo de salud durante la pandemia de COVID-19 en el 2020

Javier Isidro Rodríguez¹, Mery González², Carlos Gómez³, Edgardo Muñoz⁴, María Inés Mantilla⁵

¹ Fundación Growing up, Bogotá, D.C., Colombia

² Red Iberoamericana de Conocimiento en Seguridad del Paciente, Bogotá, D.C., Colombia

³ Omnivida, Medellín, Colombia

⁴ Red Internacional de Enfermería Informática, Universidad del Cesar, Valledupar, Colombia

⁵ Red internacional de Enfermería Informática, Bogotá, D.C., Colombia

Introducción. La autorrealización se entiende como el cumplimiento máximo de las necesidades humanas y la potencialización de todos los aspectos que median en el cumplimiento de las propias expectativas, incluidos los conocimientos y las relaciones interpersonales. Esta debe evaluarse en los miembros de los equipos de salud, pues puede afectar la forma en que dimensionan la atención en salud.

Objetivo. Analizar los factores relacionados con la autorrealización en miembros de los equipos de salud durante la pandemia de COVID-19 en países Latinoamericanos en el 2020.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio observacional analítico y transversal en 164 miembros de equipos de salud pertenecientes a una red latinoamericana de profesionales de la salud. Se envió en un formulario el instrumento *Maslach Burnout Inventory* (MBI) con 22 ítems, variables sociodemográficas y condiciones de trabajo en el periodo de abril a octubre del 2020. Se analizaron los datos con técnicas de estadística descriptiva e inferencial, se aplicó un modelo binomial y se empleó el programa Rstudio.

Resultados. Los factores que disminuyen la probabilidad de autorrealización fueron: ser hombre (ORa: 2,34; IC_{95%}: 0,78-7,05), ser enfermero profesional (ORa: 2,22; IC_{95%}: 0,70-7,09), laborar en servicios clínicos (ORa: 1,97; IC_{95%}: 0,41-9,52, laborar en el turno de noche (ORa: 1,59 IC_{95%}: 0,41-6,25), no realizar pausas activas durante la labor (ORa: 1,61 IC_{95%}: 0,67-3,89) y no contar con elementos de protección personal (ORa: 1,99; IC_{95%}: 0,64-6,22), aunque sin significación estadística.

Conclusiones. La autorrealización es un aspecto esencial para la satisfacción individual que parte del cumplimiento de necesidades básicas e impacta de manera significativa la autopercepción de cada individuo. Son múltiples los aspectos que aumentan la probabilidad de una baja autorrealización, que en la población estudiada fue del 17,68 %, lo que debe atenderse en nuestros sistemas de salud.

Palabras clave: motivación; necesidades humanas; equipo de salud.

Referencias

1. Domínguez-Fernández JM, Padilla-Segura I, Domínguez-Fernández J, Domínguez-Padilla M. Tipologías comportamentales en relación con el burnout, mobbing, personalidad, autoconcepto y adaptación de conducta en trabajadores sanitarios. *Aten Primaria*. 2013;45:199–207. <https://doi.org/10.1016/j.aprim.2012.11.002>
2. Lira EC, Furtado L, Sobral F. The burnout epidemic during the COVID-19 pandemic: the role of Imx in alleviating physicians' burnout. *RAE Rev Adm Empres*. 2020;60:426–36. <https://doi.org/10.1590/S0034-759020200606>
3. Chavarría-Islas RA, Colunga-Gutiérrez FJ, Loria-Castellanos J, Peláez-Méndez K. Burnout syndrome in medical teachers in 2nd level hospital in México. *Educ Médica*. 2017;18:254–61.

Trastornos musculoesqueléticos por riesgo biomecánico en el teletrabajo y estrategias de intervención mediadas por TIC en los docentes de la Universidad Nacional Abierta y a Distancia (UNAD) durante la pandemia de COVID-19

Olga Lucía Rodríguez, Ángela García

Universidad Nacional Abierta y a Distancia; Semillero Bionativo, Tunja, Colombia

Introducción. La medida esencial para mitigar la propagación de la COVID-19 ha sido el confinamiento. En este contexto, este estudio se centró en los docentes de la UNAD y el riesgo biomecánico y ergonómico por el mal uso de las herramientas del puesto de trabajo, las posturas repetitivas y el sedentarismo.

Objetivo. Determinar los trastornos musculoesqueléticos ocasionados por el riesgo biomecánico en el teletrabajo y establecer estrategias de intervención a través de las TIC en los docentes de la UNAD.

Materiales y métodos. Se hizo un estudio de corte cuantitativo, no experimental, con muestreo no probabilístico y por conveniencia con 100 docentes de la UNAD en teletrabajo durante el 2021. Las variables relativas a la sintomatología de los trastornos musculoesqueléticos se evaluaron con el cuestionario Kuorinka y los riesgos biomecánicos con el método ROSA, instrumentos diligenciados por los propios participantes de forma digital.

Resultados. Con el cuestionario Kuorinka se reportó el sexo (63 % mujeres y 37 % hombres); el grupo etario (de 32 a 45 años: 56 %; de 21 a 31 años: 14 %), y el trabajo durante más de 8 horas diarias (41,66 %). Los trastornos musculoesqueléticos más prevalentes fueron en el cuello (41,66 %), la región lumbar (23,33 %), y la muñeca y las manos (22,3 %). Los resultados parciales con el método ROSA (registro fotográfico) fueron la disfunción en el uso de las herramientas del puesto de trabajo; el 91 % indicó que pasaba sentado ininterrumpidamente más de 4 horas o más de 1 hora.

Conclusión. El 90 % reportó molestias por dolor, principalmente en el cuello y la región lumbar, asociadas con el riesgo ergonómico en los puestos de trabajo en casa, siendo la silla disfuncional, la pantalla y el tiempo de exposición los principales factores determinantes de tales trastornos.

Palabras clave: trastornos musculoesqueléticos; teletrabajo; biomecánico; prevención; COVID-19.

Referencias

1. Di Martino V. El teletrabajo en América Latina y el Caribe. Proyecto Puesta en Marcha del Teletrabajo. Ginebra: Centro Internacional de Investigaciones para el Desarrollo; 2004. <https://www.scribd.com/document/330746271/EL-TELETRABAJO-EN-AMERICA-LATINA-Y-EL-CARIBE-pdf>
2. Ministerio de Trabajo. II Encuesta Nacional de Condiciones de Seguridad y Salud en el Trabajo en el Sistema General de Riesgos Laborales. Bogotá. D.C: Ministerio de Trabajo; 2013. https://ccs.org.co/salaprensa/images/Documentos/INFORME_EJECUTIVO_II%20ENCSSST.pdf
3. Muñoz F, Vanegas J. Asociación entre puesto de trabajo computacional y síntomas musculoesqueléticos en usuarios frecuentes. Med Segur Trab. 2012;58:98-106
4. Polo B, Nieto O. Guía de atención integral basada en la evidencia para desórdenes musculoesqueléticos (DME) relacionados con movimientos repetitivos de miembros superiores (síndrome del túnel carpiano, epicondilitis y enfermedad de Quervain) (GATI-DME). Bogotá, D.C.: Ministerio de la Protección Social; 2006. Fecha de consulta: 15 de marzo de 2019. Disponible en: https://www.epssura.com/guias/guias_mmss.pdf

..... ✕